

**PROPOSTA/SOLICITAÇÃO DE CREDENCIAMENTO
CHAMAMENTO PÚBLICO Nº: 008/2023/CEL/SUPEL/RO**

A empresa (nome / razão social), _____, CNPJ nº _____, com logradouro na _____ (endereço completo), fones de contato nºs _____ / _____, por intermédio de seu representante legal, Sr(a) _____, portador(a) do RG nº _____, expedida pelo _____, e do CPF nº _____, vem por meio desta, **na forma do INSTRUMENTO CONVOCATÓRIO - CHAMAMENTO PÚBLICO Nº: 008/2023/CEL/SUPEL/RO, item 5. e seus sub-itens**, apresentar o **ENVELOPE 01 contendo a documentação de habilitação** e o **ENVELOPE 02 contendo a documentação de qualificação técnica**, ao tempo que apresenta a proposta para o credenciamento para prestação de serviços na realização de ***Exames na Área de Patologia Clínica, de forma complementar aos procedimentos já existentes, com seus respectivos laudos, objetivando atender a Secretária de Estado da Saúde de Rondônia***, para os itens abaixo relacionados.

***Orientação de preenchimento:** A credenciante deverá indicar na tabela abaixo a quantidade mensal e anual **APENAS** dos exames os quais deseja se credenciar, preenchendo com "0" (zero) aqueles em que não ofertará proposta.

ITEM	DESCRIÇÃO/EXAME	TOTAL MENSAL	TOTAL ANUAL
1	Acondroplasia, estudo genético - gene FGFR3		
2	Análise da mutação pontual R506Q (G1691A) - Gene: Fator V da coagulação.		
3	ANÁLISE DA MUTAÇÃO NO GENE DA PROTROMBINA		
4	Análise molecular da sensibilidade a Varfarina		
5	ANATOMOPATOLÓGICO E IMUNOHISTOQUÍMICA - BIÓPSIA DE LINFONODOS		
6	ANATOMOPATOLÓGICO E IMUNOHISTOQUÍMICA - BIÓPSIA DE MEDULA ÓSSEA		
7	ANTI LKM-1 (MICROSSOMAL)		
8	anticorpo contra o receptor do N-metil-D-aspartato (NMDAR)		
9	ANTI-DNA DUPLA HÉLICE		
10	Apolipoproteína E, estudo genético		
11	Ataxias espinocerebelares, painel		

12	Atrofia Dentatorubro Palidolusiana (DRPLA) - gene ATN1		
13	Atrofia muscular espinhal, estudo molecular - Gene SMN1		
14	CARIOTIPO BANDEAMENTO G [LIQUIDO AMNIOTICO]		
15	CARIÓTIPO COM BANDA G - 100 CÉLULAS		
16	CARIÓTIPO COM BANDA G MEDULA		
17	CARIÓTIPO COM BANDA G SANGUE PERIFÉRICO - 100 CÉLULAS		
18	CARIÓTIPO COM BANDA G SANGUE PERIFÉRICO		
19	CARIÓTIPO COM PESQUISA DE QUEBRAS - DEB TESTE. SANGUE PERIFÉRICO.		
20	CARIOTIPO DE MATERIAL DE ABORTAMENTO COM BANDA G		
21	CARIOTIPO DE VILOSIDADE CORIONICA		
22	CARIÓTIPO FETAL COM BANDA G		
23	CGH-ARRAY PARA ANÁLISE DE ANOMALIAS CROMOSSÔMICAS		
24	Componente C1q do complemento - C1 Q		
25	CRIOGLOBULINAS (quantitativa e qualitativa)		
26	CTX - INTERLIGADORES C TERMINAIS - BETA-CROSS-LAPS		
27	CULTURA DE FUNGOS		
28	CULTURA PARA ESTREPTOCOCO DO GRUPO B (GBS)		
29	CULTURA PARA ESTREPTOCOCO DO GRUPO B (GBS)- SWAB DA REGIÃO VAGINAL E ANAL		
30	CULTURA PARA MICOBACTÉRIAS		
31	CURVA DE FRAGILIDADE OSMÓTICA DAS HEMÁCIAS		
32	DETERMINAÇÃO DA ATIVIDADE ANTI-TROMBINA III		
33	DETERMINAÇÃO DA ATIVIDADE DA BIOTINIDASE NO SANGUE		
34	DETERMINAÇÃO DA ATIVIDADE DA RENINA PLASMÁTICA		
35	DETERMINAÇÃO DA ATIVIDADE DE VON WILLEBRAND PELO COFATOR DA RISTOCETINA		
36	DETERMINAÇÃO DA MUTAÇÃO (c.1601G>A p.(R534Q) DO FATOR V DE LEIDEN		
37	DETERMINAÇÃO DA RESISTÊNCIA A PROTEÍNA C ATIVADA		
38	DETERMINAÇÃO DE ANTICORPOS ANTI-INSULINA		
39	DETERMINAÇÃO DE AUTO ANTICORPOS ANTI-GAD 65		

40	DETERMINAÇÃO DE MUTAÇÕES JAK2 V617F, CALR e MPL EM DOENÇAS MIELOPROLIFERATIVAS		
41	DETERMINAÇÃO QUANTITATIVA DE AMINOÁCIDOS - SANGUE		
42	DETERMINAÇÃO QUANTITATIVA DE AMINOÁCIDOS - URINA		
43	DETERMINAÇÃO SÉRICA DA ENOLASE NEURONAL ESPECÍFICA - NSE		
44	Doença de Gaucher, diagnóstico molecular - Mutações no gene GBA		
45	Doença de Huntington, teste molecular - Gene HTT		
46	DOSAGEM COMPLEMENTO TOTAL (CH100)		
47	DOSAGEM COMPLEMENTO TOTAL (CH50)		
48	DOSAGEM CORTISOL SALIVAR		
49	DOSAGEM CORTISOL URINÁRIO		
50	DOSAGEM DA ECA - Enzima Conversora da Angiotensina		
51	DOSAGEM DE 17-ALFA HIDROXIPROGESTERONA		
52	DOSAGEM DE ADENOSINA DEAMINASE - ADA		
53	DOSAGEM DE ALDOSTERONA POSTURAL - S		
54	DOSAGEM DE ALFA1 ANTITRIPSINA		
55	DOSAGEM DE ALUMÍNIO		
56	DOSAGEM DE AMÔNIA		
57	DOSAGEM DE ANTICORPO - BLOQUEADOR DO RECEPTOR DE ACETILCOLINA		
58	DOSAGEM DE ANTICORPOS ANTIFOSFOLÍPIDES		
59	DOSAGEM DE ARSÊNIO NA URINA		
60	DOSAGEM DE CADEIAS LEVE LIVRES. SORO.		
61	DOSAGEM DE CATECOLAMINAS - FRAÇÕES		
62	DOSAGEM DE CITRATO NA URINA		
63	DOSAGEM DE COBRE (SÉRICO E URINÁRIO)		
64	DOSAGEM DE FRUTOSE (ESPERMA)		
65	DOSAGEM DE GLICOSE 6-FOSFATO DEHIDROGENASE/G6PD		
66	DOSAGEM DE IGG4		
67	DOSAGEM DE LIPOPROTEINA - A		
68	DOSAGEM DE MACROPROLACTINA		

69	DOSAGEM DE OXALATO NA URINA		
70	DOSAGEM DE PEPTÍDEO INTESTINAL VASOATIVO [VIP]		
71	DOSAGEM DE PROTEÍNA "C" FUNCIONAL – TOTAL E LIVRE		
72	DOSAGEM DE PROTEÍNA "S" - TOTAL E LIVRE		
73	DOSAGEM DE SELÊNIO		
74	DOSAGEM DE VITAMINA A (RETINOL)		
75	DOSAGEM DE ZINCO		
76	DOSAGEM DE METANEFRIAS URINÁRIA - FRAÇÕES NORMETANEFRIAS E METANEFRIAS		
77	DOSAGEM DE PIRUVATOQUINASE ERITROCITÁRIA		
78	DOSAGEM FATOR X DA COAGULAÇÃO		
79	DOSAGEM FATOR XIII COAGULAÇÃO		
80	ELETROFORESE DE HEMOGLOBINA		
81	Eletroforese de Lipoproteína		
82	ELETROFORESE DE PROTEÍNAS SÉRICAS		
83	EXAME DE ARRAY CGH + SNP		
84	EXAME DE SNP-CG4		
85	EXAME SEQUENCIAMENTO DO EXOMA - (Mutações de ponto (substituições); Indels (pequenas deleções e duplicações); Análise de alteração do número de cópias (CNVs); mínimo de Genes analisados: Análise de aproximadamente $\geq 6\ 000$ genes do genoma humano. (5969 genes nucleares + 37 genes mitocondriais)		
86	Exoma Clínico e o sequenciamento do genoma mitocondrial (Mutações de ponto (substituições); Indels (pequenas deleções e duplicações); CNVs (grandes deleções e duplicações); Análise de alteração do número de cópias (CNVs); Confirmação de variantes; Variantes Mitocondriais; Análise de achados incidentais; Análise de genes clinicamente mais relevantes), mínimo de Genes analisados: Análise de ≥ 22 mil genes do genoma humano.		
87	FISH BCR-ABL t(9.22) - FISH para translocação BCR/ABL		
88	FISH para deleção/amplificação Leucemia linfocítica crônica: del(17p); TP53; (17p13.1)		
89	FISH PARA PESQUISA DE HIPERMUTAÇÃO DA IgH (cadeia pesada da imunoglobulina) - SCREENING S		
90	HLA B27		
91	HLA B51		
92	IGE COCHONILHA		
93	IMUNOFENOTIPAGEM - PAINEL PROLIFERATIVO - S, MEDULA ÓSSEA		

94	IMUNOFENOTIPAGEM - PAINEL PROLIFERATIVO - S, SANGUE PERIFÉRICO		
95	IMUNOFIXAÇÃO DE PROTEÍNAS SÉRICAS		
96	IMUNOFLUORESCÊNCIA DIRETA DE BIOPSIA RENAL COM MICROSCOPIA ÓPTICA		
97	METANEFRINAS NO SANGUE		
98	PAINEL DE IMUNODEFICIÊNCIAS PRIMÁRIAS COMPLETO Genes analisados (460)		
99	PAINEL DE MUTAÇÕES LINFÓIDES		
100	PAINEL DE MUTAÇÕES MIELÓIDES		
101	PCR ENTEROVÍRUS		
102	PCR HVS (HERPES)		
103	PEQUISA DE ANTICORPOS ANTI-ENDOMÍSIO IgA		
104	PEQUISA DE ANTICORPOS ANTI-ENDOMÍSIO IgG		
105	PEQUISA DE ANTICORPOS ANTI-ENDOMÍSIO IgM		
106	PESQUISA ANTICORPOS ANTI-ACTINA		
107	PESQUISA CROMOSSÔMICA/MOLECULAR DO X FRÁGIL		
108	Pesquisa de FISH PARA LEUCEMIA AGUDA TRANSLOCAÇÕES t(8;21), t(15;17), t(16;16), inv (16)		
109	Pesquisa de FISH PARA TRANSLOCAÇÃO MIELOMA MÚLTIPLO: t(4;14), t(11;14), t(14;16) t(14;18). IGH/MAF,		
110	Pesquisa de MLPA de APC (polipose adenomatose familiar (PAF) - mínimo de Genes Analisados: APC		
111	Pesquisa de MLPA de BRCA1 (câncer de mama e ovário hereditário. Variantes patogênicas em heterozigose no gene BRCA1) - mínimo de Genes Analisados: BRCA1		
112	Pesquisa de MLPA de BRCA2 (câncer de mama e ovário hereditário. Variantes patogênicas em heterozigose no gene BRCA2) - mínimo de Genes Analisados: BRCA2		
113	Pesquisa de MLPA de BRIP1 (câncer de mama hereditário. Variantes patogênicas em heterozigose no gene BRIP1) - mínimo de Genes Analisados: BRIP1		
114	Pesquisa de MLPA de CDH1 (câncer gástrico difuso hereditário (CDH1) - mínimo de Genes Analisados: CDH1		
115	Pesquisa de MLPA de CDK4 (melanoma maligno cutâneo. Variantes patogênicas em heterozigose no gene CDK4) - mínimo de Genes Analisados: CDK4		
116	Pesquisa de MLPA de CDKN2A (melanoma maligno cutâneo familiar. Variantes patogênicas em heterozigose no gene CDKN2A) - mínimo de Genes Analisados: CDKN2A		
117	Pesquisa de MLPA de CHEK2 (câncer de mama e próstata hereditário. Variantes patogênicas em heterozigose no gene CHEK2 (Checkpoint Kinase 2) - mínimo de Genes Analisados: CHEK2		

