



GOVERNO DO ESTADO DE RONDÔNIA
Superintendência Estadual de Compras e Licitações - SUPEL

ADENDO

ADENDO MODIFICADOR I

CHAMAMENTO PÚBLICO N.º 008/2023/SUPEL/RO.

PROCESSO ADMINISTRATIVO 0062.067604/2022-25

INTERESSADO: LABORATÓRIO ESTADUAL DE PATOLOGIA E ANALISES CLINICAS - LEPAC/RO

OBJETO: Contratação através de CREDENCIAMENTO DE EMPRESAS ESPECIALIZADAS que atuem na prestação de serviços laboratoriais para realização de exames na Área de Patologia Clínica, de forma complementar aos procedimentos já existentes, com seus respectivos laudos objetivando atender a Secretária de Estado da Saúde de Rondônia, **de forma continuada**, por um período de 12 (doze) meses. Os contratos originados deste credenciamento poderão ter a sua duração prorrogada por iguais e sucessivos períodos com vistas à obtenção de preços e condições mais vantajosas para a administração, limitada a sessenta meses, nos termos do art. 57 da Lei 8.666/93.

A Superintendência Estadual de Licitações - SUPEL, por meio de sua Presidente e membros de Comissão, conforme Portaria N° 147/GAB/SUPEL, publicada no DOE do dia 29/09/2022, torna público aos interessados e, em especial, as empresas que retiraram o Instrumento Convocatório, as seguintes alterações:

I - Em virtude das alterações realizadas pela Unidade requisitante (LEPAC), conforme Despacho LEPAC-ASTEC (0047338761), vislumbrou a necessidade de elaboração do Adendo Modificador ID SEI 0047357701 e seus Anexos 0047341580.

O Instrumento Convocatório atualizado com o novo Termo de Referência, bem como seus anexos, encontram-se disponíveis para consulta e retirada, gratuitamente, no site: <https://rondonia.ro.gov.br/supel/>. Os licitantes que já o baixaram, deverão fazê-lo novamente para conhecimento das alterações realizadas. Considerando que as alterações influenciam na participação ou não de licitantes. Permanecem inalteradas todas as demais condições previstas no edital e seus anexos.

Publique-se

Porto Velho - RO, 03 de abril de 2024.

BRUNA GONÇALVES APOLINÁRIO
Presidente - CEL/SUPEL/RO



Documento assinado eletronicamente por **Bruna Gonçalves Apolinário, Presidente**, em 04/04/2024, às 08:55, conforme horário oficial de Brasília, com fundamento no artigo 18 caput e seus §§ 1º e 2º, do [Decreto nº 21.794, de 5 Abril de 2017.](#)



A autenticidade deste documento pode ser conferida no site [portal do SEI](#), informando o código verificador **0047377680** e o código CRC **D08713C5**.

Referência: Caso responda este(a) Adendo, indicar expressamente o Processo nº 0062.067604/2022-25

SEI nº 0047377680



GOVERNO DO ESTADO DE RONDÔNIA
Laboratório Estadual de Patologia e Análises Clínicas - LEPAC

ADENDO

MODIFICADOR II

CHAMAMENTO PÚBLICO N.º 008/2023/SUPEL/RO.

PROCESSO ADMINISTRATIVO 0062.067604/2022-25

INTERESSADO: LABORATÓRIO ESTADUAL DE PATOLOGIA E ANALISES CLINICAS - LEPAC/RO

1. Considerando que o credenciamento é um método para pré-qualificar todos os interessados que preencham os requisitos previamente estabelecidos no Termo de Referência, a fim de serem contratados junto à entidade para executar o objeto, quando convocados;

2. Considerando que os interessados no credenciamento, não estão obrigados a prestar serviços para todos os itens, onde, neste caso, **serão credenciados apenas para os itens, conforme apresentado em proposta;**

3. Considerando que a análise do Balanço Patrimonial será realizada em cima de **5% (cinco por cento) do valor estimado do item que o licitante estiver participando.**

4. Considerando que a Certidão ou atestado de capacidade técnica que demonstre que o credenciante tenha executado serviços similares ao objeto deste chamamento - Serviço de Natureza Laboratorial, com quantidades de, no mínimo, **25% (vinte e cinco por cento) do quantitativo do item a que ele ofertar a proposta;**

5. Considerando que a Lei de licitações 8.666/93, em seu art. 30, define o rol taxativo de documentos exigíveis, *in verbis*:

Art. 30. A documentação relativa à qualificação técnica limitar-se-á a:

I - registro ou inscrição na entidade profissional competente;

II - comprovação de aptidão para desempenho de atividade pertinente e compatível em características, quantidades e prazos com o objeto da licitação, e indicação das instalações e do aparelhamento e do pessoal técnico adequados e disponíveis para a realização do objeto da licitação, bem como da qualificação de cada um dos membros da equipe técnica que se responsabilizará pelos trabalhos;

III - comprovação, fornecida pelo órgão licitante, de que recebeu os documentos, e, quando exigido, de que tomou conhecimento de todas as informações e das condições locais para o cumprimento das obrigações objeto da licitação;

IV - prova de atendimento de requisitos previstos em lei especial, quando for o caso.

6. Considerando que tornar-se-á inconclusiva a análise jurídica e técnica, caso as propostas não sejam apresentadas junto com o ENVELOPE 01 contendo a documentação de habilitação e o ENVELOPE 02 contendo a documentação de qualificação técnica;

7. Ante ao exposto, modificamos o Termo de Referência 0046048290, o qual passará a ser parte integrante o **ANEXO Proposta de Credenciamento - MODELO (0047341580);**

8. Fica modificado o **item 24.1** do Termo de Referência 0046048290.

ONDE LÊ-SE:

24.1. Conforme dispõe o Art. 27 da Lei 8.666/93, *in verbis*;

Art. 27. Para a habilitação nas licitações exigir-se-á dos interessados, exclusivamente, documentação relativa a:

I - habilitação jurídica;

II - qualificação técnica;

III - qualificação econômico-financeira;

IV – regularidade fiscal e trabalhista;

V – cumprimento do disposto no [inciso XXXIII do art. 7º da Constituição Federal](#).

LEIA-SE:

24.1. Conforme dispõe o Art. 27 da Lei 8.666/93, *in verbis*;

Art. 27. Para a habilitação nas licitações exigir-se-á dos interessados, exclusivamente, documentação relativa a:

I - habilitação jurídica;

II - qualificação técnica;

III - qualificação econômico-financeira;

IV – regularidade fiscal e trabalhista;

V – cumprimento do disposto no [inciso XXXIII do art. 7º da Constituição Federal](#).

24.1.1 Junto com a documentação de que trata o item 24.1, a credenciante deverá apresentar proposta/solicitação de credenciamento, conforme o documento **Proposta de Credenciamento - MODELO (0047341580), indicando os itens, quantidade mensal e anual que deseja se credenciar.**

Porto Velho, 02 de abril de 2024.

GLEENSE CARTONILHO

Biomédico/Gerente Técnico



Documento assinado eletronicamente por **GLEENSE DOS SANTOS CARTONILHO**, Analista, em 02/04/2024, às 16:28, conforme horário oficial de Brasília, com fundamento no artigo 18 caput e seus §§ 1º e 2º, do [Decreto nº 21.794, de 5 Abril de 2017](#).



A autenticidade deste documento pode ser conferida no site [portal do SEI](#), informando o código verificador **0047357701** e o código CRC **725B49CE**.

PROPOSTA/SOLICITAÇÃO DE CREDENCIAMENTO
CHAMAMENTO PÚBLICO Nº: 008/2023/CEL/SUPEL/RO

A empresa (nome / razão social), _____, CNPJ nº _____, com logradouro na _____ (endereço completo), fones de contato nºs _____/_____, por intermédio de seu representante legal, Sr(a) _____, portador(a) do RG nº _____, expedida pelo _____, e do CPF nº _____, vem por meio desta, **na forma do INSTRUMENTO CONVOCATÓRIO - CHAMAMENTO PÚBLICO Nº: 008/2023/CEL/SUPEL/RO, item 5. e seus sub-itens**, apresentar o **ENVELOPE 01 contendo a documentação de habilitação** e o **ENVELOPE 02 contendo a documentação de qualificação técnica**, ao tempo que apresenta a proposta para o credenciamento para prestação de serviços na realização de ***Exames na Área de Patologia Clínica, de forma complementar aos procedimentos já existentes, com seus respectivos laudos, objetivando atender a Secretária de Estado da Saúde de Rondônia***, para os itens abaixo relacionados.

***Orientação de preenchimento:** A credenciante deverá indicar na tabela abaixo a quantidade mensal e anual **APENAS** dos exames os quais deseja se credenciar, preenchendo com “0” (zero) aqueles em que não ofertará proposta.

| ITEM | DESCRIÇÃO/EXAME | TOTAL MENSAL | TOTAL ANUAL |
|------|--------------------------------------------------------------------------|--------------|-------------|
| 1 | Acondroplasia, estudo genético - gene FGFR3 | | |
| 2 | Análise da mutação pontual R506Q (G1691A) - Gene: Fator V da coagulação. | | |
| 3 | ANÁLISE DA MUTAÇÃO NO GENE DA PROTROMBINA | | |
| 4 | Análise molecular da sensibilidade a Varfarina | | |
| 5 | ANATOMOPATOLÓGICO E IMUNOHISTOQUÍMICA - BIÓPSIA DE LINFONODOS | | |
| 6 | ANATOMOPATOLÓGICO E IMUNOHISTOQUÍMICA - BIÓPSIA DE MEDULA ÓSSEA | | |
| 7 | ANTI LKM-1 (MICROSSOMAL) | | |
| 8 | anticorpo contra o receptor do N-metil-D-aspartato (NMDAR) | | |
| 9 | ANTI-DNA DUPLA HÉLICE | | |
| 10 | Apoliproteína E, estudo genético | | |
| 11 | Ataxias espinocerebelares, painel | | |