118	Pesquisa de MLPA de MEN1 (neoplasia endócrina múltipla tipo 1. Variantes patogênicas em heterozigose no gene MEN1) - mínimo de Genes Analisados: MEN1		
119	Pesquisa de MLPA de MET (carcinoma papilar das células renais com suspeita de câncer hereditário. Variantes patogênicas em heterozigose no gene MET) - mínimo de Genes Analisados: MET		
120	Pesquisa de MLPA de MLH1 (câncer colorretal não-polipóide hereditário (HNPCC) - suspeita de síndrome de Lynch e outros tipos de câncer hereditário. Variantes patogênicas em heterozigose no gene MLH1) - mínimo de Genes Analisados: MLH1		
121	Pesquisa de MLPA de MSH2 (câncer colorretal não-polipóide hereditário (HNPCC) - suspeita de síndrome de Lynch e outros tipos de câncer hereditário. Variantes patogênicas em heterozigose no gene MSH2) - mínimo de Genes Analisados: MSH2		
122	Pesquisa de MLPA de MSH6 (câncer colorretal não-polipóide hereditário (HNPCC) - suspeita de síndrome de Lynch e outros tipos de câncer hereditário. Variantes patogênicas em heterozigose no gene MSH6) - mínimo de Genes Analisados: MSH6		
123	Pesquisa de MLPA de MUTYH (polipose adenomatose familiar (PAF) trato gastrointestinal, principalmente no cólon. Variantes patogênicas em heterozigose no gene MUTYH) - mínimo de Genes Analisados: MUTYH		
124	Pesquisa de MLPA de PALB2 (câncer de mama e ovário hereditário. Variantes patogênicas em heterozigose no gene PALB2) - mínimo de Genes Analisados: PALB2		
125	Pesquisa de MLPA de PMS2 (câncer colorretal não-polipóide hereditário (HNPCC) - suspeita de síndrome de Lynch e outros tipos de câncer hereditário. Variantes patogênicas em heterozigose no gene PMS2) - mínimo de Genes Analisados: PMS2		
126	Pesquisa de MLPA de PTEN (síndrome de Cowden, síndrome de Bannayan-Riley-Ruvalcaba, síndrome autismo-macrocefalia, síndrome de Proteus, entre outras) Variantes patogênicas em heterozigose no gene PTEN) - mínimo de Genes Analisados: PTEN		
127	Pesquisa de MLPA de RB1 (Retinoblastoma hereditário. Variantes patogênicas em heterozigose no gene RB1) - mínimo de Genes Analisados: RB1		
128	Pesquisa de MLPA de RET (neoplasia endócrina múltipla tipo 2 (MEN2), carcinoma medular de tireóide e feocromocitoma hereditários. Variantes detectadas somente no exame de sequenciamento do gene RET) - mínimo de Genes Analisados: RET		
129	Pesquisa de MLPA de SDHB (paraganglioma não-sindrômico, síndrome de Cowden, tumor estromal Gastrointestinal e outros cânceres relacionados .A Síndrome de Peutz-Jeghers (SPJ) ou outras formas de câncer hereditário. síndrome do paraganglioma-feocromocitoma hereditário (PGL/FEO) e outras doenças relacionadas ao SDHB. Variantes no gene SDHB estão associadas à PGL/FEO) - mínimo de Genes Analisados: SDHB		
130	Pesquisa de MLPA de STK11 (polipose gastrointestinal, pigmentação cutâneo-mucosa e predisposição ao câncerA Síndrome de Peutz-Jeghers (SPJ) ou outras formas de câncer hereditário. Variantes patogênicas em heterozigose no gene STK11) - mínimo de Genes Analisados: STK11		
131	Pesquisa de MLPA de TP53 (carcinoma adrenocortical, câncer de mama, tumores do sistema nervoso central,		

	osteosarcomas e sarcomas de tecidos moles - suspeita de síndrome de Li-Fraumeni ou outras formas de câncer hereditário. Variantes patogênicas em heterozigose no gene TP53) - mínimo de Genes Analisados: TP53		
132	Pesquisa de MLPA de WT1 (tumor de Wilms e doenças relacionadas. Variantes patogênicas heterozigose no gene WT1 cursam com risco aumentado para tumor de Wilms e podem ainda cursar com as síndromes de Denys-Drash, de Frasier, de Meacham e síndrome nefrótica tipo 4) - mínimo de Genes Analisados: WT1		
133	Pesquisa de Painel de Câncer de Próstata Hereditário HRR (20 genes relacionados a câncer de próstata hereditário) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ATM BARD1 BRCA1 BRCA2 BRIP1 CDK12 CHEK1 CHEK2 EPCAM FANCL MLH1 MSH2 MSH6 PALB2 PMS2 RAD51B RAD51C RAD51D RAD54L TP53		
134	Pesquisa de Painel de Câncer Hereditário (Completo) (265 genes relacionados a câncer hereditário, incluindo formas mais raras como melanoma hereditário, feocromocitoma, doença de Von Hippel Lindau, paraganglioma, cilindromatose, síndrome de Birt-Hogg-Dubé, complexo de Carney, xeroderma pigmentoso, tumor teratóide rabdóide, síndrome hereditária de leiomiomatose e câncer renal, osteocondromatose múltipla (exostose múltipla), entre outras) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ACD AIP AKT1 ALK ANKRD26 APC ARMC5 ASCL1 ASXL1 ATM ATP4A ATR AXIN2 BAP1 BARD1 BDNF BLM BMPR1A BPGM BRAF BRCA1 BRCA2 BRIP1 BUB1B CABLES1 CASP10 CASP9 CBL CD70 CDC73 CDH1 CDH23 CDK12 CDK4 CDKN1B CDKN1C CDKN2A CEBPA CEP57 CHEK1 CHEK2 CREBBP CSF3R CTC1 CTNNA1 CTNNB1 CTR9 CYLD DDB2 DDX41 DICER1 DIS3L2 DKC1 DLST DNAJC21 DNMT3B DOCK8 EDN3 EFL1 EGFR EGLN1 EGLN2 EPAS1 EPCAM ERCC2 ERCC3 ERCC4 ERCC5 ERCC6 ERCC6L2 ETV6 EXT1 EXT2 EZH2 FAN1 FANCA FANCB FANCC FANCD2 FANCE FANCF FANCG FANCI FANCL FANCM FAS FASLG FBXW7 FGFR1 FH FIBP FLCN FOXE1 G6PC1 GALNT12 GATA1 GATA2 GLMN GNAS GPC3 HCLS1 HIF3A HNF1A HNF1B HOXB13 HRAS IPMK JAG1 JAK2 KDM1A KDM3B KIF1B KIT KLLN KRAS LAPTM5 LDAH LIG4 LZTR1 MAD2L2 MAGT1 MAP2K1 MAP2K2 MAP3K1 MAX MBD4 MCM4 MDH2 MEN1 MET MITF MLH1 MLH3 MMP1 MNX1 MRE11 MSH2 MSH3 MSH6 MSR1 MTAP MUTYH MYCN NBN NF1 NF2 NHP2 NME1 NOP10 NRAS NSD1 NTHL1 NTRK1 NYN1RIN OS9 PALB2 PARN PAX5 PBRM1 PDGFB PDGFRA PDGFRB PHOX2B PIK3CA PMS2 POLD1 POLE POLH POT1 PPP2R2A PPP2R3B PRF1 PRKAR1A PSMC3IP PTCH1 PTCH2 PTEN PTPN11 RABL3 RAD50 RAD51 RAD51B RAD51C RAD51D RAD54L RAF1 RASA2 RASAL1 RB1 RBBP6 RECQL RECQL4 RET RFWF3 RHBDF2 RMI2 RNASEL RNF139 RNF43 RPS20 RRAS RSPO1 RTEL1 RUNX1 SAMD9 SAMD9L SASH1 SBDS SDHA SDHAF2 SDHB SDHC SDHD SEC23B SETBP1 SH2B3 SH2D1A SHOC2 SLC25A11 SLX4 SMAD4 SMARCA4 SMARCA1 SMARCB1 SMARCE1 SOS1 SPRTN SRP54 SRP72 STAT3 STK11 SUFU TERC TERF2IP TERT TET2 TEX15 TGFB2 THSD1 TINF2 TMC6 TMC8 TMEM127 TOP3A TP53 TPCN2 TRIM28 TRIP13 TSC1 TSC2 UBE2T USP8 VHL WAS WIPF1 WRAP53 WRN WT1 WWOX XIAP XPA XPC XRCC2 ZNF687		
135	Pesquisa de Painel de Câncer Hereditário (Principais Genes) (genes relacionados às formas mais comuns de predisposição hereditária ao câncer, incluindo os cânceres de mama, ovário, endométrio, intestino/colorretal (formas polipóides e não-polipóides), próstata, gástrico, neoplasia endócrina múltipla (MEN1), pâncreas, Síndrome de Li-Fraumeni, entre outras) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados:		

	APC ATM BAP1 BARD1 BLM BMPR1A BRCA1 BRCA2 BRIP1 CDH1 CDK4 CDKN2A CHEK2 EGFR EPCAM FANCC FANCM MEN1 MET MLH1 MSH2 MSH3 MSH6 MUTYH NBN NTHL1 PALB2 PMS2 POLD1 POLE PTEN RAD51C RAD51D RECQL RET STK11 TP53		
136	Pesquisa de Pannel de Meningioma (genes mais importantes associados a susceptibilidade hereditária à Meningioma) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - minimo de Genes Analisados: ARMC5 BAP1 LZTR1 PDGFB PTEN SMARCB1 SMARCE1 SUFU		
137	Pesquisa de Síndrome de Marfan (sequenciamento do gene FBN1) (identifica doença do tecido conectivo que causa alterações oculares, cardiovasculares e esqueléticas) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - minimo de Genes Analisados: FBN1		
138	Pesquisa de Síndrome de Rubinstein-Taybi-SRT (MLPA da região 16p13) (identifica deficiência de crescimento pós-natal, microcefalia, características faciais específicas, polegares e dedos do pé alargados, atraso do desenvolvimento, entre outros) - minimo de Genes Analisados: CREBBP		
139	Pesquisa de Síndrome de Russell-Silver-SRS (metilação de 11p15) (identifica doença genética de restrição de crescimento intrauterino e pós-natal, resultante de alterações na regulação de genes que controlam o crescimento) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - minimo de Genes Analisados: IGF2		
140	Pesquisa de Síndrome de Smith-Magenis (MLPA da região 17p11) (identifica deficiência intelectual, características faciais distintas, distúrbios do sono e problemas comportamentais, entre outros) - minimo de Genes Analisados: RAI1		
141	Pesquisa de Síndrome de Sotos (MLPA da região 5q35) (identifica diagnóstico de indivíduos com suspeita clínica de síndrome de Sotos - crescimento excessivo na infância, dismorfias crânio-faciais e atraso no desenvolvimento neuropsicomotor) - minimo de Genes Analisados: NSD1		
142	Pesquisa de Síndrome de WAGR (MLPA da região 11p13) (identifica aumento de risco para desenvolvimento tumor de Wilms, aniridia (ausência de íris), anomalias gênito-urinárias e deficiência intelectual) - minimo de Genes Analisados: PAX6 WT1		
143	Pesquisa de Síndrome de Williams (MLPA da região 7q11.23) (identifica deficiência intelectual, personalidade característica, problemas cardiovasculares, entre outros) - minimo de Genes Analisados: CLIP2 ELN GTF2I GTF2IRD1 LIMK1		
144	Pesquisa de Síndrome de Wolf-Hirschhorn (MLPA da região 4p16) (identifica atraso no crescimento e no desenvolvimento, deficiência intelectual, convulsões e aparência facial típica) - minimo de Genes Analisados: LETM1 MSX1		
145	Pesquisa de Triagem de Portador de Mutações de Doenças Recessivas (identifica mutações previamente descritas e/ou reconhecidamente patogênicas em 165 genes relacionados a doenças autossômicas recessivas) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - minimo de Genes Analisados: ABCC8 ACADM ACADVL ADA ADAMTS2 AGA AGL AGXT AIRE ALDH3A2 ALDOB ALG6 ALMS1 ALPL AMT ARG1 ARSA ASL ASPA ASS1 ATM ATP7B BBS1 BBS10 BBS12 BBS2 BCKDHA BCKDHB BCS1L BLM BTD CAPN3 CFTR CLN3 CLN5 CLN6 CLN8 CLRN1 COL4A3		