| | | | |
|----|---------------------------------------------------------------------------|--|--|
| 12 | Atrofia Dentatorubro Palidolusiana (DRPLA) - gene ATN1 | | |
| 13 | Atrofia muscular espinhal, estudo molecular - Gene SMN1 | | |
| 14 | CARIOTIPO BANDEAMENTO G [LIQUIDO AMNIOTICO] | | |
| 15 | CARIÓTIPO COM BANDA G - 100 CÉLULAS | | |
| 16 | CARIÓTIPO COM BANDA G MEDULA | | |
| 17 | CARIÓTIPO COM BANDA G SANGUE PERIFÉRICO - 100 CÉLULAS | | |
| 18 | CARIÓTIPO COM BANDA G SANGUE PERIFÉRICO | | |
| 19 | CARIÓTIPO COM PESQUISA DE QUEBRAS - DEB TESTE. SANGUE PERIFÉRICO. | | |
| 20 | CARIOTIPO DE MATERIAL DE ABORTAMENTO COM BANDA G | | |
| 21 | CARIOTIPO DE VILOSIDADE CORIONICA | | |
| 22 | CARIÓTIPO FETAL COM BANDA G | | |
| 23 | CGH-ARRAY PARA ANÁLISE DE ANOMALIAS CROMOSSÔMICAS | | |
| 24 | Componente C1q do complemento - C1 Q | | |
| 25 | CRIOGLOBULINAS (quantitativa e qualitativa) | | |
| 26 | CTX - INTERLIGADORES C TERMINAIS - BETA-CROSS-LAPS | | |
| 27 | CULTURA DE FUNGOS | | |
| 28 | CULTURA PARA ESTREPTOCOCO DO GRUPO B (GBS) | | |
| 29 | CULTURA PARA ESTREPTOCOCO DO GRUPO B (GBS)- SWAB DA REGIÃO VAGINAL E ANAL | | |
| 30 | CULTURA PARA MICOBACTÉRIAS | | |
| 31 | CURVA DE FRAGILIDADE OSMÓTICA DAS HEMÁCIAS | | |
| 32 | DETERMINAÇÃO DA ATIVIDADE ANTI-TROMBINA III | | |
| 33 | DETERMINAÇÃO DA ATIVIDADE DA BIOTINIDASE NO SANGUE | | |
| 34 | DETERMINAÇÃO DA ATIVIDADE DA RENINA PLASMÁTICA | | |
| 35 | DETERMINAÇÃO DA ATIVIDADE DE VON WILLEBRAND PELO COFATOR DA RISTOCETINA | | |
| 36 | DETERMINAÇÃO DA MUTAÇÃO (c.1601G>A p.(R534Q) DO FATOR V DE LEIDEN | | |
| 37 | DETERMINAÇÃO DA RESISTÊNCIA A PROTEÍNA C ATIVADA | | |
| 38 | DETERMINAÇÃO DE ANTICORPOS ANTI-INSULINA | | |
| 39 | DETERMINAÇÃO DE AUTO ANTICORPOS ANTI-GAD 65 | | |

| | | | |
|----|--------------------------------------------------------------------------------|--|--|
| 40 | DETERMINAÇÃO DE MUTAÇÕES JAK2 V617F, CALR e MPL EM DOENÇAS MIELOPROLIFERATIVAS | | |
| 41 | DETERMINAÇÃO QUANTITATIVA DE AMINOÁCIDOS - SANGUE | | |
| 42 | DETERMINAÇÃO QUANTITATIVA DE AMINOÁCIDOS - URINA | | |
| 43 | DETERMINAÇÃO SÉRICA DA ENOLASE NEURONAL ESPECÍFICA - NSE | | |
| 44 | Doença de Gaucher, diagnóstico molecular - Mutações no gene GBA | | |
| 45 | Doença de Huntington, teste molecular - Gene HTT | | |
| 46 | DOSAGEM COMPLEMENTO TOTAL (CH100) | | |
| 47 | DOSAGEM COMPLEMENTO TOTAL (CH50) | | |
| 48 | DOSAGEM CORTISOL SALIVAR | | |
| 49 | DOSAGEM CORTISOL URINÁRIO | | |
| 50 | DOSAGEM DA ECA - Enzima Conversora da Angiotensina | | |
| 51 | DOSAGEM DE 17-ALFA HIDROXIPROGESTERONA | | |
| 52 | DOSAGEM DE ADENOSINA DEAMINASE - ADA | | |
| 53 | DOSAGEM DE ALDOSTERONA POSTURAL - S | | |
| 54 | DOSAGEM DE ALFA1 ANTITRIPSINA | | |
| 55 | DOSAGEM DE ALUMÍNIO | | |
| 56 | DOSAGEM DE AMÔNIA | | |
| 57 | DOSAGEM DE ANTICORPO - BLOQUEADOR DO RECEPTOR DE ACETILCOLINA | | |
| 58 | DOSAGEM DE ANTICORPOS ANTIFOSFOLÍPIDES | | |
| 59 | DOSAGEM DE ARSÊNIO NA URINA | | |
| 60 | DOSAGEM DE CADEIAS LEVE LIVRES. SORO. | | |
| 61 | DOSAGEM DE CATECOLAMINAS - FRAÇÕES | | |
| 62 | DOSAGEM DE CITRATO NA URINA | | |
| 63 | DOSAGEM DE COBRE (SÉRICO E URINÁRIO) | | |
| 64 | DOSAGEM DE FRUTOSE (ESPERMA) | | |
| 65 | DOSAGEM DE GLICOSE 6-FOSFATO DEHIDROGENASE/G6PD | | |
| 66 | DOSAGEM DE IGG4 | | |
| 67 | DOSAGEM DE LIPOPROTEINA - A | | |
| 68 | DOSAGEM DE MACROPROLACTINA | | |

| | | | |
|----|------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|--|--|
| 69 | DOSAGEM DE OXALATO NA URINA | | |
| 70 | DOSAGEM DE PEPTÍDEO INTESTINAL VASOATIVO [VIP] | | |
| 71 | DOSAGEM DE PROTEÍNA "C" FUNCIONAL – TOTAL E LIVRE | | |
| 72 | DOSAGEM DE PROTEÍNA "S" - TOTAL E LIVRE | | |
| 73 | DOSAGEM DE SELÊNIO | | |
| 74 | DOSAGEM DE VITAMINA A (RETINOL) | | |
| 75 | DOSAGEM DE ZINCO | | |
| 76 | DOSAGEM DE METANEFRIAS URINÁRIA - FRAÇÕES NORMETANEFRIAS E METANEFRIAS | | |
| 77 | DOSAGEM DE PIRUVATOQUINASE ERITROCITÁRIA | | |
| 78 | DOSAGEM FATOR X DA COAGULAÇÃO | | |
| 79 | DOSAGEM FATOR XIII COAGULAÇÃO | | |
| 80 | ELETROFORESE DE HEMOGLOBINA | | |
| 81 | Eletroforese de Lipoproteína | | |
| 82 | ELETROFORESE DE PROTEÍNAS SÉRICAS | | |
| 83 | EXAME DE ARRAY CGH + SNP | | |
| 84 | EXAME DE SNP-CG4 | | |
| 85 | EXAME SEQUENCIAMENTO DO EXOMA - (Mutações de ponto (substituições); Indels (pequenas deleções e duplicações); Análise de alteração do número de cópias (CNVs); mínimo de Genes analisados: Análise de aproximadamente ≥ 6 000 genes do genoma humano. (5969 genes nucleares + 37 genes mitocondriais) | | |
| 86 | Exoma Clínico e o sequenciamento do genoma mitocondrial (Mutações de ponto (substituições); Indels (pequenas deleções e duplicações); CNVs (grandes deleções e duplicações); Análise de alteração do número de cópias (CNVs); Confirmação de variantes; Variantes Mitocondriais; Análise de achados incidentais; Análise de genes clinicamente mais relevantes), mínimo de Genes analisados: Análise de ≥ 22 mil genes do genoma humano. | | |
| 87 | FISH BCR-ABL t(9.22) - FISH para translocação BCR/ABL | | |
| 88 | FISH para deleção/amplificação Leucemia linfocítica crônica: del(17p); TP53; (17p13.1) | | |
| 89 | FISH PARA PESQUISA DE HIPERMUTAÇÃO DA IgH (cadeia pesada da imunoglobulina) - SCREENING S | | |
| 90 | HLA B27 | | |
| 91 | HLA B51 | | |
| 92 | IGE COCHONILHA | | |
| 93 | IMUNOFENOTIPAGEM - PAINEL PROLIFERATIVO - S, MEDULA ÓSSEA | | |

| | | | |
|-----|---------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|--|--|
| 94 | IMUNOFENOTIPAGEM - PAINEL PROLIFERATIVO - S, SANGUE PERIFÉRICO | | |
| 95 | IMUNOFIXAÇÃO DE PROTEÍNAS SÉRICAS | | |
| 96 | IMUNOFLUORESCÊNCIA DIRETA DE BIÓPSIA RENAL COM MICROSCOPIA ÓPTICA | | |
| 97 | METANEFRIAS NO SANGUE | | |
| 98 | PAINEL DE IMUNODEFICIÊNCIAS PRIMÁRIAS COMPLETO Genes analisados (460) | | |
| 99 | PAINEL DE MUTAÇÕES LINFÓIDES | | |
| 100 | PAINEL DE MUTAÇÕES MIELOÍDES | | |
| 101 | PCR ENTEROVÍRUS | | |
| 102 | PCR HVS (HERPES) | | |
| 103 | PEQUISA DE ANTICORPOS ANTI-ENDOMÍLIO IgA | | |
| 104 | PEQUISA DE ANTICORPOS ANTI-ENDOMÍLIO IgG | | |
| 105 | PEQUISA DE ANTICORPOS ANTI-ENDOMÍLIO IgM | | |
| 106 | PESQUISA ANTICORPOS ANTI-ACTINA | | |
| 107 | PESQUISA CROMOSSÔMICA/MOLECULAR DO X FRÁGIL | | |
| 108 | Pesquisa de FISH PARA LEUCEMIA AGUDA TRANSLOCAÇÕES t(8;21), t(15;17), t(16;16), inv (16) | | |
| 109 | Pesquisa de FISH PARA TRANSLOCAÇÃO MIELOMA MÚLTIPLO: t(4;14), t(11;14), t(14;16) t(14;18). IGH/MAF, | | |
| 110 | Pesquisa de MLPA de APC (polipose adenomatosa familiar (PAF) - mínimo de Genes Analisados: APC | | |
| 111 | Pesquisa de MLPA de BRCA1 (câncer de mama e ovário hereditário. Variantes patogênicas em heterozigose no gene BRCA1) - mínimo de Genes Analisados: BRCA1 | | |
| 112 | Pesquisa de MLPA de BRCA2 (câncer de mama e ovário hereditário. Variantes patogênicas em heterozigose no gene BRCA2) - mínimo de Genes Analisados: BRCA2 | | |
| 113 | Pesquisa de MLPA de BRIP1 (câncer de mama hereditário. Variantes patogênicas em heterozigose no gene BRIP1) - mínimo de Genes Analisados: BRIP1 | | |
| 114 | Pesquisa de MLPA de CDH1 (câncer gástrico difuso hereditário (CDH1) - mínimo de Genes Analisados: CDH1 | | |
| 115 | Pesquisa de MLPA de CDK4 (melanoma maligno cutâneo. Variantes patogênicas em heterozigose no gene CDK4) - mínimo de Genes Analisados: CDK4 | | |
| 116 | Pesquisa de MLPA de CDKN2A (melanoma maligno cutâneo familiar. Variantes patogênicas em heterozigose no gene CDKN2A) - mínimo de Genes Analisados: CDKN2A | | |
| 117 | Pesquisa de MLPA de CHEK2 (câncer de mama e próstata hereditário. Variantes patogênicas em heterozigose no gene CHEK2 (Checkpoint Kinase 2) - mínimo de Genes Analisados: CHEK2 | | |