	COL4A4 CPS1 CPT1A CPT2 CTNS CTSK CYP11B1 CYP27A1 DBT DHCR7 DHDDS DLD DYSF ELP1 ERCC6 ERCC8 EVC EVC2 F11 FAH FANCA FANCC FKRP FKTN G6PC1 GAA GALC GALK1 GALT GBA GCDH GJB2 GLB1 GLDC GNE GNPTAB GNPTG GRHPR HADHA HBB HEXA HEXB HGSNAT HLCS HMGCL HOGA1 HSD17B4 HYLS1 IDUA IVD KCNJ11 LAMA2 LAMA3 LAMB3 LAMC2 LIPA LRPPRC MAN2B1 MCOLN1 MESP2 MKS1 MLC1 MMAA MMAB MMACHC MMUT MPI MPL MTTP MYO7A NAGLU NBN NEB NPC1 NPC2 NPHS1 NPHS2 OPA3 PAH PC PCCA PCCB PCDH15 PEX1 PEX10 PEX12 PEX2 PEX6 PEX7 PHGDH PKHD1 PMM2 POMGNT1 PPT1 PROP1 PTS RTEL1 SACS SGCA SGCB SGCD SGCG SGSH SLC12A6 SLC17A5 SLC22A5 SLC26A2 SLC26A4 SLC35A3 SLC37A4 SMPD1 STAR SUMF1 TAT TCIRG1 TGM1 TH TMEM216 TPP1 TTPA USH1C USH2A VPS13B XPA XPC ZFYVE26		
146	Pesquisa de Amiloidose Familiar (sequenciamento do gene TTR) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flangeadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: TTR		
147	PESQUISA DE ANTICORPOS ANTINUCLEARES - FAN		
148	Pesquisa de Anticorpos Contra Antígenos Celulares em Células HEp-2 - FANHEP2		
149	PESQUISA DE ANTICORPOS ANTI MÚSCULO LISO, ANTICORPOS ANTI-ASMA		
150	PESQUISA DE ANTICORPOS ANTI-AQUAPORINA 4 (ANTICORPOS IgG - S)		
151	Pesquisa de Arteriopatia Cerebral (CADASIL - sequenciamento do gene NOTCH3) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flangeadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: NOTCH3		
152	Pesquisa de Ataxia de Friedreich (expansão FXN) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flangeadoras) e avaliação do número de cópias (CNV)		
153	Pesquisa de Ataxia Espinocerebelar Tipo 10 (expansão ATXN10/SCA10) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flangeadoras) e avaliação do número de cópias (CNV)		
154	Pesquisa de Ataxia Espinocerebelar Tipo 3 - Machado-Joseph (expansão ATXN3/SCA3) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flangeadoras) e avaliação do número de cópias (CNV)		
155	Pesquisa de Ataxia Espinocerebelar Tipo 6 (expansão CACNA1A/SCA6) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flangeadoras) e avaliação do número de cópias (CNV)		
156	Pesquisa de Ataxia Espinocerebelar Tipo 7 (expansão ATXN7/SCA7) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flangeadoras) e avaliação do número de cópias (CNV)		
157	Pesquisa de Ataxias Espinocerebelares por Expansões (SCA1, SCA2, SCA3, SCA6) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flangeadoras) e avaliação do número de cópias (CNV)		
158	Pesquisa de Atrofia Espinhal Progressiva (MLPA de SMN1 e SMN2) - mínimo de Genes Analisados: SMN1 SMN2		
159	Pesquisa de Atrofia Espinhal Progressiva (sequenciamento NGS de SMN1 após MLPA) - mínimo de Genes Analisados: SMN1		

160	PESQUISA DE CELULAS CD16		
161	PESQUISA DE CELULAS CD19		
162	PESQUISA DE CELULAS CD2		
163	PESQUISA DE CELULAS CD3		
164	PESQUISA DE CELULAS CD4		
165	PESQUISA DE CELULAS CD56		
166	PESQUISA DE CELULAS CD8		
167	Pesquisa de Charcot-Marie-Tooth Tipo 1A e HNPP (MLPA de PMP22) - minimo de Genes Analisados: PMP22		
168	PESQUISA DE CLONE HPN - CD59		
169	Pesquisa de Distrofia Miotônica Tipo I – Steinert (expansão DMPK) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flangeadoras) e avaliação do número de cópias (CNV)		
170	Pesquisa de Distrofia Miotônica Tipo II (expansão CNBP) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flangeadoras) e avaliação do número de cópias (CNV)		
171	Pesquisa de Distrofia Muscular de Duchenne (MLPA do gene DMD) - minimo de Genes Analisados: DMD		
172	Pesquisa de Doença de Huntington (expansão HTT) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flangeadoras) e avaliação do número de cópias (CNV)		
173	Pesquisa de Doença de Kennedy (atrofia muscular espinhal e bulbar) (expansão AR) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flangeadoras) e avaliação do número de cópias (CNV)		
174	Pesquisa de Esclerose Lateral Amiotrófica (ELA) (expansão C9orf72) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flangeadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - minimo de Genes Analisados: C9orf72		
175	Pesquisa de FISH para deleção/amplificação Leucemia linfocítica crônica: del(17p); TP53; (17p13.1)		
176	Pesquisa de FISH PARA EOSINOFILIAS: rearranjos PDGFRA-FIP1L1, PDGFRb-ETV6, PCM1-JAK2, FGFR1-JAK2, FLT3 rearranjos, ETV6 rearranjos.		
177	Pesquisa de FISH PARA LLA t(v;11q23), Gene MLL		
178	Pesquisa de FISH PARA LNH Difuso de grandes células B: MYC breakapart (ba), MYC/IGH translocation, BCL2/IGH translocation, BCL6 ba and CCND1/IGH translocation		
179	Pesquisa de Hiperplasia Adrenal Congênita por Deficiência de CYP21A2 (Seq. + MLPA) - sequenciamento do gene CPY21A2 por Sanger, além da identificação de microdeleções ou microduplicações por MLPA.		
180	PESQUISA DE LTA (Leishmaniose Tegumentar Americana) E FUNGOS DE RASPADO		
181	Pesquisa de MLPA de ATM (ataxia-telangiectasia ou de câncer hereditário) - minimo de Genes Analisados: ATM		
182	Pesquisa de MLPA de BAP1 (síndrome de predisposição tumoral) - minimo de Genes Analisados: BAP1		

183	Pesquisa de Pannel de Anemia de Fanconi - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: BRCA1 BRCA2 BRIP1 COX4I1 ERCC4 FANCA FANCB FANCC FANCD2 FANCE FANCF FANCG FANCI FANCL FANCM MAD2L2 PALB2 RAD51 RAD51C RFWD3 SLX4 UBE2T XRCC2		
184	Pesquisa de Pannel de Anemias Hereditárias - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ABCB7 ABCD4 ABCG5 ABCG8 ACD ADA2 ADH5 AK1 ALAS2 ALDOA AMMECR1 AMN ANK1 APOB ATP11C ATRX BOLA2 BRCA1 BRCA2 BRIP1 CBLIF CD46 CD59 CDAN1 CDIN1 CFB CFH CFI COQ2 COX4I1 COX4I2 CPOX CTC1 CUBN DHFR DKC1 DNAJC19 DNAJC21 EFL1 EPB41 EPB42 EPO ERCC4 ERCC6L2 FANCA FANCB FANCC FANCD2 FANCE FANCF FANCG FANCI FANCL FANCM FECH FTCD G6PD GATA1 GCLC GLRX5 GPI GSR GSS HBA1 HBA2 HBB HK1 HMOX1 HSPA9 IREB2 IVD KCNN4 KIF23 KLF1 LARS2 LCAT LMBRD1 LPIN2 MAD2L2 MDM4 MMAA MMAB MMACHC MMADHC MMUT MPIG6B MTHFD1 MTR MTRR MYSM1 NBN NHP2 NOP10 NT5C3A PALB2 PANK2 PARN PCCA PCCB PFKM PGK1 PIEZO1 PKLR PNPO PRF1 PUS1 RACGAP1 RAD51 RAD51C RFWD3 RGL2 RHAG RPL10 RPL10A RPL11 RPL15 RPL18 RPL19 RPL26 RPL27 RPL3 RPL31 RPL34 RPL35 RPL35A RPL5 RPLP0 RPS10 RPS11 RPS14 RPS15A RPS17 RPS19 RPS20 RPS24 RPS26 RPS27 RPS28 RPS29 RPS7 RTEL1 SBDS SC5D SEC23B SLC11A2 SLC19A1 SLC19A2 SLC25A38 SLC2A1 SLC46A1 SLC4A1 SLX4 SPTA1 SPTB SRC SRP54 SRP72 STEAP3 TALDO1 TCN2 TERT TF TFRC TGFB1 THBD TINF2 TKFC TMPRSS6 TP53 TPI1 TRNT1 TSR2 UBE2T UMPS UROD UROS VPS13A VPS4A WRAP53 XK XRCC2 YARS2 ZCCHC8		
185	Pesquisa de Pannel de Aneurisma Aórtico - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ACTA2 BGN COL1A1 COL1A2 COL3A1 COL5A1 COL5A2 EFEMP2 FBLN5 FBN1 LOX MFAP5 MYH11 MYLK PRKG1 SKI SLC2A10 SMAD3 SMAD6 TGFB2 TGFB3 TGFB1 TGFB2		
186	Pesquisa de Pannel de Arritmias - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: AARS2 ABCC6 ABCC9 ACAD8 ACAD9 ACADVL ACTA1 ACTC1 ACTN2 ADCY5 AGK AGL AHCY ALG1 ALG12 ALMS1 ALPK3 ANK2 ANKS6 ARSB ATAD3A ATP5F1E ATPAF2 BAG3 BCS1L BMP2 BOLA3 BRAF BSCL2 C1QBP C1QTNF5 CACNA1C CACNB2 CALM1 CALM2 CALM3 CALR3 CAP2 CASQ2 CAV3 CAVIN1 CENPE CEP19 CHKB CLIC2 CLN3 COA5 COA6 COA8 COQ2 COQ4 COX10 COX14 COX15 COX20 COX6B1 COX7B CPT1A CPT2 CRYAB CSRP3 CTNNA3 D2HGDH DCAF8 DES DIP2A DLD DMD DNAJC19 DOLK DPM3 DPP6 DSC2 DSG2 DSP DTNA ECHS1 ELAC2 EMD EPG5 ERBB3 EYA4 FAH FASTKD2 FBXL4 FHL1 FHOD3 FIG4 FKRP FKTN FLAD1 FLNC FNIP1 FOXRED1 FTO FUCA1 FXN GAA GATAD1 GBE1 GJA5 GLA GLB1 GMPPB GNAI2 GNB5 GNPTAB GNS GPC3 GPD1L GSN GTPBP3 GYS1 HADH HADHA HADHB HCCS HCN4 HGSNAT HPS1 HRAS HSD17B10 IDH2 IDUA ITPA JPH2 JUP KCNA5 KCND3 KCNE2 KCNE3 KCNH1 KCNH2 KCNJ2 KCNJ5 KCNQ1 KIF20A LAMA4 LAMP2 LDB3 LIAS LMNA MAP2K1 MAP2K2 MCCC2 MCM10 MGME1 MIB1 MLYCD MMUT MRPL3 MRPL4 MRPS22 MRPS7 MT-TI MTFMT MTO1 MYBPC3 MYH6 MYH7 MYL2 MYL3 MYL4 MYLK2 MYO6 MYOT MYOZ2 MYPN NAGLU NDUFA1 NDUFA10 NDUFA11 NDUFA12 NDUFA2 NDUFA6 NDUFA9 NDUFAF1 NDUFAF2 NDUFAF3 NDUFAF4 NDUFAF5 NDUFAF6 NDUFB10 NDUFB11 NDUFB3 NDUFB8 NDUFB9 NDUFS1 NDUFS2 NDUFS3 NDUFS4 NDUFS6 NDUFS7 NDUFS8 NDUFV1 NDUFV2 NEU1 NEXN NKX2-5 NONO NPPA NRAP NUBPL NUP155 PAM16 PCCA PCCB PET100 PGM1 PHYH PIGT PKP2		

	<p>PLEKHM2 PLN PMM2 PNPLA2 POLG POMT1 PPCS PPP1R13L PRDM16 PRG4 PRKAG2 PRKAR1A PSEN1 PSEN2 PSMB4 PSMB8 PSMB9 RAB3GAP2 RAF1 RBCK1 RBM20 RIT1 RMND1 RPL3L RRAGD RYR2 SCN1B SCN2B SCN3B SCN5A SCO1 SCO2 SDHA SDHAF1 SDHD SELENON SGCA SGCB SGCD SGCG SGSH SHMT2 SHOC2 SLC19A2 SLC22A5 SLC25A20 SLC25A26 SLC25A3 SLC25A4 SLC30A5 SLC6A6 SOD2 SOS1 SPEG SURF1 SYNE1 SYNE2 TACO1 TAF1A TAFAZZIN TANGO2 TAPT1 TBX1 TBX3 TBX5 TCAP TECRL TF TGFB3 TIMMDC1 TMEM126A TMEM126B TMEM43 TMEM70 TNNC1 TNNI3 TNNI3K TNNT2 TOP3A TOR1AIP1 TPM1 TPM3 TRDN TRIT1 TRMT5 TRNT1 TRPM7 TSC1 TSFM TTN TTR TWNK UBR1 UQCRFS1 VCL VPS33A WFS1 XK XPNPEP3 YARS2</p>		
187	<p>Pesquisa de Painel de Ataxias (NGS) (painel inclui a pesquisa a Ataxia-Telangiectasia, Ataxia com Apraxia Oculomotora, entre outras) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ABHD12 ACO2 AFG3L2 ANO10 APOB APTX ATCAY ATM ATP8A2 BEAN1 CACNA1A CACNA1G CACNB4 CCDC88C CLCN2 CLN5 COQ2 COQ8A CYP27A1 DDC DNMT1 EBF3 ELOVL4 FGF14 FLVCR1 FXN GOSR2 GRM1 ITPR1 KCNA1 KCNC3 KCND3 KCNJ10 KIF1A LAGE3 LAMA1 MRE11 MTPP NPC1 NPC2 NUP107 NUP133 OSGEP PCNA PDSS1 PDSS2 PDYN PEX7 PHYH PMPCA PNKP PNPLA6 POLG PRKCG PRNP PTF1A RUBCN SACS SCN2A SETX SIL1 SLC1A3 SLC2A1 SPG7 SPTBN2 SYNE1 SYT14 TDP1 TGM6 TP53RK TPP1 TPRKB TTBK2 TTPA TWNK TXN2 VLDLR WDR4 WDR73 WFS1 WWOX</p>		
188	<p>Pesquisa de Painel de Autismo (Transtorno do Espectro Autista (TEA).) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ADNP ANKRD11 ARID1B ASH1L AUTS2 CAMK2A CHD2 CHD8 DDX3X DYRK1A EHMT1 FOXP1 GRIA1 GRIN2B HNRNPH2 KMT2A KMT2C KMT5B MBD5 MECP2 MED12 NAA15 NEXMIF NLGN3 NLGN4X PACS1 POGZ PPM1D PTCHD1 PTEN RPL10 SCN2A SETD2 SHANK1 SHANK2 SHANK3 SYN1 SYNGAP1 TBL1XR1 TBR1 TRIO TRIP12 UBE3A</p>		
189	<p>Pesquisa de Painel de Baixa Estatura - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ACAN ADAMTS10 ANKRD11 ATR BRAF CBL CCDC8 CDC6 CDT1 CENPJ CEP152 CEP63 CHD7 COL10A1 COL2A1 COL9A1 COL9A2 COMP CREBBP CUL7 FBN1 FGF8 FGFR1 FGFR3 GH1 GHR GHRHR GLI2 GLI3 GNAS HESX1 HRAS IGF1 IGF1R IGF2 IGFALS IHH KRAS LHX3 LHX4 MAP2K1 NPPC NPR2 NRAS OBSL1 ORC1 ORC4 ORC6 OTX2 PAPSS2 PCNT PITX2 POU1F1 PRKAR1A PROP1 PTH1R PTPN11 RAF1 RBBP8 SHOC2 SHOX SOS1 SOX3 SOX9 SRCAP STAT5B XRCC4</p>		
190	<p>Pesquisa de Painel de Câncer Colorretal Hereditário - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: APC ATM AXIN2 BARD1 BLM BMPR1A BRCA1 BRCA2 BRIP1 CDH1 CDK4 CDKN2A CHEK2 EGFR EPCAM FANCC IPMK MBD4 MEN1 MET MLH1 MSH2 MSH3 MSH6 MUTYH NBN NTHL1 PALB2 PMS2 POLD1 POLE PTEN RABL3 RAD51C RAD51D RECQL RET RNF43 RPS20 SMAD4 STK11 TP53</p>		
191	<p>Pesquisa de Painel de Câncer de Mama e Ovário Hereditários - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: APC ATM BAP1 BARD1 BLM BMPR1A BRCA1 BRCA2 BRIP1 CDH1 CDK4 CDKN2A CHEK2 EGFR EPCAM FANCC FANCM MEN1 MET MLH1 MSH2 MSH3 MSH6 MUTYH NBN NTHL1 PALB2 PMS2 POLD1 POLE PTEN RAD51C RAD51D RECQL RET STK11 TP53</p>		

192	Pesquisa de Paineis de Colestase Crônica - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ABCB11 ABCB4 ATP8B1 CFTR JAG1 KIF12 LSR MYO5B NR1H4 PPM1F SERPINA1 TJP2 USP53 VIPAS39 VPS33B WDR83OS		
193	Pesquisa de Paineis de Demências e Parkinson - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ABCD1 APP ARSA ATP13A2 ATP1A3 ATP7B CHMP2B CSF1R CYP27A1 DCTN1 DNAJC6 EIF4G1 FBXO7 FUS GALT GBA GCH1 GFAP GLA GRN HEXA HTRA2 ITM2B LMNB1 LRRK2 MAPT NOTCH3 NPC1 NPC2 PANK2 PARK7 PINK1 PLA2G6 PNKD POLG PPT1 PRKN PRKRA PRNP PRRT2 PSAP PSEN1 PSEN2 SGCE SLC2A1 SLC6A3 SNCA SPG11 SPR SQSTM1 TARDBP TH THAP1 TOR1A TREM2 TYROBP UBQLN2 UCHL1 VCP VPS35		
194	Pesquisa de Paineis de Diabetes Monogênico (Maturity-Onset Diabetes of the Young - MODY) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ABCC8 APPL1 CEL EIF2AK3 GATA6 GCK HNF1A HNF1B HNF4A INS KCNJ11 KLF11 NEUROD1 NEUROG3 PDX1 PLAGL1 PTF1A RFX6 SH2B1 SLC19A2 SLC2A2 WFS1 ZFP57		
195	Pesquisa de Paineis de Discinesia Ciliar Primária - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: CCDC103 CCDC39 CCDC40 CCDC65 CCNO CFAP298 CFAP300 DNAAF1 DNAAF11 DNAAF2 DNAAF3 DNAAF4 DNAAF5 DNAAF6 DNAH1 DNAH11 DNAH5 DNAI1 DNAI2 DNAJB13 DNAL1 DRC1 GAS8 HYDIN NME8 ODAD1 ODAD2 ODAD3 ODAD4 RSPH1 RSPH3 RSPH4A RSPH9 SPAG1 ZMYND10		
196	Pesquisa de Paineis de Dislipidemias - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: APOB LDLR LDLRAP1 PCSK9		
197	Pesquisa de Paineis de Distonias - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ADCY5 ANO3 ARG1 ARSA ATM ATP1A3 ATP7B CACNA1B COL6A3 CP GCDH GCH1 GNAL HPRT1 KCNMA1 KCTD17 MRE11 PANK2 PCNA PLA2G6 PNKD PRKN PRKRA PRRT2 RELN SGCE SLC2A1 SLC6A3 SPR TAF1 TH THAP1 TIMM8A TOR1A TUBB4A WDR45		
198	Pesquisa de Paineis de Distrofias Musculares, Miopatias e Miastenia - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ACTA1 AGRN ANO5 B3GALNT2 B4GAT1 BAG3 BIN1 CAPN3 CAV3 CFL2 CHAT CHKB CHRNA1 CHRNB1 CHRND CHRNE CNTN1 COL6A1 COL6A2 COL6A3 COLQ CPT2 CRYAB DAG1 DES DMD DNAJB6 DNM2 DOK7 DPAGT1 DPM1 DPM3 DYSF EMD FHL1 FKRP FKTN FLNC GAA GFPT1 GMPPB GNE HNRNPA1 HNRNPA2B1 IGHMBP2 ITGA7 KBTBD13 LAMA2 LARGE1 LDB3 LMNA MAGEL2 MATR3 MTM1 MUSK MYH7 MYL2 MYOT NEB ORAI1 PABPN1 PLEC PNPLA2 POMGNT1 POMGNT2 POMK POMT1 POMT2 PYGM RAPSN RXYLT1 RYR1 SELENON SGCA SGCB SGCD SGCG SQSTM1 STIM1 TCAP TGFB1 TIA1 TK2 TNNT1 TPM2 TPM3 TRIM32 TTN VCP VMA21 YARS2		
199	Pesquisa de Paineis de Distúrbios da Função Renal - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: AGXT AQP2 ATP6V0A4 ATP6V1B1 AVPR2 BSND CLCNKA CLCNKB CLDN16 CLDN19 CNNM2 CTNS GLA GRHRP HOGA1 KCNJ1		