| | | | |
|-----|--------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|--|--|
| 118 | Pesquisa de MLPA de MEN1 (neoplasia endócrina múltipla tipo 1. Variantes patogênicas em heterozigose no gene MEN1) - mínimo de Genes Analisados: MEN1 | | |
| 119 | Pesquisa de MLPA de MET (carcinoma papilar das células renais com suspeita de câncer hereditário. Variantes patogênicas em heterozigose no gene MET) - mínimo de Genes Analisados: MET | | |
| 120 | Pesquisa de MLPA de MLH1 (câncer colorretal não-polipóide hereditário (HNPCC) - suspeita de síndrome de Lynch e outros tipos de câncer hereditário. Variantes patogênicas em heterozigose no gene MLH1) - mínimo de Genes Analisados: MLH1 | | |
| 121 | Pesquisa de MLPA de MSH2 (câncer colorretal não-polipóide hereditário (HNPCC) - suspeita de síndrome de Lynch e outros tipos de câncer hereditário. Variantes patogênicas em heterozigose no gene MSH2) - mínimo de Genes Analisados: MSH2 | | |
| 122 | Pesquisa de MLPA de MSH6 (câncer colorretal não-polipóide hereditário (HNPCC) - suspeita de síndrome de Lynch e outros tipos de câncer hereditário. Variantes patogênicas em heterozigose no gene MSH6) - mínimo de Genes Analisados: MSH6 | | |
| 123 | Pesquisa de MLPA de MUTYH (polipose adenomatose familiar (PAF) trato gastrointestinal, principalmente no cólon. Variantes patogênicas em heterozigose no gene MUTYH) - mínimo de Genes Analisados: MUTYH | | |
| 124 | Pesquisa de MLPA de PALB2 (câncer de mama e ovário hereditário. Variantes patogênicas em heterozigose no gene PALB2) - mínimo de Genes Analisados: PALB2 | | |
| 125 | Pesquisa de MLPA de PMS2 (câncer colorretal não-polipóide hereditário (HNPCC) - suspeita de síndrome de Lynch e outros tipos de câncer hereditário. Variantes patogênicas em heterozigose no gene PMS2) - mínimo de Genes Analisados: PMS2 | | |
| 126 | Pesquisa de MLPA de PTEN (síndrome de Cowden, síndrome de Bannayan-Riley-Ruvalcaba, síndrome autismo-macrocefalia, síndrome de Proteus, entre outras) Variantes patogênicas em heterozigose no gene PTEN) - mínimo de Genes Analisados: PTEN | | |
| 127 | Pesquisa de MLPA de RB1 (Retinoblastoma hereditário. Variantes patogênicas em heterozigose no gene RB1) - mínimo de Genes Analisados: RB1 | | |
| 128 | Pesquisa de MLPA de RET (neoplasia endócrina múltipla tipo 2 (MEN2), carcinoma medular de tireóide e feocromocitoma hereditários. Variantes detectadas somente no exame de sequenciamento do gene RET) - mínimo de Genes Analisados: RET | | |
| 129 | Pesquisa de MLPA de SDHB (paraganglioma não-sindrômico, síndrome de Cowden, tumor estromal Gastrointestinal e outros cânceres relacionados .A Síndrome de Peutz-Jeghers (SPJ) ou outras formas de câncer hereditário. síndrome do paraganglioma-feocromocitoma hereditário (PGL/FEO) e outras doenças relacionadas ao SDHB. Variantes no gene SDHB estão associadas à PGL/FEO) - mínimo de Genes Analisados: SDHB | | |
| 130 | Pesquisa de MLPA de STK11 (polipose gastrointestinal, pigmentação cutâneo-mucosa e predisposição ao câncerA Síndrome de Peutz-Jeghers (SPJ) ou outras formas de câncer hereditário. Variantes patogênicas em heterozigose no gene STK11) - mínimo de Genes Analisados: STK11 | | |
| 131 | Pesquisa de MLPA de TP53 (carcinoma adrenocortical, câncer de mama, tumores do sistema nervoso central, | | |

| | | | |
|-----|----------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|--|--|
| | osteosarcomas e sarcomas de tecidos moles - suspeita de síndrome de Li-Fraumeni ou outras formas de câncer hereditário. Variantes patogênicas em heterozigose no gene TP53) - mínimo de Genes Analisados: TP53 | | |
| 132 | Pesquisa de MLPA de WT1 (tumor de Wilms e doenças relacionadas. Variantes patogênicas heterozigose no gene WT1 cursam com risco aumentado para tumor de Wilms e podem ainda cursar com as síndromes de Denys-Drash, de Frasier, de Meacham e síndrome nefrótica tipo 4) - mínimo de Genes Analisados: WT1 | | |
| 133 | Pesquisa de Pannel de Câncer de Próstata Hereditário HRR (20 genes relacionados a câncer de próstata hereditário) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ATM BARD1 BRCA1 BRCA2 BRIP1 CDK12 CHEK1 CHEK2 EPCAM FANCL MLH1 MSH2 MSH6 PALB2 PMS2 RAD51B RAD51C RAD51D RAD54L TP53 | | |
| 134 | Pesquisa de Pannel de Câncer Hereditário (Completo) (265 genes relacionados a câncer hereditário, incluindo formas mais raras como melanoma hereditário, feocromocitoma, doença de Von Hippel Lindau, paraganglioma, cilindromatose, síndrome de Birt-Hogg-Dubé, complexo de Carney, xeroderma pigmentoso, tumor teratóide rabdoide, síndrome hereditária de leiomiomatose e câncer renal, osteocondromatose múltipla (exostose múltipla), entre outras) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ACD AIP AKT1 ALK ANKRD26 APC ARMC5 ASCL1 ASXL1 ATM ATP4A ATR AXIN2 BAP1 BARD1 BDNF BLM BMPR1A BPGM BRAF BRCA1 BRCA2 BRIP1 BUB1B CABLES1 CASP10 CASP9 CBL CD70 CDC73 CDH1 CDH23 CDK12 CDK4 CDKN1B CDKN1C CDKN2A CEBPA CEP57 CHEK1 CHEK2 CREBBP CSF3R CTC1 CTNNA1 CTNNB1 CTR9 CYLD DDB2 DDX41 DICER1 DIS3L2 DKC1 DLST DNAJC21 DNMT3B DOCK8 EDN3 EFL1 EGFR EGLN1 EGLN2 EPAS1 EPCAM ERCC2 ERCC3 ERCC4 ERCC5 ERCC6 ERCC6L2 ETV6 EXT1 EXT2 EZH2 FAN1 FANCA FANCB FANCC FANCD2 FANCE FANCF FANCG FANCI FANCL FANCM FAS FASLG FBXW7 FGFR1 FH FIBP FLCN FOXE1 G6PC1 GALNT12 GATA1 GATA2 GLMN GNAS GPC3 HCLS1 HIF3A HNF1A HNF1B HOXB13 HRAS IPMK JAG1 JAK2 KDM1A KDM3B KIF1B KIT KLLN KRAS LAPTM5 LDAH LIG4 LZTR1 MAD2L2 MAGT1 MAP2K1 MAP2K2 MAP3K1 MAX MBD4 MCM4 MDH2 MEN1 MET MITF MLH1 MLH3 MMP1 MNX1 MRE11 MSH2 MSH3 MSH6 MSR1 MTAP MUTHY MYCN NBN NF1 NF2 NHP2 NME1 NOP10 NRAS NSD1 NTHL1 NTRK1 NYNRIN OS9 PALB2 PARN PAX5 PBRM1 PDGFB PDGFRA PDGFRB PHOX2B PIK3CA PMS2 POLD1 POLE POLH POT1 PPP2R2A PPP2R3B PRF1 PRKAR1A PSMC3IP PTCH1 PTCH2 PTEN PTPN11 RABL3 RAD50 RAD51 RAD51B RAD51C RAD51D RAD54L RAF1 RASA2 RASAL1 RB1 RBBP6 RECQL RECQL4 RET RFWO3 RHBDF2 RMI2 RNASEL RNF139 RNF43 RPS20 RRAS RSPO1 RTEL1 RUNX1 SAMD9 SAMD9L SASH1 SBDS SDHA SDHAF2 SDHB SDHC SDHD SEC23B SETBP1 SH2B3 SH2D1A SHOC2 SLC25A11 SLX4 SMAD4 SMARCA4 SMARCA1 SMARCB1 SMARCE1 SOS1 SPRTN SRP54 SRP72 STAT3 STK11 SUFU TERC TERF2IP TERT TET2 TEX15 TGFB2 THSD1 TINF2 TMC6 TMC8 TMEM127 TOP3A TP53 TPCN2 TRIM28 TRIP13 TSC1 TSC2 UBE2T USP8 VHL WAS WIPF1 WRAP53 WRN WT1 WWOX XIAP XPA XPC XRCC2 ZNF687 | | |
| 135 | Pesquisa de Pannel de Câncer Hereditário (Principais Genes) (genes relacionados às formas mais comuns de predisposição hereditária ao câncer, incluindo os cânceres de mama, ovário, endométrio, intestino/colorretal (formas polipóides e não-polipóides), próstata, gástrico, neoplasia endócrina múltipla (MEN1), pâncreas, Síndrome de Li-Fraumeni, entre outras) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: | | |