	SCNN1A SCNN1B SCNN1G SLC12A1 SLC12A3 SLC4A4 TRPM6		
200	Pesquisa de Pannel de Doença Policística Renal - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: DNAJB11 DZIP1L GANAB NOTCH2 PKD1 PKD2 PKHD1		
201	Pesquisa de Pannel de Doenças Auto-inflamatórias - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ADAM17 ARPC1B CARD11 CD55 EGFR FOXP3 IL10RA IL10RB IL1RN IL36RN ITCH LPIN2 MEFV MVK NLRC4 NLRP12 NLRP3 NOD2 PLCG2 PSTPIP1 TNFAIP3 TNFRSF1A		
202	Pesquisa de Pannel de Doenças da Córnea - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ADAMTS18 AGBL1 ARL2 CFD CHRDL1 CHST6 COL8A2 CRIM1 DCN GRHL2 KERA KRT12 KRT3 LTBP2 NLRP1 OVOL2 PIKFYVE PITX2 PLCB3 PRDM5 PXDN SLC16A12 SLC4A11 TACSTD2 TGFB1 UBIAD1 ZEB1 ZNF469		
203	Pesquisa de Pannel de Doenças Mitocondriais (DNA Nuclear e Mitocondrial) - Pannel de Doenças Mitocondriais (DNA Nuclear e Mitocondrial) analisa, através da técnica de NGS, genes relacionados à doenças mitocondriais - mínimo de Genes Analisados: AARS2 ACAD9 AIFM1 ATP5F1A ATP5F1E ATPAF2 BCS1L BOLA3 C1QBP CAR2 CHCHD10 COA8 COX10 COX14 COX15 COX20 COX6B1 CYC1 DARS2 DDC DGUOK DNA2 EARS2 ECHS1 ELAC2 FARS2 FASTKD2 FBXL4 FDX2 FDXR FOXRED1 GFER GFM1 GTPBP3 HADHA HADHB IBA57 ISCA1 ISCA2 ISCU LIAS LIPT2 LRPPRC LYRM4 LYRM7 MARS2 MGME1 MICOS13 MPC1 MPV17 MRPL3 MRPL44 MRPS16 MRPS2 MRPS22 MRPS34 MRPS7 MSTO1 MT-ATP6 MT-ATP8 MT-CO1 MT-CO2 MT-CO3 MT-CYB MT-ND1 MT-ND2 MT-ND3 MT-ND4 MT-ND4L MT-ND5 MT-ND6 MT-TA MT-TC MT-TD MT-TE MT-TF MT-TG MT-TH MT-TI MT-TK MT-TL1 MT-TL2 MT-TM MT-TN MT-TP MT-TQ MT-TR MT-TS1 MT-TS2 MT-TV MT-TW MT-TY MTFMT MTO1 MTRFR NARS2 NDUFA1 NDUFA10 NDUFA11 NDUFA12 NDUFA2 NDUFA9 NDUFAF1 NDUFAF2 NDUFAF3 NDUFAF4 NDUFAF5 NDUFAF6 NDUFB3 NDUFB8 NDUFB9 NDUFS1 NDUFS2 NDUFS3 NDUFS4 NDUFS6 NDUFS7 NDUFS8 NDUFV1 NDUFV2 NFU1 NUBPL OPA1 PCK2 PET100 PNPLA8 PNPT1 POLG POLG2 PUS1 RMND1 RNASEH1 RRM2B SCO1 SDHA SDHAF1 SDHD SFXN4 SLC25A26 SLC25A3 SLC25A4 SUCLA2 SUCLG1 SUOX SURF1 TACO1 TANGO2 TARS2 TIMMDC1 TK2 TMMEM126B TMMEM70 TRIT1 TRMT10C TRMT5 TSFM TTC19 TUFM TWNK TXN2 TYMP UQCC2 UQCC3 UQCRB UQCRC2 UQCRQ VARS2 WARS2 YARS2		
204	Pesquisa de Pannel de Doenças Tratáveis - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ABCB11 ABCB4 ABCC8 ABCD1 ABCD4 ABCG5 ABCG8 ACAD8 ACADM ACADVL ACAT1 ADA ADAMTS13 AGL AICDA AK2 AKR1D1 ALAD ALAS2 ALDH7A1 ALDOA ALDOB ALPL AMACR AMT APOA5 APOC2 AQP2 ARG1 ARSA ARSB ASL ASS1 ATP6V0A4 ATP6V1B1 ATP7A ATP7B ATP8B1 AVPR2 BAAT BCKDHA BCKDHB BCKDK BCL10 BLNK BSND BTB BTK CA5A CAD CARD11 CASR CD247 CD320 CD3D CD3E CD3G CD40 CD40LG CD79A CD79B CDCA8 CFTR CIC CIITA CLCNKA CLCNKB CLDN16 CLDN19 CNNM2 COL1A1 COL1A2 CORO1A CPOX CPS1 CPT1A CPT2 CTNS CTPS1 CXCR2 CXCR4 CYBA CYBB CYBC1 CYP11B1 CYP11B2 CYP17A1 CYP27A1 CYP27B1 CYP2R1 CYP7A1 CYP7B1 DBT DCLRE1C DDC DGAT1 DHFR DLD DMD DNAJC12 DNAJC21 DOCK2 DUOX2 DUOX2 EFL1 ELANE ETFA ETFB ETFDH ETHE1 F8 F9 FAH FBP1 FCHO1 FECH FGA FLAD1 FOLR1 FOXE1 FOXN1 FOXP3 G6PC1 G6PC3		

	<p>G6PD GAA GALC GALE GALK1 GALM GALNS GALT GAMT GATA2 GATM GBA GBE1 GBP1 GCDH GCH1 GCK GCSH GF11 GGCX GJB2 GJB6 GLA GLB1 GLDC GLIS3 GLRA1 GLRB GLUD1 GOT2 GPIHBP1 GUSB GYS1 GYS2 HADH HADHA HADHB HAX1 HBB HCFC1 HESX1 HLCS HMBS HMGCL HMGCS2 HPD HSD3B2 HSD3B7 HYOU1 IDS IDUA IFNGR1 IFNGR2 IGLL1 IGSF1 IKBKB IL12B IL12RB1 IL2RA IL2RG IL7R INS INSR IRF8 IRS4 IVD IYD JAGN1 JAK3 KCNJ1 KCNJ11 LAT LCK LCT LDHA LHX3 LHX4 LIPA LMBRD1 LMF1 LPL MAGT1 MALT1 MAN2B1 MAP3K14 MC2R MCEE MLYCD MMAA MMAB MMACHC MMADHC MMUT MOCS1 MPI MPL MPO MRAP MTHFR MTR MTRR MTTP MYD88 MYH9 NAGLU NAGS NCF2 NCF4 NEUROG3 NHEJ1 NKX2-1 NKX2-5 NNT NPC1 NPC2 NR0B1 ORA1 OTC OTX2 OXCT1 PAH PAX8 PC PCBD1 PCCA PCCB PCK1 PDXK PFKM PGAM2 PGM1 PHEX PHGDH PHKA1 PHKA2 PHKB PHKG2 PIK3R1 PLPBP PNP PNPO POU1F1 PPOX PRF1 PRKDC PROP1 PSAT1 PSPH PTPRC PTS PYGL PYGM QDPR RAC2 RAG1 RAG2 RASGRP1 RB1 RFX5 RFXANK RFXAP RORC SBDS SCNN1A SCNN1B SCNN1G SGSH SH2D1A SI SLC12A1 SLC16A1 SLC19A1 SLC19A2 SLC19A3 SLC22A5 SLC25A13 SLC25A15 SLC25A19 SLC25A20 SLC26A3 SLC26A4 SLC26A7 SLC27A5 SLC2A1 SLC2A2 SLC37A4 SLC39A4 SLC46A1 SLC52A2 SLC52A3 SLC5A1 SLC5A5 SLC5A6 SLC6A5 SLC6A6 SLC7A7 SLC7A9 SMN1 SMPD1 SORD SPR SRP54 STAR STAT1 STX11 STXPB2 TANGO2 TAP1 TAP2 TAPBP TAT TBL1X TCN2 TFRC TG TH THAP11 THRA TJP2 TK2 TPK1 TPO TPP1 TRH TRHR TRPM6 TSHB TSHR TTPA TUBB1 UGT1A1 UNC13D UNG UROD UROS USP53 VDR VKORC1 VPS45 WAS WIPF1 XIAP ZAP70 ZNF143</p>		
205	<p>Pesquisa de Painel de Endocrinopatias Neonatais - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ABCC8 CYP11B1 CYP17A1 DUOXA2 GCK GLIS3 GLUD1 HADH INSR IYD KCNJ11 LHX4 NR0B1 PAX8 POU1F1 PROP1 SLC16A1 SLC2A2 SLC5A5 TG THRA THRB TPO TSHB</p>		
206	<p>Pesquisa de Painel de Epidermólise Bolhosa - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: CAST CD151 CDSN CHST8 COL17A1 COL7A1 CSTA DSP DST EXPH5 FERMT1 FLG2 ITGA3 ITGA6 ITGB4 KLHL24 KRT14 KRT5 LAMA3 LAMB3 LAMC2 MMP1 PLEC SERPINB8 TGM5</p>		
207	<p>Pesquisa de Painel de Epilepsias - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: AARS1 ACER3 ADAM22 ADGRV1 ADRA2B ADSL AIMP2 ALDH7A1 ALG13 AMT AP3B2 ARHGEF9 ARV1 ARX ASAH1 ATP13A2 ATP1A2 ATP1A3 ATP6V1A ATP7A ATP8A2 BRAF BRAT1 BSCL2 CACNA1A CACNA1D CACNA1E CACNB4 CAMK2A CASK CASR CCDC88A CDK5 CDKL5 CERS1 CHD2 CHRNA2 CHRNA4 CHRNB2 CILK1 CLCN2 CLDN5 CLN3 CLN5 CLN6 CLN8 CLTC CNNM2 CNPY3 CNTN2 CNTNAP2 CPA6 CPLX1 CSTB CTSD CYFIP2 DCX DDC DEAF1 DENND5A DEPDC5 DHDDS DIAPH1 DIP2A DLAT DNAJC5 DNM1 DOCK7 EEF1A2 EIF2S3 EMX2 EPM2A EXT2 FOLR1 FOXG1 FRRS1L GABBR2 GABRA1 GABRA2 GABRA3 GABRA5 GABRB1 GABRB2 GABRB3 GABRG2 GAMT GATM GBA GCSH GLDC GNAO1 GOSR2 GPAA1 GRIA4 GRIN1 GRIN2A GRIN2B GRIN2D GRN HACE1 HCN1 HECW2 HEXA HEXB HNRNPU IER3IP1 IQSEC2 ITPA KANSL1 KATNB1 KCNA1 KCNA2 KCNB1 KCNC1 KCNJ10 KCNMA1 KCNQ2 KCNQ3 KCNT1 KCNT2 KCTD17 KCTD3 KCTD7 LAMB1 LGI1 LIAS LMNB2 MBD5 MDH2 MECP2 MED17 MEF2C MFSD8 MOCS1 MOCS2 NACC1 NDE1 NECAP1 NHLRC1 NPC1 NPC2 NPRL2 NPRL3 NR4A2 NRXN1 NUS1 OTUD6B PACS2 PAFAH1B1 PCDH12 PCDH19 PDHA1 PDHX PDP1 PIGA PIGC PIGN PIGP PIGT PLAA PLCB1 PLPBP PNKP PNPO POLG POLG2 PPP3CA PPT1 PRDM8 PRICKLE1 PRICKLE2 PRRT2 PTPN23</p>		

	QARS1 RAB11A RBFOX1 RELN RHOBTB2 ROGDI RORB RPH3A RTN4IP1 RTTN SARS1 SCARB2 SCN1A SCN1B SCN2A SCN3A SCN8A SGCE SHH SIX3 SLC12A5 SLC13A5 SLC25A22 SLC2A1 SLC35A3 SLC45A1 SLC6A1 SLC6A8 SLC6A9 SLC9A6 SMC1A SMS SNAP25 SNIP1 SPATA5 SPTAN1 SRPX2 ST3GAL3 ST3GAL5 STRADA STX1B STXBP1 SUOX SYN1 SYNGAP1 SYNJ1 SZT2 TBC1D24 TBCD TCF4 TMTC3 TPP1 TRIO TSC1 TSC2 TUBA1A UBA5 UBE3A UFC1 UFM1 VARS1 VRK2 WASF1 WDR45B WWOX YWHAG ZEB2		
208	Pesquisa de Painel de Esclerose Tuberosa - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: TSC1 TSC2		
209	Pesquisa de Painel de Feocromocitoma e Paraganglioma - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: MAX NF1 RET SDHA SDHAF2 SDHB SDHC SDHD TMEM127 VHL		
210	Pesquisa de Painel de Hemocromatose - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: CP HAMP HFE HJV SLC40A1 TFR2		
211	Pesquisa de Painel de Hemofilias A e B - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: F8 F9		
212	Pesquisa de Painel de Ictiose e Displasia Ectodérmica - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ABCA12 ABHD5 ALDH3A2 ALOX12B ALOXE3 AP1S1 CDH1 CDH3 CLDN1 COG6 CSTA CYP4F22 DLX3 EDA EDAR EDARADD ELOVL4 ERCC2 FLG GJA1 GJB2 GJB6 GRHL2 HOXC13 HR IFT122 ITPR2 JUP KDF1 KREMEN1 KRT1 KRT10 KRT14 KRT2 KRT74 KRT85 LIPN LORICRIN MBTPS2 MSX1 NECTIN1 NECTIN4 NFKBIA NIPAL4 NLRP1 PKP1 PNPLA1 POMP PRKD1 SLC27A4 SMARCAD1 SNAP29 ST14 STS TGM1 TP63 TWIST2 WNT10A		
213	Pesquisa de Painel de Imunodeficiências (Principais Genes) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ADA AICDA BLNK BTK CD247 CD3D CD3E CD3G CD40 CD40LG CD79A CD79B CIITA CYBA CYBB DCLRE1C ELANE FOXP1 FOXP3 G6PC3 GATA2 GF11 HAX1 IFNGR1 IFNGR2 IGLL1 IL12RB1 IL2RG IL7R JAK3 LRRC8A MAGT1 MPO MYD88 NCF2 NCF4 NHEJ1 ORAI1 PNP PRF1 PTPRC RAC2 RAG1 RAG2 RFX5 RFXANK RFXAP SH2D1A STAT1 STX11 STXBP2 TAP1 TAP2 TAPBP UNC13D UNG WAS WIPF1 XIAP		
214	Pesquisa de Painel de Imunodeficiências e Doenças Imunológicas (Completo) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: A2ML1 ABCD4 ACD ACP5 ADA ADA2 ADAM17 ADNP AGA AICDA AIRE AK2 ALG1 ALG12 AP3B1 ARPC1B ATM B2M BCL10 BCL11B BLM BLNK BRCA1 BRCA2 BRIP1 BTK BUB1B C1QA C1QB C1QC C1R C1S C2 C3 C5 C6 C7 C8A C8B CARD11 CARD9 CASP10 CASP8 CAVIN1 CCBE1 CCDC103 CCDC39 CCDC40 CCDC65 CCNO CD19 CD247 CD27 CD3D CD3E CD3G CD40 CD40LG CD55 CD59 CD79A CD79B CD81 CD8A CDCA7 CDSN CEBPE CFAP298 CFAP300 CFAP418 CFB CFD CFH CFI CFP CHAMP1 CHD1 CHD7 CIITA CLEC7A CLPB COG6 COG7 CORO1A CPN1 CR2 CREBBP CRIPT CSF3R CTC1 CTLA4 CTPS1 CXCR4 CYBA CYBB DCLRE1C DEAF1 DHFR DKC1 DNAAF1 DNAAF11 DNAAF2 DNAAF3 DNAAF4 DNAAF5 DNAAF6 DNAH1 DNAH11 DNAH5 DNAI1 DNAI2		

	<p>DNAJC21 DNAL1 DNASE1L3 DNMT3B DOCK2 DOCK8 DRC1 DSG1 EFL1 EGFR ELANE ELP1 EPG5 ERCC2 ERCC4 ERCC6L2 ETV6 EXTL3 F12 FADD FANCA FANCB FANCC FANCD2 FANCE FANCF FANCG FANCI FANCL FANCM FAS FASLG FAT4 FBXL4 FCGR3A FCN3 FERMT3 FMO3 FOXP1 FOXP3 G6PC3 GALNS GAS8 GATA1 GATA2 GF11 GSS GTF2H5 HAX1 HELLS HGSNAT HTR1A HYDIN ICOS IFIH1 IFNGR1 IFNGR2 IGHM IGKC IGLL1 IKBKB IKZF1 IL10RA IL10RB IL12B IL12RB1 IL17F IL17RA IL17RC IL1RN IL21 IL21R IL2RA IL2RG IL36RN IL7R IRAK4 IRF2BP2 IRF7 IRF8 ISG15 ITCH ITGB2 ITK IVD JAGN1 JAK3 KMT2D KRAS LAMTOR2 LAT LCK LEP LIG4 LPIN2 LRBA LRRC8A LYST MAD2L2 MAGT1 MALT1 MAN2B1 MANBA MC2R MCM4 MEFV MGP MMAA MMAB MMACHC MMUT MOGS MPL MPO MS4A1 MSN MTHFD1 MVK MYD88 NBN NCF2 NCF4 NFASC NFE2L2 NFKB1 NFKB2 NFKBIA NGF NHEJ1 NHP2 NLRC4 NLRP12 NLRP3 NME8 NOD2 NOP10 NRAS NSMCE3 ODAD1 ODAD2 ODAD3 ODAD4 ORAI1 OXCT1 PALB2 PARN PCCA PCCB PEPD PGM3 PIK3CD PIK3R1 PLCG2 PMM2 PNP POLA1 POLE PPP1R21 PRF1 PRKCD PRKDC PSTPIP1 PTPRC RAB27A RAC2 RAD50 RAD51 RAD51C RAG1 RAG2 RASGRP1 RBCK1 RBM8A RELB RFWD3 RFX5 RFXANK RFXAP RNF113A RNF168 RNF31 RORC RPL11 RPL15 RPL18 RPL26 RPL35A RPL5 RPS10 RPS17 RPS19 RPS24 RPS26 RPS28 RPS29 RPS7 RPSA RSPH1 RSPH3 RSPH4A RSPH9 RTEL1 SAMD9 SAMD9L SAMHD1 SBDS SCNN1B SCNN1G SDCCAG8 SEMA3E SERAC1 SERPING1 SGPL1 SH2D1A SKIV2L SLC35A1 SLC35A2 SLC35C1 SLC37A4 SLC39A4 SLC39A8 SLC46A1 SLK SLX4 SMARCAL1 SMARCD2 SNAI2 SP110 SPAG1 SPATA5 SPINK5 SRP72 STAT1 STAT2 STAT3 STAT5B STIM1 STING1 STK4 STN1 STX11 STXBP2 TAFAZZIN TALDO1 TAP1 TAP2 TAPBP TBCE TBX1 TBXAS1 TCN2 TERT TFRC TGFB3 TINF2 TNFAIP3 TNFRSF13B TNFRSF13C TNFRSF1A TPI1 TRAC TRAF3IP2 TRNT1 TRPS1 TSR2 TTC37 TTC7A TYK2 UBE2T UMPS UNC119 UNC13D UNG USB1 VIPAS39 VPS13B VPS33B VPS45 WAS WIPF1 WRAP53 XIAP XRCC2 ZAP70 ZBTB24 ZMYND10</p>		
215	<p>Pesquisa de Pannel de Infertilidade Masculina - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: AK7 ARMC2 AURKC CATSPER1 CATSPER2 CDC14A CEP19 CFAP251 CFAP43 CFAP44 CFAP69 CFTR DNAH1 DNAH6 DPY19L2 FANCM FSIP2 KLHL10 MEIOB NANOS1 NR5A1 PMFBP1 QRICH2 SLC26A8 SOHLH1 SOX8 SPATA16 SPINK2 SUN5 SYCP3 TDRD9 TEX11 TEX14 TEX15 TSGA10 USP9Y XRCC2</p>		
216	<p>Pesquisa de Pannel de Leucodistrofias - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: AARS2 ABCD1 ACOX1 ADAR AIMP1 ALDH3A2 ARSA ASPA ATP7A ATP7B ATPAF2 BCAP31 BCS1L CLCN2 COL4A1 COQ2 COQ8A COQ9 COX10 COX15 CSF1R CYP27A1 CYP2U1 CYP7B1 D2HGDH DARS1 DARS2 DGUOK EARS2 EIF2B1 EIF2B2 EIF2B3 EIF2B4 EIF2B5 ERCC2 ERCC3 ERCC6 ERCC8 ETFDH FA2H FAM126A FUCA1 GALC GBE1 GFAP GFM1 GJA1 GJC2 GLA GLB1 GM2A GTF2H5 HEPACAM HEXA HEXB HSD17B4 HSPD1 HTRA1 L2HGDH LAMA2 LMNB1 MCOLN1 MLC1 MPLKIP MRPS16 MTFMT NDUFAF1 NDUFS1 NDUFS2 NDUFS4 NDUFS7 NDUFS8 NDUFV1 NOTCH3 NPC1 NPC2 OCLN OCRL PEX1 PEX10 PEX11B PEX12 PEX13 PEX14 PEX16 PEX19 PEX2 PEX26 PEX3 PEX5 PEX6 PEX7 PHGDH PHYH PLP1 POLG POLG2 POLR3A POLR3B PPT1 PRF1 PSAP PSAT1 RNASEH2A RNASEH2B RNASEH2C RNASET2 RRM2B SAMHD1 SCO1 SCP2 SDHA SDHAF1 SDHB SLC16A2 SLC17A5 SLC25A1 SLC25A12 SLC25A4 SOX10 SPART SPAST SPG11 SPG21 SPG7 STX11 STXBP2 SUCLA2 SUMF1 SURF1 TACO1 TREX1 TUBB4A TUFM TWNK TYMP TYROBP UNC13D ZFYVE26</p>		

217	<p>Pesquisa de Paineis de Miocardiopatias - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: AARS2 ABCC6 ABCC9 ACAD8 ACAD9 ACADVL ACTA1 ACTC1 ACTN2 ADCY5 AGK AGL AHCY ALG1 ALG12 ALMS1 ALPK3 ANK2 ANKS6 ARSB ATAD3A ATP5F1E ATPAF2 BAG3 BCS1L BMP2 BOLA3 BRAF BSCL2 C1QBP C1QTNF5 CACNA1C CACNB2 CALM1 CALM2 CALM3 CALR3 CAP2 CASQ2 CAV3 CAVIN1 CENPE CEP19 CHKB CLIC2 CLN3 COA5 COA6 COA8 COQ2 COQ4 COX10 COX14 COX15 COX20 COX6B1 COX7B CPT1A CPT2 CRYAB CSRP3 CTNNA3 D2HGDH DCAF8 DES DIP2A DLD DMD DNAJC19 DOLK DPM3 DPP6 DSC2 DSG2 DSP DTNA ECHS1 ELAC2 EMD EPG5 ERBB3 EYA4 FAH FASTKD2 FBXL4 FHL1 FHOD3 FIG4 FKRP FKTN FLAD1 FLNC FNIP1 FOXRED1 FTO FUCA1 FXN GAA GATAD1 GBE1 GJA5 GLA GLB1 GMPPB GNAI2 GNB5 GNPTAB GNS GPC3 GPD1L GSN GTPBP3 GYS1 HADH HADHA HADHB HCCS HCN4 HGSNAT HPS1 HRAS HSD17B10 IDH2 IDUA ITPA JPH2 JUP KCNA5 KCND3 KCNE2 KCNE3 KCNH1 KCNH2 KCNJ2 KCNJ5 KCNQ1 KIF20A LAMA4 LAMP2 LDB3 LIAS LMNA MAP2K1 MAP2K2 MCCC2 MCM10 MGME1 MIB1 MLYCD MMUT MRPL3 MRPL44 MRPS22 MRPS7 MT-TI MTFMT MTO1 MYBPC3 MYH6 MYH7 MYL2 MYL3 MYL4 MYLK2 MYO6 MYOT MYOZ2 MYPN NAGLU NDUFA1 NDUFA10 NDUFA11 NDUFA12 NDUFA2 NDUFA6 NDUFA9 NDUFAF1 NDUFAF2 NDUFAF3 NDUFAF4 NDUFAF5 NDUFAF6 NDUFB10 NDUFB11 NDUFB3 NDUFB8 NDUFB9 NDUFS1 NDUFS2 NDUFS3 NDUFS4 NDUFS6 NDUFS7 NDUFS8 NDUFV1 NDUFV2 NEU1 NEXN NKX2-5 NONO NPPA NRAP NUBPL NUP155 PAM16 PCCA PCCB PET100 PGM1 PHYH PIGT PKP2 PLEKHM2 PLN PMM2 PNPLA2 POLG POMT1 PPCS PPP1R13L PRDM16 PRG4 PRKAG2 PRKAR1A PSEN1 PSEN2 PSMB4 PSMB8 PSMB9 RAB3GAP2 RAF1 RBCK1 RBM20 RIT1 RMND1 RPL3L RRAGD RYR2 SCN1B SCN2B SCN3B SCN5A SCO1 SCO2 SDHA SDHAF1 SDHD SELENON SGCA SGCB SGCD SGCG SGSH SHMT2 SHOC2 SLC19A2 SLC22A5 SLC25A20 SLC25A26 SLC25A3 SLC25A4 SLC30A5 SLC6A6 SOD2 SOS1 SPEG SURF1 SYNE1 SYNE2 TACO1 TAF1A TAFAZZIN TANGO2 TAPT1 TBX1 TBX3 TBX5 TCAP TECRL TF TGFB3 TIMMDC1 TMEM126A TMEM126B TMEM43 TMEM70 TNNC1 TNNI3 TNNI3K TNNT2 TOP3A TOR1AIP1 TPM1 TPM3 TRDN TRIT1 TRMT5 TRNT1 TRPM7 TSC1 TSFM TTN TTR TWNK UBR1 UQCRFS1 VCL VPS33A WFS1 XK XPNPEP3 YARS2</p>		
218	<p>Pesquisa de Paineis de Neoplasias Endócrinas - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: APC ATM BAP1 BARD1 BLM BMPR1A BRCA1 BRCA2 BRIP1 CDH1 CDK4 CDKN2A CHEK2 DICER1 EGFR EPCAM FANCC FANCM FH FLCN IPMK MEN1 MET MLH1 MSH2 MSH6 MUTYH NBN NTHL1 PALB2 PMS2 POLD1 POLE PTEN RAD51C RAD51D RECQL RET STK11 TP53 VHL</p>		
219	<p>Pesquisa de Paineis de Neurofibromatose - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: NF1 NF2 SPRED1</p>		
220	<p>Pesquisa de Paineis de Neuropatias - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: AAAS AARS1 ABHD12 AIFM1 AP1S1 ATL1 ATL3 ATP1A1 ATP7A BSCL2 CCT5 COA7 COX6A1 CTDP1 DCAF8 DHH DHTKD1 DMXL2 DNAJB2 DNM2 DNMT1 DST DYNC1H1 EGR2 ELP1 EXOC4 FBLN5 FGD4 FIG4 GAN GARS1 GBE1 GDAP1 GJB1 GNB4 GSN HARS1 HINT1 HK1 HSPB1 HSPB8 IARS2 IGHMBP2 INF2 JPH1 KARS1 KIF1A KIF1B KLC2 LITAF LMNA LRSAM1 MARS1 MCM3AP MED25 MFN2 MORC2 MPZ MTMR2 MTRFR MYH14 NAGLU NDRG1 NEFH NEFL NGF OPA1 PDK3 PLEKHG5 PMP22 POLG PRDM12 PRPS1 PRX RAB7A RETREG1 RNF170 SBF1 SBF2 SCN10A SCN11A SCN9A</p>		