| | | | |
|-----|------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|--|--|
| | APC ATM BAP1 BARD1 BLM BMPR1A BRCA1 BRCA2 BRIP1 CDH1 CDK4 CDKN2A CHEK2 EGFR EPCAM FANCC FANCM MEN1 MET MLH1 MSH2 MSH3 MSH6 MUTYH NBN NTHL1 PALB2 PMS2 POLD1 POLE PTEN RAD51C RAD51D RECQL RET STK11 TP53 | | |
| 136 | Pesquisa de Painel de Meningioma (genes mais importantes associados a susceptibilidade hereditária à Meningioma) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flangeadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ARMC5 BAP1 LZTR1 PDGFB PTEN SMARCB1 SMARCE1 SUFU | | |
| 137 | Pesquisa de Síndrome de Marfan (sequenciamento do gene FBN1) (identifica doença do tecido conectivo que causa alterações oculares, cardiovasculares e esqueléticas) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flangeadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: FBN1 | | |
| 138 | Pesquisa de Síndrome de Rubinstein-Taybi-SRT (MLPA da região 16p13) (identifica deficiência de crescimento pós-natal, microcefalia, características faciais específicas, polegares e dedos do pé alargados, atraso do desenvolvimento, entre outros) - mínimo de Genes Analisados: CREBBP | | |
| 139 | Pesquisa de Síndrome de Russell-Silver-SRS (metilação de 11p15) (identifica doença genética de restrição de crescimento intrauterino e pós-natal, resultante de alterações na regulação de genes que controlam o crescimento) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flangeadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: IGF2 | | |
| 140 | Pesquisa de Síndrome de Smith-Magenis (MLPA da região 17p11) (identifica deficiência intelectual, características faciais distintas, distúrbios do sono e problemas comportamentais, entre outros) - mínimo de Genes Analisados: RAI1 | | |
| 141 | Pesquisa de Síndrome de Sotos (MLPA da região 5q35) (identifica diagnóstico de indivíduos com suspeita clínica de síndrome de Sotos - crescimento excessivo na infância, dismorfias crânio-faciais e atraso no desenvolvimento neuropsicomotor) - mínimo de Genes Analisados: NSD1 | | |
| 142 | Pesquisa de Síndrome de WAGR (MLPA da região 11p13) (identifica aumento de risco para desenvolvimento tumor de Wilms, aniridia (ausência de íris), anomalias gênito-urinárias e deficiência intelectual) - mínimo de Genes Analisados: PAX6 WT1 | | |
| 143 | Pesquisa de Síndrome de Williams (MLPA da região 7q11.23) (identifica deficiência intelectual, personalidade característica, problemas cardiovasculares, entre outros) - mínimo de Genes Analisados: CLIP2 ELN GTF2I GTF2IRD1 LIMK1 | | |
| 144 | Pesquisa de Síndrome de Wolf-Hirschhorn (MLPA da região 4p16) (identifica atraso no crescimento e no desenvolvimento, deficiência intelectual, convulsões e aparência facial típica) - mínimo de Genes Analisados: LETM1 MSX1 | | |
| 145 | Pesquisa de Triagem de Portador de Mutações de Doenças Recessivas (identifica mutações previamente descritas e/ou reconhecidamente patogênicas em 165 genes relacionados a doenças autossômicas recessivas) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flangeadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ABCC8 ACADM ACADVL ADA ADAMTS2 AGA AGL AGXT AIRE ALDH3A2 ALDOB ALG6 ALMS1 ALPL AMT ARG1 ARSA ASL ASPA ASS1 ATM ATP7B BBS1 BBS10 BBS12 BBS2 BCKDHA BCKDHB BCS1L BLM BTD CAPN3 CFTR CLN3 CLN5 CLN6 CLN8 CLRN1 COL4A3 | | |

| | | | |
|-----|------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|--|--|
| | COL4A4 CPS1 CPT1A CPT2 CTNS CTSK CYP11B1 CYP27A1 DBT DHCR7 DHDDS DLD DYSF ELP1 ERCC6 ERCC8 EVC EVC2 F11 FAH FANCA FANCC FKRP FKTN G6PC1 GAA GALT GALK1 GALT GBA GCDH GJB2 GLB1 GLDC GNE GNPTAB GNPTG GRHPR HADHA HBB HEXA HEXB HGSNAT HLCS HMGCL HOGA1 HSD17B4 HYL1 IDUA IVD KCNJ11 LAMA2 LAMA3 LAMB3 LAMC2 LIPA LRPPRC MAN2B1 MCOLN1 MESP2 MKS1 MLC1 MMAA MMAB MMACHC MMUT MPI MPL MTTP MYO7A NAGLU NBN NEB NPC1 NPC2 NPHS1 NPHS2 OPA3 PAH PC PCCA PCCB PCDH15 PEX1 PEX10 PEX12 PEX2 PEX6 PEX7 PHGDH PKHD1 PMM2 POMGNT1 PPT1 PROP1 PTS RTEL1 SACS SGCA SGCB SGCD SGCG SGSH SLC12A6 SLC17A5 SLC22A5 SLC26A2 SLC26A4 SLC35A3 SLC37A4 SMPD1 STAR SUMF1 TAT TCIRG1 TGM1 TH TMEM216 TPP1 TTPA USH1C USH2A VPS13B XPA XPC ZFYVE26 | | |
| 146 | Pesquisa de Amiloidose Familiar (sequenciamento do gene TTR) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flangeadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: TTR | | |
| 147 | PESQUISA DE ANTICORPOS ANTINUCLEARES - FAN | | |
| 148 | Pesquisa de Anticorpos Contra Antígenos Celulares em Células HEp-2 - FANHEP2 | | |
| 149 | PESQUISA DE ANTICORPOS ANTI MÚSCULO LISO, ANTICORPOS ANTI-ASMA | | |
| 150 | PESQUISA DE ANTICORPOS ANTI-AQUAPORINA 4 (ANTICORPOS IgG - S) | | |
| 151 | Pesquisa de Arteriopatia Cerebral (CADASIL - sequenciamento do gene NOTCH3) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flangeadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: NOTCH3 | | |
| 152 | Pesquisa de Ataxia de Friedreich (expansão FXN) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flangeadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) | | |
| 153 | Pesquisa de Ataxia Espinocerebelar Tipo 10 (expansão ATXN10/SCA10) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flangeadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) | | |
| 154 | Pesquisa de Ataxia Espinocerebelar Tipo 3 - Machado-Joseph (expansão ATXN3/SCA3) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flangeadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) | | |
| 155 | Pesquisa de Ataxia Espinocerebelar Tipo 6 (expansão CACNA1A/SCA6) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flangeadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) | | |
| 156 | Pesquisa de Ataxia Espinocerebelar Tipo 7 (expansão ATXN7/SCA7) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flangeadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) | | |
| 157 | Pesquisa de Ataxias Espinocerebelares por Expansões (SCA1, SCA2, SCA3, SCA6) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flangeadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) | | |
| 158 | Pesquisa de Atrofia Espinhal Progressiva (MLPA de SMN1 e SMN2) - mínimo de Genes Analisados: SMN1 SMN2 | | |
| 159 | Pesquisa de Atrofia Espinhal Progressiva (sequenciamento NGS de SMN1 após MLPA) - mínimo de Genes Analisados: SMN1 | | |

| | | | |
|-----|--------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|--|--|
| 160 | PESQUISA DE CELULAS CD16 | | |
| 161 | PESQUISA DE CELULAS CD19 | | |
| 162 | PESQUISA DE CELULAS CD2 | | |
| 163 | PESQUISA DE CELULAS CD3 | | |
| 164 | PESQUISA DE CELULAS CD4 | | |
| 165 | PESQUISA DE CELULAS CD56 | | |
| 166 | PESQUISA DE CELULAS CD8 | | |
| 167 | Pesquisa de Charcot-Marie-Tooth Tipo 1A e HNPP (MLPA de PMP22) - minimo de Genes Analisados: PMP22 | | |
| 168 | PESQUISA DE CLONE HPN - CD59 | | |
| 169 | Pesquisa de Distrofia Miotônica Tipo I – Steinert (expansão DMPK) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) | | |
| 170 | Pesquisa de Distrofia Miotônica Tipo II (expansão CNBP) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) | | |
| 171 | Pesquisa de Distrofia Muscular de Duchenne (MLPA do gene DMD) - minimo de Genes Analisados: DMD | | |
| 172 | Pesquisa de Doença de Huntington (expansão HTT) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) | | |
| 173 | Pesquisa de Doença de Kennedy (atrofia muscular espinhal e bulbar) (expansão AR) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) | | |
| 174 | Pesquisa de Esclerose Lateral Amiotrófica (ELA) (expansão C9orf72) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - minimo de Genes Analisados: C9orf72 | | |
| 175 | Pesquisa de FISH para deleção/amplificação Leucemia linfocítica crônica: del(17p); TP53; (17p13.1) | | |
| 176 | Pesquisa de FISH PARA EOSINOFILIAS: rearranjos PDGFRA-FIP1L1, PDGFRb-ETV6, PCM1-JAK2, FGFR1-JAK2, FLT3 rearranjos, ETV6 rearranjos. | | |
| 177 | Pesquisa de FISH PARA LLA t(v;11q23), Gene MLL | | |
| 178 | Pesquisa de FISH PARA LNH Difuso de grandes células B: MYC breakapart (ba), MYC/IGH translocation, BCL2/IGH translocation, BCL6 ba and CCND1/IGH translocation | | |
| 179 | Pesquisa de Hiperplasia Adrenal Congênita por Deficiência de CYP21A2 (Seq. + MLPA) - sequenciamento do gene CYP21A2 por Sanger, além da identificação de microdeleções ou microduplicações por MLPA. | | |
| 180 | PESQUISA DE LTA (Leishmaniose Tegumentar Americana) E FUNGOS DE RASPADO | | |
| 181 | Pesquisa de MLPA de ATM (ataxia-telangiectasia ou de câncer hereditário) - minimo de Genes Analisados: ATM | | |
| 182 | Pesquisa de MLPA de BAP1 (síndrome de predisposição tumoral) - minimo de Genes Analisados: BAP1 | | |