	SCO2 SCP2 SH3TC2 SIGMAR1 SLC12A6 SLC25A46 SNAP29 SOX10 SPG11 SPTBN4 SPTLC1 SPTLC2 SURF1 TBCE TDP1 TFG TRIM2 TRPV4 TTR VCP WNK1 YARS1		
221	Pesquisa de Paineis de Pancreatites - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: APOA5 APOC2 CFTR CTRC GPIHBP1 LMF1 LPL PRSS1 SPINK1		
222	Pesquisa de Paineis de Paraplegias Espásticas e Esclerose Lateral Amiotrófica - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ABCD1 ALS2 ANG AP4B1 AP4E1 AP4M1 AP4S1 AP5Z1 ARG1 ATL1 BSCL2 CHMP2B CYP7B1 DYNC1H1 ERBB4 ERLIN2 FA2H FIG4 FUS GARS1 GJC2 HSPB1 HSPB8 HSPD1 IGHMBP2 KIF1A KIF5A L1CAM MATR3 MTRFR NEK1 NIPA1 OPTN PARK7 PFN1 PLP1 PNPLA6 REEP1 RNF170 RTN2 SACS SETX SIGMAR1 SLC33A1 SOD1 SPART SPAST SPG11 SPG21 SPG7 SQSTM1 TARDBP TBK1 TP73 TRPV4 UBQLN2 VAPB VCP WASHC5 ZFYVE26		
223	Pesquisa de Paineis de Retinopatias Hereditárias - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ABCA4 ABCB5 ABCC6 ABCD1 ABHD12 ACO2 ADAM9 ADGRV1 AGL5 AHI1 AHR AIPL1 ALMS1 ALPK1 AMACR ARFGAP2 ARHGEF18 ARL13B ARL2BP ARL6 ARSG ASRGL1 ATF6 B9D1 B9D2 BBIP1 BBS1 BBS10 BBS12 BBS2 BBS4 BBS5 BBS7 BBS9 BEST1 C1QTNF5 CA4 CABP4 CACNA1F CACNA2D4 CASK CC2D2A CDH23 CDH3 CDHR1 CEP250 CEP290 CEP41 CEP78 CERKL CFAP410 CFH CHM CISD2 CLCC1 CLN3 CLN5 CLN6 CLN8 CLRN1 CNGA1 CNGA3 CNGB1 CNGB3 CNNM4 COL18A1 COL9A3 CPLANE1 CRB1 CROCC CRX CTNNA1 CTSD CWC27 CYP4V2 DHDDS DHX38 DNAJC17 DNAJC5 DYNC2H1 EFEMP1 ELOVL4 ESPN EXOSC2 EYS FAM161A FLVCR1 FRMD7 FSCN2 FZD4 GDF6 GJB2 GJB6 GNAT1 GNAT2 GNPTG GPR143 GPR179 GRK1 GRM6 GRN GUCA1A GUCA1B GUCY2D HGSNAT HK1 HMCN1 HMX1 IDH3A IDH3B IFT140 IFT172 IFT27 IFT43 IGFBP7 IMPDH1 IMPG1 IMPG2 INPP5E IQCB1 IRX5 ITM2B KCNJ13 KCNV2 KCTD7 KIAA1549 KIF3B KIF7 KIZ KLHL7 LAMA1 LCA5 LRAT LRIT3 LRP5 LZTFL1 MAK MAPKAPK3 MERTK MFN2 MFRP MFSD8 MIR204 MKKS MKS1 MMACHC MVK MYO7A NDP NEK2 NEUROD1 NMNAT1 NPHP1 NPHP3 NPHP4 NR2E3 NR2F1 NRL NYX OAT OFD1 OPA1 OPA3 OPN1LW OTX2 PANK2 PAX6 PCARE PCDH15 PDE6A PDE6B PDE6C PDE6G PDE6H PDZD7 PEX1 PEX10 PEX11B PEX12 PEX13 PEX14 PEX16 PEX19 PEX2 PEX26 PEX3 PEX5 PEX6 PEX7 PHYH PITPNM3 PNPLA6 POC5 PPP2R3C PPP2R5E PPT1 PRCD PROM1 PRPF3 PRPF31 PRPF4 PRPF6 PRPF8 PRPH2 PRPS1 RAB28 RAX2 RBP3 RBP4 RCBTB1 RD3 RDH11 RDH12 RDH5 REEP6 RGR RGS9 RGS9BP RHO RIMS1 RLBP1 ROM1 RP1 RP1L1 RP2 RP9 RPE65 RPGR RRGRI1 RRGRI1L RS1 SAG SCAPER SDCCAG8 SEMA4A SIX6 SLC24A1 SLC6A6 SLC7A14 SNRNP200 SPATA7 STX3 TCTN1 TCTN2 TEAD1 TIMM8A TIMP3 TLCD3B TMEM126A TMEM138 TMEM216 TMEM237 TMEM67 TOPORS TPP1 TRAPPC3 TREX1 TRIM32 TRPM1 TSPAN12 TTC21B TTC8 TUB TUBGCP4 TUBGCP6 TULP1 TYR UNC119 USH1C USH1G USH2A VPS13B WDPCP WDR19 WFS1 WHRN ZNF408 ZNF513		
224	Pesquisa de Paineis de Síndrome Hemolítica-Urêmica - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: C3 CD46 CFB CFH CFI THBD		
225	Pesquisa de Paineis de Síndrome Nefrótica - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ACTN4 ADGRE1 ARHGAP24 ARHGDI1 ARHGEF17 AVIL CD2AP COL4A3 COL4A4		

	COL4A5 COQ2 COQ6 COQ8B DGKE EMP2 FN1 IFIH1 IL36G INF2 ITGA3 KANK1 KANK2 LAMB2 LMX1B MAGI2 MYH9 MYO1E NPHS1 NPHS2 NUP107 NUP133 NUP160 NUP205 NUP85 NUP93 PAX2 PDSS2 PLCE1 PMM2 PTPRO SCARB2 SGPL1 SLC17A5 SMARCAL1 TBC1D8B TRPC6 WNK4 WT1 XPO5		
226	Pesquisa de Painel de Surdez (GJB2/GJB6) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flangeadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: GJB2 GJB6		
227	Pesquisa de Painel de Surdez Hereditária (Expandido) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flangeadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ACTB ACTG1 ADGRV1 ATP6V0A4 ATP6V1B1 BCS1L BSND CATSPER2 CCDC50 CDH23 CEACAM16 CEMIP CLDN14 CLRN1 COCH COL11A2 COL9A2 COL9A3 CRYM DIAPH1 DSPP ECE1 EDNRA EDNRB ERCC2 ERCC3 ESPN ESRRB EYA4 FAS FGF3 FGFR3 GATA3 GIPC3 GJA1 GJB1 GJB2 GJB3 GJB4 GJB6 GPSM2 GRHL2 GRXCR1 GSDME HGF ILDR1 JAG1 KCNJ10 KCNQ1 KCNQ4 LHFPL5 LHX3 LOXHD1 MARVELD2 MITF MSRB3 MTAP MYH14 MYH9 MYO15A MYO3A MYO6 MYO7A MYOC NDP NR2F1 OTOA OTOF PAX3 PCDH15 PDZD7 PJVK PMP22 POU3F4 POU4F3 PRPS1 PTPRQ RDX SERPINB6 SIX1 SIX5 SLC17A8 SLC26A4 SLC26A5 SLC4A11 SMPX SNAI2 SOX2 SPINK5 STRC TBL1X TECTA TIMM8A TJP2 TMC1 TMIE TMPRSS3 TPRN TRIOBP USH1C USH1G USH2A WFS1 WHRN		
228	Pesquisa de Painel de Trombofilias - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flangeadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ADAMTS13 F2 F5 PROC PROS1 SERPINC1 TAP2 TAPBP UNC13D UNG WAS WIPF1 XIAP		
229	Pesquisa de Painel Distúrbios do Neurodesenvolvimento e do Movimento - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flangeadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: AARS2 ABAT ACAD9 ACTL6B ADCY5 ALDH5A1 ALDH7A1 ALG13 AMACR AP3B2 ARHGEF9 ARX ATP1A2 ATP1A3 ATP7A ATP7B ATP8A2 BCAP31 CACNA1A CACNA1B CDKL5 COQ4 COQ7 COQ9 COX20 COX6B1 CPT1A CTD1P1 DDC DDX3X DEAF1 DGUOK DHDDS DHX30 DMD DNAJC12 FBXL4 FOLR1 FOXG1 FRRS1L GABRA1 GABRA2 GABRB3 GABRG2 GAMT GATM GBA GCDH GCH1 GNAO1 GNB2 GRIA4 GRIN1 GRIN2B GRIN2D HADHB HMBS HPRT1 IQSEC2 IREB2 IRF2BPL KCNA2 KCNMA1 KCNT1 KCNT2 MAN2B1 MCOLN1 MECP2 MEF2C MGME1 MPV17 NACC1 NGLY1 NKX2-1 NPC1 NPC2 PCBD1 PDE10A PDE2A PGM1 PLPBP PNKD PNPO POLG POLG2 PRRT2 PTS PURA QDPR RRM2B SDHA SLC13A5 SLC16A2 SLC18A2 SLC1A2 SLC25A3 SLC25A4 SLC25A42 SLC2A1 SLC30A10 SLC6A1 SLC6A3 SPR SPTAN1 SUCLA2 SUCLG1 SYT1 TBC1D24 TBL1XR1 TELO2 TH TPP1 TWNK TYMP UBA5 VAMP2 WARS2 WDR45 WWOX ZNF142 ZSWIM6		
230	Pesquisa de Painel DNAmplio (Doenças Neuromusculares) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flangeadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: AARS2 ABHD5 ACAD9 ACADM ACADVL ACTA1 ACTN2 ADGRG6 ADSS1 AGK AGL AGRN ALDOA ALG14 ALG2 AMACR AMPD1 ANO5 ASAH1 ASCC1 ATAD1 ATP2A1 ATP7A ATP7B ATPAF2 B3GALNT2 B4GAT1 BAG3 BCS1L BICD2 BIN1 BVES C1QBP CACNA1S CAPN3 CASQ1 CAV3 CCDC78 CFL2 CHAT CHCHD10 CHKB CHRNA1 CHRNB1 CHRND CHRNE CLCN1 CLHC1 CNTN1 COA5 COA6 COL12A1 COL13A1 COL6A1 COL6A2 COL6A3 COL9A3 COLQ COQ2 COQ4 COQ7 COQ8A COQ9 COX15 COX20 COX6B1 CPNE6 CPT1A CPT2 CRPPA CRYAB CTD1P1 DAG1 DDC DES DGUOK DMD DNA2 DNAJB2 DNAJB4 DNAJB6 DNAJB7 DNM2 DOK7 DPAGT1 DPM1 DPM2 DPM3 DYNC1H1 DYSF EMD ENO3 ETFB ETFD		