| | | | |
|-----|------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|--|--|
| 183 | <p>Pesquisa de Paineis de Anemia de Fanconi - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flangeadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: BRCA1 BRCA2 BRIP1 COX4I1 ERCC4 FANCA FANCB FANCC FANCD2 FANCE FANCF FANCG FANCI FANCL FANCM MAD2L2 PALB2 RAD51 RAD51C RFWD3 SLX4 UBE2T XRCC2</p> | | |
| 184 | <p>Pesquisa de Paineis de Anemias Hereditárias - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flangeadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ABCB7 ABCD4 ABCG5 ABCG8 ACD ADA2 ADH5 AK1 ALAS2 ALDOA AMMECR1 AMN ANK1 APOB ATP11C ATRX BOLA2 BRCA1 BRCA2 BRIP1 CBLIF CD46 CD59 CDAN1 CDIN1 CFB CFH CFI COQ2 COX4I1 COX4I2 CPOX CTC1 CUBN DHFR DKC1 DNAJC19 DNAJC21 EFL1 EPB41 EPB42 EPO ERCC4 ERCC6L2 FANCA FANCB FANCC FANCD2 FANCE FANCF FANCG FANCI FANCL FANCM FECH FTCD G6PD GATA1 GCLC GLRX5 GPI GSR GSS HBA1 HBA2 HBB HK1 HMOX1 HSPA9 IREB2 IVD KCNN4 KIF23 KLF1 LARS2 LCAT LMBRD1 LPIN2 MAD2L2 MDM4 MMAA MMAB MMACHC MMADHC MMUT MPIG6B MTHFD1 MTR MTRR MYSM1 NBN NHP2 NOP10 NT5C3A PALB2 PANK2 PARN PCCA PCCB PFKM PGK1 PIEZO1 PKLR PNPO PRF1 PUS1 RACGAP1 RAD51 RAD51C RFWD3 RGL2 RHAG RPL10 RPL10A RPL11 RPL15 RPL18 RPL19 RPL26 RPL27 RPL3 RPL31 RPL34 RPL35 RPL35A RPL5 RPLP0 RPS10 RPS11 RPS14 RPS15A RPS17 RPS19 RPS20 RPS24 RPS26 RPS27 RPS28 RPS29 RPS7 RTEL1 SBDS SC5D SEC23B SLC11A2 SLC19A1 SLC19A2 SLC25A38 SLC2A1 SLC46A1 SLC4A1 SLX4 SPTA1 SPTB SRC SRP54 SRP72 STEAP3 TALDO1 TCN2 TERT TF TFRC TGFB1 THBD TINF2 TKFC TMPRSS6 TP53 TP11 TRNT1 TSR2 UBE2T UMPS UROD UROS VPS13A VPS4A WRAP53 XK XRCC2 YARS2 ZCCHC8</p> | | |
| 185 | <p>Pesquisa de Paineis de Aneurisma Aórtico - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flangeadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ACTA2 BGN COL1A1 COL1A2 COL3A1 COL5A1 COL5A2 EFEMP2 FBLN5 FBN1 LOX MFAP5 MYH11 MYLK PRKG1 SKI SLC2A10 SMAD3 SMAD6 TGFB2 TGFB3 TGFB1 TGFB2</p> | | |
| 186 | <p>Pesquisa de Paineis de Arritmias - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flangeadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: AARS2 ABCC6 ABCC9 ACAD8 ACAD9 ACADVL ACTA1 ACTC1 ACTN2 ADCY5 AGK AGL AHCY ALG1 ALG12 ALMS1 ALPK3 ANK2 ANKS6 ARSB ATAD3A ATP5F1E ATPAF2 BAG3 BCS1L BMP2 BOLA3 BRAF BSCL2 C1QBP C1QTNF5 CACNA1C CACNB2 CALM1 CALM2 CALM3 CALR3 CAP2 CASQ2 CAV3 CAVIN1 CENPE CEP19 CHKB CLIC2 CLN3 COA5 COA6 COA8 COQ2 COQ4 COX10 COX14 COX15 COX20 COX6B1 COX7B CPT1A CPT2 CRYAB CSRP3 CTNNA3 D2HGDH DCAF8 DES DIP2A DLD DMD DNAJC19 DOLK DPM3 DPP6 DSC2 DSG2 DSP DTNA ECHS1 ELAC2 EMD EPG5 ERBB3 EYA4 FAH FASTKD2 FBXL4 FHL1 FHOD3 FIG4 FKRP FKTN FLAD1 FLNC FNIP1 FOXRED1 FTO FUCA1 FXN GAA GATAD1 GBE1 GJA5 GLA GLB1 GMPPB GNAI2 GNB5 GNPTAB GNS GPC3 GPD1L GSN GTPBP3 GYS1 HADH HADHA HADHB HCCS HCN4 HGSNAT HPS1 HRAS HSD17B10 IDH2 IDUA ITPA JPH2 JUP KCNA5 KCND3 KCNE2 KCNE3 KCNH1 KCNH2 KCNJ2 KCNJ5 KCNQ1 KIF20A LAMA4 LAMP2 LDB3 LIAS LMNA MAP2K1 MAP2K2 MCCC2 MCM10 MGME1 MIB1 MLYCD MMUT MRPL3 MRPL4 MRPS22 MRPS7 MT-TI MTFMT MTO1 MYBPC3 MYH6 MYH7 MYL2 MYL3 MYL4 MYLK2 MYO6 MYOT MYOZ2 MYPN NAGLU NDUFA1 NDUFA10 NDUFA11 NDUFA12 NDUFA2 NDUFA6 NDUFA9 NDUFAF1 NDUFAF2 NDUFAF3 NDUFAF4 NDUFAF5 NDUFAF6 NDUFB10 NDUFB11 NDUFB3 NDUFB8 NDUFB9 NDUFS1 NDUFS2 NDUFS3 NDUFS4 NDUFS6 NDUFS7 NDUFS8 NDUFV1 NDUFV2 NEU1 NEXN NKX2-5 NONO NPPA NRAP NUBPL NUP155 PAM16 PCCA PCCB PET100 PGM1 PHYH PIGT PKP2</p> | | |

| | | | |
|-----|-------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|--|--|
| | <p>PLEKHM2 PLN PMM2 PNPLA2 POLG POMT1 PPCS PPP1R13L PRDM16 PRG4 PRKAG2 PRKAR1A PSEN1 PSEN2 PSMB4 PSMB8 PSMB9 RAB3GAP2 RAF1 RBCK1 RBM20 RIT1 RMND1 RPL3L RRAGD RYR2 SCN1B SCN2B SCN3B SCN5A SCO1 SCO2 SDHA SDHAF1 SDHD SELENON SGCA SGCB SGCD SGCG SGSH SHMT2 SHOC2 SLC19A2 SLC22A5 SLC25A20 SLC25A26 SLC25A3 SLC25A4 SLC30A5 SLC6A6 SOD2 SOS1 SPEG SURF1 SYNE1 SYNE2 TACO1 TAF1A TFAZZIN TANGO2 TAPT1 TBX1 TBX3 TBX5 TCAP TECRL TF TGFB3 TIMMDC1 TMEM126A TMEM126B TMEM43 TMEM70 TNNC1 TNNI3 TNNI3K TNNT2 TOP3A TOR1AIP1 TPM1 TPM3 TRDN TRIT1 TRMT5 TRNT1 TRPM7 TSC1 TSFM TTN TTR TWNK UBR1 UQCRFS1 VCL VPS33A WFS1 XK XPNPEP3 YARS2</p> | | |
| 187 | <p>Pesquisa de Paineis de Ataxias (NGS) (painel inclui a pesquisa a Ataxia-Telangiectasia, Ataxia com Apraxia Oculomotora, entre outras) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ABHD12 ACO2 AFG3L2 ANO10 APOB APTX ATCAY ATM ATP8A2 BEAN1 CACNA1A CACNA1G CACNB4 CCDC88C CLCN2 CLN5 COQ2 COQ8A CYP27A1 DDC DNMT1 EBF3 ELOVL4 FGF14 FLVCR1 FXN GOSR2 GRM1 ITPR1 KCNA1 KCNC3 KCND3 KCNJ10 KIF1A LAGE3 LAMA1 MRE11 MTPP NPC1 NPC2 NUP107 NUP133 OSGEP PCNA PDSS1 PDSS2 PDYN PEX7 PHYH PMPCA PNKP PNPLA6 POLG PRKCG PRNP PTF1A RUBCN SACS SCN2A SETX SIL1 SLC1A3 SLC2A1 SPG7 SPTBN2 SYNE1 SYT14 TDP1 TGM6 TP53RK TPP1 TPRKB TTBK2 TTPA TWNK TXN2 VLDLR WDR4 WDR73 WFS1 WWOX</p> | | |
| 188 | <p>Pesquisa de Paineis de Autismo (Transtorno do Espectro Autista (TEA).) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ADNP ANKRD11 ARID1B ASH1L AUTS2 CAMK2A CHD2 CHD8 DDX3X DYRK1A EHMT1 FOXP1 GRIA1 GRIN2B HNRNPH2 KMT2A KMT2C KMT5B MBD5 MECP2 MED12 NAA15 NEXMIF NLGN3 NLGN4X PACS1 POGZ PPM1D PTCHD1 PTEN RPL10 SCN2A SETD2 SHANK1 SHANK2 SHANK3 SYN1 SYNGAP1 TBL1XR1 TBR1 TRIO TRIP12 UBE3A</p> | | |
| 189 | <p>Pesquisa de Paineis de Baixa Estatura - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ACAN ADAMTS10 ANKRD11 ATR BRAF CBL CCDC8 CDC6 CDT1 CENPJ CEP152 CEP63 CHD7 COL10A1 COL2A1 COL9A1 COL9A2 COMP CREBBP CUL7 FBN1 FGF8 FGFR1 FGFR3 GH1 GHR GHRHR GLI2 GLI3 GNAS HESX1 HRAS IGF1 IGF1R IGF2 IGFALS IHH KRAS LHX3 LHX4 MAP2K1 NPPC NPR2 NRAS OBSL1 ORC1 ORC4 ORC6 OTX2 PAPSS2 PCNT PITX2 POU1F1 PRKAR1A PROP1 PTH1R PTPN11 RAF1 RBBP8 SHOC2 SHOX SOS1 SOX3 SOX9 SRCAP STAT5B XRCC4</p> | | |
| 190 | <p>Pesquisa de Paineis de Câncer Colorretal Hereditário - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: APC ATM AXIN2 BARD1 BLM BMPR1A BRCA1 BRCA2 BRIP1 CDH1 CDK4 CDKN2A CHEK2 EGFR EPCAM FANCC IPMK MBD4 MEN1 MET MLH1 MSH2 MSH3 MSH6 MUTYH NBN NTHL1 PALB2 PMS2 POLD1 POLE PTEN RABL3 RAD51C RAD51D RECQL RET RNF43 RPS20 SMAD4 STK11 TP53</p> | | |
| 191 | <p>Pesquisa de Paineis de Câncer de Mama e Ovário Hereditários - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: APC ATM BAP1 BARD1 BLM BMPR1A BRCA1 BRCA2 BRIP1 CDH1 CDK4 CDKN2A CHEK2 EGFR EPCAM FANCC FANCM MEN1 MET MLH1 MSH2 MSH3 MSH6 MUTYH NBN NTHL1 PALB2 PMS2 POLD1 POLE PTEN RAD51C RAD51D RECQL RET STK11 TP53</p> | | |

| | | | |
|-----|---------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|--|--|
| 192 | Pesquisa de Paineis de Colestase Crônica - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flangeadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ABCB11 ABCB4 ATP8B1 CFTR JAG1 KIF12 LSR MYO5B NR1H4 PPM1F SERPINA1 TJP2 USP53 VIPAS39 VPS33B WDR83OS | | |
| 193 | Pesquisa de Paineis de Demências e Parkinson - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flangeadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ABCD1 APP ARSA ATP13A2 ATP1A3 ATP7B CHMP2B CSF1R CYP27A1 DCTN1 DNAJC6 EIF4G1 FBXO7 FUS GALT GBA GCH1 GFAP GLA GRN HEXA HTRA2 ITM2B LMNB1 LRRK2 MAPT NOTCH3 NPC1 NPC2 PANK2 PARK7 PINK1 PLA2G6 PNKD POLG PPT1 PRKN PRKRA PRNP PRRT2 PSAP PSEN1 PSEN2 SGCE SLC2A1 SLC6A3 SNCA SPG11 SPR SQSTM1 TARDBP TH THAP1 TOR1A TREM2 TYROBP UBQLN2 UCHL1 VCP VPS35 | | |
| 194 | Pesquisa de Paineis de Diabetes Monogênico (Maturity-Onset Diabetes of the Young - MODY) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flangeadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ABCC8 APPL1 CEL EIF2AK3 GATA6 GCK HNF1A HNF1B HNF4A INS KCNJ11 KLF11 NEUROD1 NEUROG3 PDX1 PLAGL1 PTF1A RFX6 SH2B1 SLC19A2 SLC2A2 WFS1 ZFP57 | | |
| 195 | Pesquisa de Paineis de Discinesia Ciliar Primária - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flangeadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: CCDC103 CCDC39 CCDC40 CCDC65 CCNO CFAP298 CFAP300 DNAAF1 DNAAF11 DNAAF2 DNAAF3 DNAAF4 DNAAF5 DNAAF6 DNAH1 DNAH11 DNAH5 DNAI1 DNAI2 DNAJB13 DNAL1 DRC1 GAS8 HYDIN NME8 ODAD1 ODAD2 ODAD3 ODAD4 RSPH1 RSPH3 RSPH4A RSPH9 SPAG1 ZMYND10 | | |
| 196 | Pesquisa de Paineis de Dislipidemias - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flangeadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: APOB LDLR LDLRAP1 PCSK9 | | |
| 197 | Pesquisa de Paineis de Distônias - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flangeadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ADCY5 ANO3 ARG1 ARSA ATM ATP1A3 ATP7B CACNA1B COL6A3 CP GCDH GCH1 GNAL HPRT1 KCNMA1 KCTD17 MRE11 PANK2 PCNA PLA2G6 PNKD PRKN PRKRA PRRT2 RELN SGCE SLC2A1 SLC6A3 SPR TAF1 TH THAP1 TIMM8A TOR1A TUBB4A WDR45 | | |
| 198 | Pesquisa de Paineis de Distrofias Musculares, Miopatias e Miastenia - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flangeadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ACTA1 AGRN ANO5 B3GALNT2 B4GAT1 BAG3 BIN1 CAPN3 CAV3 CFL2 CHAT CHKB CHRNA1 CHRNB1 CHRND CHRNE CNTN1 COL6A1 COL6A2 COL6A3 COLQ CPT2 CRYAB DAG1 DES DMD DNAJB6 DNM2 DOK7 DPAGT1 DPM1 DPM3 DYSF EMD FHL1 FKRPF FKTN FLNC GAA GFPT1 GMPFB GNE HNRNPA1 HNRNPA2B1 IGHMBP2 ITGA7 KBTBD13 LAMA2 LARGE1 LDB3 LMNA MAGEL2 MATR3 MTM1 MUSK MYH7 MYL2 MYOT NEB Orai1 PABPN1 PLEC PNPLA2 POMGNT1 POMGNT2 POMK POMT1 POMT2 PYGM RAPSN RXYLT1 RYR1 SELENON SGCA SGCB SGCD SGCG SQSTM1 STIM1 TCAP TGFB1 TIA1 TK2 TNNT1 TPM2 TPM3 TRIM32 TTN VCP VMA21 YARS2 | | |
| 199 | Pesquisa de Paineis de Distúrbios da Função Renal - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flangeadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: AGXT AQP2 ATP6V0A4 ATP6V1B1 AVPR2 BSND CLCNKA CLCNKB CLDN16 CLDN19 CNNM2 CTNS GLA GRHPR HOGA1 KCNJ1 | | |

| | | | |
|-----|--------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|--|--|
| | SCNN1A SCNN1B SCNN1G SLC12A1 SLC12A3 SLC4A4 TRPM6 | | |
| 200 | Pesquisa de Pannel de Doença Policística Renal - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: DNAJB11 DZIP1L GANAB NOTCH2 PKD1 PKD2 PKHD1 | | |
| 201 | Pesquisa de Pannel de Doenças Auto-inflamatórias - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ADAM17 ARPC1B CARD11 CD55 EGFR FOXP3 IL10RA IL10RB IL1RN IL36RN ITCH LPIN2 MEFV MVK NLRC4 NLRP12 NLRP3 NOD2 PLCG2 PSTPIP1 TNFAIP3 TNFRSF1A | | |
| 202 | Pesquisa de Pannel de Doenças da Córnea - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ADAMTS18 AGBL1 ARL2 CFD CHRDL1 CHST6 COL8A2 CRIM1 DCN GRHL2 KERA KRT12 KRT3 LTBP2 NLRP1 OVOL2 PIKFYVE PITX2 PLCB3 PRDM5 PXDN SLC16A12 SLC4A11 TACSTD2 TGFB1 UBIAD1 ZEB1 ZNF469 | | |
| 203 | Pesquisa de Pannel de Doenças Mitocondriais (DNA Nuclear e Mitocondrial) - Pannel de Doenças Mitocondriais (DNA Nuclear e Mitocondrial) analisa, através da técnica de NGS, genes relacionados à doenças mitocondriais - mínimo de Genes Analisados: AARS2 ACAD9 AIFM1 ATP5F1A ATP5F1E ATPAF2 BCS1L BOLA3 C1QBP CARS2 CHCHD10 COA8 COX10 COX14 COX15 COX20 COX6B1 CYC1 DARS2 DDC DGUOK DNA2 EARS2 ECHS1 ELAC2 FARS2 FASTKD2 FBXL4 FDX2 FDXR FOXRED1 GFER GFM1 GTPBP3 HADHA HADHB IBA57 ISCA1 ISCA2 ISCU LIAS LIPT2 LRPPRC LYRM4 LYRM7 MARS2 MGME1 MICOS13 MPC1 MPV17 MRPL3 MRPL44 MRPS16 MRPS2 MRPS22 MRPS34 MRPS7 MSTO1 MT-ATP6 MT-ATP8 MT-CO1 MT-CO2 MT-CO3 MT-CYB MT-ND1 MT-ND2 MT-ND3 MT-ND4 MT-ND4L MT-ND5 MT-ND6 MT-TA MT-TC MT-TD MT-TE MT-TF MT-TG MT-TH MT-TI MT-TK MT-TL1 MT-TL2 MT-TM MT-TN MT-TP MT-TQ MT-TR MT-TS1 MT-TS2 MT-TV MT-TW MT-TY MTFMT MTO1 MTRFR NARS2 NDUFA1 NDUFA10 NDUFA11 NDUFA12 NDUFA2 NDUFA9 NDUFAF1 NDUFAF2 NDUFAF3 NDUFAF4 NDUFAF5 NDUFAF6 NDUFB3 NDUFB8 NDUFB9 NDUF51 NDUF52 NDUF53 NDUF54 NDUF56 NDUF57 NDUF58 NDUFV1 NDUFV2 NFU1 NUBPL OPA1 PCK2 PET100 PNPLA8 PNPT1 POLG POLG2 PUS1 RMND1 RNASEH1 RRM2B SCO1 SDHA SDHAF1 SDHD SFXN4 SLC25A26 SLC25A3 SLC25A4 SUCLA2 SUCLG1 SUOX SURF1 TACO1 TANGO2 TARS2 TIMMDC1 TK2 TMEM126B TMEM70 TRIT1 TRMT10C TRMT5 TSFM TTC19 TUFM TWNK TXN2 TYMP UQCC2 UQCC3 UQCRB UQCRC2 UQCRQ VARS2 WARS2 YARS2 | | |
| 204 | Pesquisa de Pannel de Doenças Tratáveis - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ABCB11 ABCB4 ABCC8 ABCD1 ABCD4 ABCG5 ABCG8 ACAD8 ACADM ACADVL ACAT1 ADA ADAMTS13 AGL AICDA AK2 AKR1D1 ALAD ALAS2 ALDH7A1 ALDOA ALDOB ALPL AMACR AMT APOA5 APOC2 AQP2 ARG1 ARSA ARSB ASL ASS1 ATP6V0A4 ATP6V1B1 ATP7A ATP7B ATP8B1 AVPR2 BAAT BCKDHA BCKDHB BCKDK BCL10 BLNK BSND BTB BTK CA5A CAD CARD11 CASR CD247 CD320 CD3D CD3E CD3G CD40 CD40LG CD79A CD79B CDCA8 CFTR CIC CIITA CLCNKA CLCNKB CLDN16 CLDN19 CNM2 COL1A1 COL1A2 CORO1A CPOX CPS1 CPT1A CPT2 CTNS CTPS1 CXCR2 CXCR4 CYBA CYBB CYBC1 CYP11B1 CYP11B2 CYP17A1 CYP27A1 CYP27B1 CYP2R1 CYP7A1 CYP7B1 DBT DCLRE1C DDC DGAT1 DHFR DLD DMD DNAJC12 DNAJC21 DOCK2 DUOX2 DUOX2 EFL1 ELANE ETFA ETFB ETFDH ETHE1 F8 F9 FAH FBP1 FCHO1 FECH FGA FLAD1 FOLR1 FOXE1 FOXN1 FOXP3 G6PC1 G6PC3 | | |