	FAM111B FBXL4 FDX2 FHL1 FKBP14 FKRK FKTN FLAD1 FLNC FXR1 GAA GATM GBE1 GFER GFPT1 GGPS1 GMPPB GNE GOSR2 GYG1 GYS1 HACD1 HADH HADHA HADHB HNRNPA1 HNRNPA2B1 HNRNPD1 HSPB8 IGHMBP2 INPP5K ISCU ITGA7 JAG2 KBTBD13 KCND2 KCNJ2 KIF22 KLHL40 KLHL41 KLHL9 KY LAMA2 LAMA5 LAMB2 LAMP2 LARGE1 LDB3 LDHA LIMS2 LMNA LMOD3 LPIN1 LRP4 MAGEL2 MAN2B1 MAP3K20 MATR3 MCOLN1 MEGF10 MGME1 MICU1 MLIP MPV17 MRPS34 MSTO1 MTM1 MUSK MYBPC1 MYF6 MYH2 MYH3 MYH7 MYL1 MYL2 MYMK MYO18B MYO9A MYOD1 MYOT MYPN NDUFS4 NEB NSUN3 OPA1 OPA3 ORAI1 PAX7 PDSS1 PDSS2 PFKM PGAM2 PGK1 PGM1 PHKA1 PHKB PLEC PLEKHG5 PNPLA2 PNPLA8 POGLUT1 POLG POLG2 POMGNT1 POMGNT2 POMK POMT1 POMT2 POPDC3 PPP2R3C PREPL PUS1 PYGL PYGM PYROXD1 RAPSIN RBCK1 RBM7 RNASEH1 RRM2B RXYLT1 RYR1 RYR3 SCN4A SDHA SELENON SGCA SGCB SGCD SGCG SIGMAR1 SIL1 SLC18A3 SLC22A5 SLC25A1 SLC25A2 SLC25A3 SLC25A4 SLC25A42 SLC52A2 SLC52A3 SLC5A7 SMN1 SMPX SNAP25 SPEG SPTBN4 SQSTM1 STAC3 STIM1 SUCLA2 SUCLG1 SURF1 SVIL SYNE1 SYNE2 SYT2 TAFAZZIN TANGO2 TCAP TEFM TIA1 TIMM22 TK2 TMEM43 TNNC2 TNNI1 TNNT1 TNNT3 TNPO3 TOR1AIP1 TPM2 TPM3 TRAPPC11 TRDN TRIM32 TRIP4 TRMT5 TRPV4 TSFM TTN TWNK TYMP UBA1 UNC45B VAMP1 VAPB VCP VMA21 VWA1 XK YARS2 ZBTB20		
231	Pesquisa de Painel Expandido de Melanoma e Câncer de Pele - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV)		
232	Pesquisa de Painel Expandido de Melanoma e Câncer de Pele - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ACD ATM BAP1 BARD1 BLM BRCA1 BRCA2 BRIP1 CDK4 CDKN2A CHEK2 CYLD DDB2 EPCAM ERCC2 ERCC3 ERCC4 ERCC5 ERCC6 FH FLCN GLMN MBD4 MLH1 MSH2 MSH6 PALB2 PMS2 POLD1 POLE POLH POT1 PTCH1 RAD51C RAD51D RECQL RSP01 TERF2IP TGFBR1 TMC6 TMC8 TP53 XPA XPC		
233	Pesquisa de Painel Expandido de Neoplasias Endócrinas - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: AIP AKT1 APC ARMC5 ATM BAP1 BARD1 BLM BMPR1A BRCA1 BRCA2 BRIP1 CDH1 CDH23 CDK4 CDKN1B CDKN2A CHEK2 DICER1 EGFR EPCAM FANCC FANCM FH FLCN GPR101 IPMK KIF1B MAX MEN1 MET MLH1 MSH2 MSH6 MUTYH NBN NTHL1 PALB2 PMS2 POLD1 POLE PRKAR1A PTEN RAD51C RAD51D RECQL RET SDHA SDHAF2 SDHB SDHC SDHD SEC23B SMARCA4 STK11 TMEM127 TP53 VHL		
234	Pesquisa de Painel para Síndrome de Marfan e Doenças Correlatas - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ACTA2 ADAMTS2 ADAMTSL4 AEBP1 ALDH18A1 ATP6V0A2 ATP6V1A ATP6V1E1 ATP7A B3GALT6 B3GAT3 B4GALT7 BGN CHST14 COL11A1 COL11A2 COL1A1 COL1A2 COL2A1 COL3A1 COL5A1 COL5A2 COL9A1 COL9A2 EFEMP2 ELN FBLN5 FBN1 FBN2 FKBP14 FLNA FOXE3 GORAB GZF1 HRAS KIF22 LOX LTBP2 LTBP3 LTBP4 MFAP5 MYH11 MYLK PIK3R1 PLOD1 PPP1CB PRKG1 PYCR1 RIN2 ROBO4 SKI SLC2A10 SLC39A13 SMAD3 SMAD6 TGFB2 TGFB3 TGFBR1 TGFBR2 TNXB		
235	PESQUISA DE REARRANJO PML/RARa na LMA M3; PML-RAR t(15,17)		
236	Pesquisa de Retinoblastoma (sequenciamento do gene RB1) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: RB1		

237	Pesquisa de Sequenciamento Completo do Genoma		
238	Pesquisa de Sequenciamento Customizado Para doenças mendelianas - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV)		
239	Pesquisa de Síndrome de Alagille (MLPA de JAG1 ou região 20p12) - exame de MLPA identifica microdeleções ou microduplicações no gene JAG1 e possibilita o diagnóstico de indivíduos com suspeita clínica de síndrome de Alagille. - mínimo de Genes Analisados: JAG1		
240	Pesquisa de Síndrome de Rett (sequenciamento do gene MECP2) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: MECP2		
241	Pesquisa de Síndrome Velocardiofacial e DiGeorge (MLPA da região 22q11) - exame de MLPA identifica microdeleções ou microduplicações na região 22q11.2 e possibilita o diagnóstico de pacientes com suspeita clínica de síndrome velocardiofacial e DiGeorge (síndromes de deleção 22q11.2 - 22q11.2 DS) As síndromes de deleção 22q11.2 - mínimo de Genes Analisados: TBX1		
242	PESQUISA DE TOXINAS A E B DE CLOSTRIDIUM NAS FEZES		
243	PESQUISA DE ANTICORPOS IgG ANTI- ANTÍGENO HEPÁTICO SOLÚVEL (M2, LKM1, LC1, SLA, Sp100, gp210)		
244	PESQUISA DO GENE DA PROTROMBINA MUTANTE (FATOR II 20210)		
245	PESQUISA DE ANTICOAGULANTE LÚPICO		
246	QUANTIFICAÇÃO DO INIBIDOR DO FATOR IX DA COAGULAÇÃO		
247	QUANTIFICAÇÃO DO INIBIDOR DO FATOR VIII DA COAGULAÇÃO		
248	REAÇÃO DE PANDY		
249	RT PCR PARA LEISHMANIOSE TEGUMENTAR AMERICANA		
250	RT PCR PARA LEISHMANIOSE VISCERAL		
251	RT-PCR BCR/ABL quantitativo no segmento de LMC;		
252	SEQUENCIAMENTO COMPLETO DO EXOMA - (Mutações de ponto (substituições); Indels (pequenas deleções e duplicações); CNVs (grandes deleções e duplicações); Análise de alteração do número de cópias (CNVs); Confirmação de variantes; Variantes Mitocondriais; Análise de achados incidentais; Análise de genes clinicamente mais relevantes) mínimo de Genes analisados: Análise de ≥ 22 mil genes do genoma humano.		
253	SEQUENCIAMENTO COMPLETO DO GENE GJB2 - SURDEZ GENETICA		
254	SEQUENCIAMENTO COMPLETO DO GENE MBTPS2		
255	SEQUENCIAMENTO EXOMA TRIO (CLINICO) - sequenciação do caso índice (afetado) e dos familiares não afetados (progenitores)		

	(Mutações de ponto (substituições); Indels (pequenas deleções e duplicações); CNVs (grandes deleções e duplicações); Análise de alteração do número de cópias (CNVs); Confirmação de variantes; Variantes Mitocondriais; Análise de achados incidentais; Análise de genes clinicamente mais relevantes) minimo de Genes analisados: Analise de ≥ 6.000 genes do genoma humano. (5969 genes nucleares + 37 genes mitocondriais)		
256	SEQUENCIAMENTO EXOMA TRIO COMPLETO - sequenciação do caso índice (afetado) e dos familiares não afetados (progenitores) (Mutações de ponto (substituições); Indels (pequenas deleções e duplicações); CNVs (grandes deleções e duplicações); Análise de alteração do número de cópias (CNVs); Confirmação de variantes; Variantes Mitocondriais; Análise de achados incidentais; Análise de genes clinicamente mais relevantes) Minimo de Genes analisados: Analise de ≥ 22 mil genes do genoma humano.		
257	Mendelioma (Exoma Clínico) - (Mutações de ponto (substituições); Indels (pequenas deleções e duplicações); CNVs (grandes deleções e duplicações); Análise de alteração do número de cópias (CNVs); Confirmação de variantes; Variantes Mitocondriais; Análise de achados incidentais; Análise de genes clinicamente mais relevantes) Minimo de Genes analisados: Analise de aproximadamente ≥ 6 000 genes do genoma humano. (5969 genes nucleares + 37 genes mitocondriais)		
258	Talassemia Alfa: MLPA (deleções e/ou duplicações) dos genes HBA1 e HBA2		
259	Talassemia Beta: Sequenciamento do gene HBB		
260	TESTE DE FALCIZAÇÃO HEMOGLOBINA S - TESTE DE SOLUBILIDADE		
261	TESTE IMUNOLOGICO PARA GIARDIA LAMBLIA		
262	TESTE RÁPIDO STREPTOCOCCUS GRUPO A		
263	TIPAGEM DE LINFOCITOS "B"		
264	TIPAGEM DE LINFOCITOS "T"		
265	TRIAGEM AMPLIADA PARA ERROS INATOS DO METABOLISMO - EIM - SANGUE		
266	TRIAGEM AMPLIADA PARA ERROS INATOS DO METABOLISMO - EIM - URINA		

Atenciosamente,

Em, _____, _____ / _____ / _____
(local, data) nome por extenso e assinatura do representante legal