| | | | |
|-----|--------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|--|--|
| | <p>G6PD GAA GALC GALE GALK1 GALT GALNS GALT GAMT GATA2 GATM GBA GBE1 GBP1 GCDH GCH1 GCK GCSH GF11 GGCX GJB2 GJB6 GLA GLB1 GLDC GLIS3 GLRA1 GLRB GLUD1 GOT2 GPIHBP1 GUSB GYS1 GYS2 HADH HADHA HADHB HAX1 HBB HCFC1 HESX1 HLCS HMBS HMGCL HMGCS2 HPD HSD3B2 HSD3B7 HYOU1 IDS IDUA IFNGR1 IFNGR2 IGLL1 IGSF1 IKBKB IL12B IL12RB1 IL2RA IL2RG IL7R INS INSR IRF8 IRS4 IVD IYD JAGN1 JAK3 KCNJ1 KCNJ11 LAT LCK LCT LDHA LHX3 LHX4 LIPA LMBRD1 LMF1 LPL MAGT1 MALT1 MAN2B1 MAP3K14 MC2R MCEE MLYCD MMAA MMAB MMACHC MMADHC MMUT MOCS1 MPI MPL MPO MRAP MTHFR MTR MTRR MTTP MYD88 MYH9 NAGLU NAGS NCF2 NCF4 NEUROG3 NHEJ1 NKX2-1 NKX2-5 NNT NPC1 NPC2 NR0B1 ORAI1 OTC OTX2 OXCT1 PAH PAX8 PC PCBD1 PCCA PCCB PCK1 PDXK PFKM PGAM2 PGM1 PHEX PHGDH PHKA1 PHKA2 PHKB PHKG2 PIK3R1 PLPBP PNP PNPO POU1F1 PPOX PRF1 PRKDC PROP1 PSAT1 PSPH PTPRC PTS PYGL PYGM QDPR RAC2 RAG1 RAG2 RASGRP1 RB1 RFX5 RFXANK RFXAP RORC SBDS SCNN1A SCNN1B SCNN1G SGSH SH2D1A SI SLC12A1 SLC16A1 SLC19A1 SLC19A2 SLC19A3 SLC22A5 SLC25A13 SLC25A15 SLC25A19 SLC25A20 SLC26A3 SLC26A4 SLC26A7 SLC27A5 SLC2A1 SLC2A2 SLC37A4 SLC39A4 SLC46A1 SLC52A2 SLC52A3 SLC5A1 SLC5A5 SLC5A6 SLC6A5 SLC6A6 SLC7A7 SLC7A9 SMN1 SMPD1 SORD SPR SRP54 STAR STAT1 STX11 STXBP2 TANGO2 TAP1 TAP2 TAPBP TAT TBL1X TCN2 TFRC TG TH THAP11 THRA TJP2 TK2 TPK1 TPO TPP1 TRH TRHR TRPM6 TSHB TSHR TTPA TUBB1 UGT1A1 UNC13D UNG UROD UROS USP53 VDR VKORC1 VPS45 WAS WIPF1 XIAP ZAP70 ZNF143</p> | | |
| 205 | <p>Pesquisa de Pannel de Endocrinopatias Neonatais - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - minimo de Genes Analisados: ABCC8 CYP11B1 CYP17A1 DUOXA2 GCK GLIS3 GLUD1 HADH INSR IYD KCNJ11 LHX4 NR0B1 PAX8 POU1F1 PROP1 SLC16A1 SLC2A2 SLC5A5 TG THRA THRB TPO TSHB</p> | | |
| 206 | <p>Pesquisa de Pannel de Epidermólise Bolhosa - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - minimo de Genes Analisados: CAST CD151 CDSN CHST8 COL17A1 COL7A1 CSTA DSP DST EXPH5 FERMT1 FLG2 ITGA3 ITGA6 ITGB4 KLHL24 KRT14 KRT5 LAMA3 LAMB3 LAMC2 MMP1 PLEC SERPINB8 TGM5</p> | | |
| 207 | <p>Pesquisa de Pannel de Epilepsias - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - minimo de Genes Analisados: AARS1 ACER3 ADAM22 ADGRV1 ADRA2B ADSL AIMP2 ALDH7A1 ALG13 AMT AP3B2 ARHGEF9 ARV1 ARX ASAH1 ATP13A2 ATP1A2 ATP1A3 ATP6V1A ATP7A ATP8A2 BRAF BRAT1 BSCL2 CACNA1A CACNA1D CACNA1E CACNB4 CAMK2A CASK CASR CCDC88A CDK5 CDKL5 CERS1 CHD2 CHRNA2 CHRNA4 CHRNB2 CILK1 CLCN2 CLDN5 CLN3 CLN5 CLN6 CLN8 CLTC CNNM2 CNPY3 CNTN2 CNTNAP2 CPA6 CPLX1 CSTB CTSD CYFIP2 DCX DDC DEAF1 DENND5A DEPDC5 DHDDS DIAPH1 DIP2A DLAT DNAJC5 DNM1 DOCK7 EEF1A2 EIF2S3 EMX2 EPM2A EXT2 FOLR1 FOXG1 FRRS1L GABBR2 GABRA1 GABRA2 GABRA3 GABRA5 GABRB1 GABRB2 GABRB3 GABRG2 GAMT GATM GBA GCSH GLDC GNAO1 GOSR2 GPAA1 GRIA4 GRIN1 GRIN2A GRIN2B GRIN2D GRN HACE1 HCN1 HECW2 HEXA HEXB HNRNPU IER3IP1 IQSEC2 ITPA KANSL1 KATNB1 KCNA1 KCNA2 KCNB1 KCNC1 KCNJ10 KCNMA1 KCNQ2 KCNQ3 KCNT1 KCNT2 KCTD17 KCTD3 KCTD7 LAMB1 LGI1 LIAS LMNB2 MBD5 MDH2 MECP2 MED17 MEF2C MFSD8 MOCS1 MOCS2 NACC1 NDE1 NECAP1 NHLRC1 NPC1 NPC2 NPRL2 NPRL3 NR4A2 NRXN1 NTRK2 NUS1 OTUD6B PACS2 PAFAH1B1 PCDH12 PCDH19 PDHA1 PDHX PDP1 PIGA PIGC PIGN PIGP PIGT PLAA PLCB1 PLPBP PNKP PNPO POLG POLG2 PPP3CA PPT1 PRDM8 PRICKLE1 PRICKLE2 PRRT2 PTPN23</p> | | |

| | | | |
|-----|------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|--|--|
| | QARS1 RAB11A RBFOX1 RELN RHOBTB2 ROGDI RORB RPH3A RTN4IP1 RTTN SARS1 SCARB2 SCN1A SCN1B SCN2A SCN3A SCN8A SGCE SHH SIX3 SLC12A5 SLC13A5 SLC25A22 SLC2A1 SLC35A3 SLC45A1 SLC6A1 SLC6A8 SLC6A9 SLC9A6 SMC1A SMS SNAP25 SNIP1 SPATA5 SPTAN1 SRPX2 ST3GAL3 ST3GAL5 STRADA STX1B STXBP1 SUOX SYN1 SYNGAP1 SYNJ1 SZT2 TBC1D24 TBCD TCF4 TMTC3 TPP1 TRIO TSC1 TSC2 TUBA1A UBA5 UBE3A UFC1 UFM1 VARS1 VRK2 WASF1 WDR45B WWOX YWHAG ZEB2 | | |
| 208 | Pesquisa de Paineis de Esclerose Tuberosa - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: TSC1 TSC2 | | |
| 209 | Pesquisa de Paineis de Feocromocitoma e Paraganglioma - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: MAX NF1 RET SDHA SDHAF2 SDHB SDHC SDHD TMEM127 VHL | | |
| 210 | Pesquisa de Paineis de Hemocromatose - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: CP HAMP HFE HJV SLC40A1 TFR2 | | |
| 211 | Pesquisa de Paineis de Hemofilias A e B - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: F8 F9 | | |
| 212 | Pesquisa de Paineis de Ictiose e Displasia Ectodérmica - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ABCA12 ABHD5 ALDH3A2 ALOX12B ALOXE3 AP1S1 CDH1 CDH3 CLDN1 COG6 CSTA CYP4F22 DLX3 EDA EDAR EDARADD ELOVL4 ERCC2 FLG GJA1 GJB2 GJB6 GRHL2 HOXC13 HR IFT122 ITPR2 JUP KDF1 KREMEN1 KRT1 KRT10 KRT14 KRT2 KRT74 KRT85 LIPN LORICRIN MBTPS2 MSX1 NECTIN1 NECTIN4 NFKBIA NIPAL4 NLRP1 PKP1 PNPLA1 POMP PRKD1 SLC27A4 SMARCA4 SNAP29 ST14 STS TGM1 TP63 TWIST2 WNT10A | | |
| 213 | Pesquisa de Paineis de Imunodeficiências (Principais Genes) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ADA AICDA BLNK BTK CD247 CD3D CD3E CD3G CD40 CD40LG CD79A CD79B CIITA CYBA CYBB DCLRE1C ELANE FOXP1 FOXP3 G6PC3 GATA2 GF11 HAX1 IFNGR1 IFNGR2 IGLL1 IL12RB1 IL2RG IL7R JAK3 LRRC8A MAGT1 MPO MYD88 NCF2 NCF4 NHEJ1 ORAI1 PNP PRF1 PTPRC RAC2 RAG1 RAG2 RFX5 RFXANK RFXAP SH2D1A STAT1 STX11 STXBP2 TAP1 TAP2 TAPBP UNC13D UNG WAS WIPF1 XIAP | | |
| 214 | Pesquisa de Paineis de Imunodeficiências e Doenças Imunológicas (Completo) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: A2ML1 ABCD4 ACD ACP5 ADA ADA2 ADAM17 ADNP AGA AICDA AIRE AK2 ALG1 ALG12 AP3B1 ARPC1B ATM B2M BCL10 BCL11B BLM BLNK BRCA1 BRCA2 BRIP1 BTK BUB1B C1QA C1QB C1QC C1R C1S C2 C3 C5 C6 C7 C8A C8B CARD11 CARD9 CASP10 CASP8 CAVIN1 CCBE1 CCDC103 CCDC39 CCDC40 CCDC65 CCNO CD19 CD247 CD27 CD3D CD3E CD3G CD40 CD40LG CD55 CD59 CD79A CD79B CD81 CD8A CDCA7 CDSN CEBPE CFAP298 CFAP300 CFAP418 CFB CFD CFH CFI CFP CHAMP1 CHD1 CHD7 CIITA CLEC7A CLPB COG6 COG7 CORO1A CPN1 CR2 CREBBP CRPT CSF3R CTC1 CTLA4 CTPS1 CXCR4 CYBA CYBB DCLRE1C DEAF1 DHFR DKC1 DNAAF1 DNAAF11 DNAAF2 DNAAF3 DNAAF4 DNAAF5 DNAAF6 DNAH1 DNAH11 DNAH5 DNAI1 DNAI2 | | |

| | | | |
|-----|-------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|--|--|
| | <p>DNAJC21 DNAL1 DNASE1L3 DNMT3B DOCK2 DOCK8 DRC1 DSG1 EFL1 EGFR ELANE ELP1 EPG5 ERCC2 ERCC4 ERCC6L2 ETV6 EXTL3 F12 FADD FANCA FANCB FANCC FANCD2 FANCE FANCF FANCG FANCI FANCL FANCM FAS FASLG FAT4 FBXL4 FCGR3A FCN3 FERMT3 FMO3 FOXP1 FOXP3 G6PC3 GALNS GAS8 GATA1 GATA2 GF11 GSS GTF2H5 HAX1 HELLS HGSNAT HTR1A HYDIN ICOS IFIH1 IFNGR1 IFNGR2 IGHM IGKC IGLL1 IKBKB IKZF1 IL10RA IL10RB IL12B IL12RB1 IL17F IL17RA IL17RC IL1RN IL21 IL21R IL2RA IL2RG IL36RN IL7R IRAK4 IRF2BP2 IRF7 IRF8 ISG15 ITCH ITGB2 ITK IVD JAGN1 JAK3 KMT2D KRAS LAMTOR2 LAT LCK LEP LIG4 LPIN2 LRBA LRRC8A LYST MAD2L2 MAGT1 MALT1 MAN2B1 MANBA MC2R MCM4 MEFV MGP MMAA MMAB MMACHC MMUT MOGS MPL MPO MS4A1 MSN MTHFD1 MYK MYD88 NBN NCF2 NCF4 NFASC NFE2L2 NFKB1 NFKB2 NFKBIA NGF NHEJ1 NHP2 NLRC4 NLRP12 NLRP3 NME8 NOD2 NOP10 NRAS NSMCE3 ODAD1 ODAD2 ODAD3 ODAD4 ORAI1 OXCT1 PALB2 PARN PCCA PCCB PEPD PGM3 PIK3CD PIK3R1 PLCG2 PMM2 PNP POLA1 POLE PPP1R21 PRF1 PRKCD PRKDC PSTPIP1 PTPRC RAB27A RAC2 RAD50 RAD51 RAD51C RAG1 RAG2 RASGRP1 RBCK1 RBM8A RELB RFWD3 RFX5 RFXANK RFXAP RNF113A RNF168 RNF31 RORC RPL11 RPL15 RPL18 RPL26 RPL35A RPL5 RPS10 RPS17 RPS19 RPS24 RPS26 RPS28 RPS29 RPS7 RPSA RSPH1 RSPH3 RSPH4A RSPH9 RTEL1 SAMD9 SAMD9L SAMHD1 SBDS SCNN1B SCNN1G SDCCAG8 SEMA3E SERAC1 SERPING1 SGPL1 SH2D1A SKIV2L SLC35A1 SLC35A2 SLC35C1 SLC37A4 SLC39A4 SLC39A8 SLC46A1 SLK SLX4 SMARCA1 SMARCD2 SNAI2 SP110 SPAG1 SPATA5 SPINK5 SRP72 STAT1 STAT2 STAT3 STAT5B STIM1 STING1 STK4 STN1 STX11 STXBP2 TAF11ZIN TALDO1 TAP1 TAP2 TAPBP TBCE TBX1 TBXAS1 TCN2 TERT TFRC TGFB3 TINF2 TNFAIP3 TNFRSF13B TNFRSF13C TNFRSF1A TPI1 TRAC TRAF3IP2 TRNT1 TRPS1 TSR2 TTC37 TTC7A TYK2 UBE2T UMPS UNC119 UNC13D UNG USB1 VIPAS39 VPS13B VPS33B VPS45 WAS WIPF1 WRAP53 XIAP XRCC2 ZAP70 ZBTB24 ZMYND10</p> | | |
| 215 | <p>Pesquisa de Pannel de Infertilidade Masculina - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: AK7 ARMC2 AURKC CATSPER1 CATSPER2 CDC14A CEP19 CFAP251 CFAP43 CFAP44 CFAP69 CFTR DNAH1 DNAH6 DPY19L2 FANCM FSIP2 KLHL10 MEIOB NANOS1 NR5A1 PMFBP1 QRIH2 SLC26A8 SOHLH1 SOX8 SPATA16 SPINK2 SUN5 SYCP3 TDRD9 TEX11 TEX14 TEX15 TSGA10 USP9Y XRCC2</p> | | |
| 216 | <p>Pesquisa de Pannel de Leucodistrofias - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: AARS2 ABCD1 ACOX1 ADAR AIMP1 ALDH3A2 ARSA ASPA ATP7A ATP7B ATPAF2 BCAP31 BCS1L CLCN2 COL4A1 COQ2 COQ8A COQ9 COX10 COX15 CSF1R CYP27A1 CYP2U1 CYP7B1 D2HGDH DARS1 DARS2 DGUOK EARS2 EIF2B1 EIF2B2 EIF2B3 EIF2B4 EIF2B5 ERCC2 ERCC3 ERCC6 ERCC8 ETFDH FA2H FAM126A FUCA1 GALT GBE1 GFAP GFM1 GJA1 GJC2 GLA GLB1 GM2A GTF2H5 HEPACAM HEXA HEXB HSD17B4 HSPD1 HTRA1 L2HGDH LAMA2 LMNB1 MCOLN1 MLC1 MPLKIP MRPS16 MTFMT NDUFAF1 NDUFS1 NDUFS2 NDUFS4 NDUFS7 NDUFS8 NDUFV1 NOTCH3 NPC1 NPC2 OCLN OCRL PEX1 PEX10 PEX11B PEX12 PEX13 PEX14 PEX16 PEX19 PEX2 PEX26 PEX3 PEX5 PEX6 PEX7 PHGDH PHYH PLP1 POLG POLG2 POLR3A POLR3B PPT1 PRF1 PSAP PSAT1 RNASEH2A RNASEH2B RNASEH2C RNASET2 RRM2B SAMHD1 SCO1 SCP2 SDHA SDHAF1 SDHB SLC16A2 SLC17A5 SLC25A1 SLC25A12 SLC25A4 SOX10 SPART SPAST SPG11 SPG21 SPG7 STX11 STXBP2 SUCLA2 SUMF1 SURF1 TACO1 TREX1 TUBB4A TUFM TWNK TYMP TYROBP UNC13D ZFYVE26</p> | | |

| | | | |
|-----|-----------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|--|--|
| 217 | <p>Pesquisa de Pannel de Miocardiopatias - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: AARS2 ABCC6 ABCC9 ACAD8 ACAD9 ACADVL ACTA1 ACTC1 ACTN2 ADCY5 AGK AGL AHCY ALG1 ALG12 ALMS1 ALPK3 ANK2 ANKS6 ARSB ATAD3A ATP5F1E ATPAF2 BAG3 BCS1L BMP2 BOLA3 BRAF BSCL2 C1QBP C1QTNF5 CACNA1C CACNB2 CALM1 CALM2 CALM3 CALR3 CAP2 CASQ2 CAV3 CAVIN1 CENPE CEP19 CHKB CLIC2 CLN3 COA5 COA6 COA8 COQ2 COQ4 COX10 COX14 COX15 COX20 COX6B1 COX7B CPT1A CPT2 CRYAB CSRP3 CTNNA3 D2HGDH DCAF8 DES DIP2A DLD DMD DNAJC19 DOLK DPM3 DPP6 DSC2 DSG2 DSP DTNA ECHS1 ELAC2 EMD EPG5 ERBB3 EYA4 FAH FASTKD2 FBXL4 FHL1 FHOD3 FIG4 FKRP FKTN FLAD1 FLNC FNIP1 FOXRED1 FTO FUCA1 FXN GAA GATAD1 GBE1 GJA5 GLA GLB1 GMPBP GNAI2 GNB5 GNPTAB GNS GPC3 GPD1L GSN GTPBP3 GYS1 HADH HADHA HADHB HCCS HCN4 HGSNAT HPS1 HRAS HSD17B10 IDH2 IDUA ITPA JPH2 JUP KCNA5 KCND3 KCNE2 KCNE3 KCNH1 KCNH2 KCNJ2 KCNJ5 KCNQ1 KIF20A LAMA4 LAMP2 LDB3 LIAS LMNA MAP2K1 MAP2K2 MCCC2 MCM10 MGME1 MIB1 MLYCD MMUT MRPL3 MRPL44 MRPS22 MRPS7 MT-TI MTFMT MTO1 MYBPC3 MYH6 MYH7 MYL2 MYL3 MYL4 MYLK2 MYO6 MYOT MYOZ2 MYPN NAGLU NDUFA1 NDUFA10 NDUFA11 NDUFA12 NDUFA2 NDUFA6 NDUFA9 NDUFAF1 NDUFAF2 NDUFAF3 NDUFAF4 NDUFAF5 NDUFAF6 NDUFB10 NDUFB11 NDUFB3 NDUFB8 NDUFB9 NDUFS1 NDUFS2 NDUFS3 NDUFS4 NDUFS6 NDUFS7 NDUFS8 NDUFV1 NDUFV2 NEU1 NEXN NKX2-5 NONO NPPA NRAP NUBPL NUP155 PAM16 PCCA PCCB PET100 PGM1 PHYH PIGT PKP2 PLEKHM2 PLN PMM2 PNPLA2 POLG POMT1 PPCS PPP1R13L PRDM16 PRG4 PRKAG2 PRKAR1A PSEN1 PSEN2 PSMB4 PSMB8 PSMB9 RAB3GAP2 RAF1 RBCK1 RBM20 RIT1 RMND1 RPL3L RRAGD RYR2 SCN1B SCN2B SCN3B SCN5A SCO1 SCO2 SDHA SDHAF1 SDHD SELENON SGCA SGCB SGCD SGCG SGSH SHMT2 SHOC2 SLC19A2 SLC22A5 SLC25A20 SLC25A26 SLC25A3 SLC25A4 SLC30A5 SLC6A6 SOD2 SOS1 SPEG SURF1 SYNE1 SYNE2 TACO1 TAF1A TAFAZZIN TANGO2 TAPT1 TBX1 TBX3 TBX5 TCAP TECRL TF TGFB3 TIMMDC1 TMEM126A TMEM126B TMEM43 TMEM70 TNNC1 TNNI3 TNNI3K TNNT2 TOP3A TOR1AIP1 TPM1 TPM3 TRDN TRIT1 TRMT5 TRNT1 TRPM7 TSC1 TSFM TTN TTR TWNK UBR1 UQCRFS1 VCL VPS33A WFS1 XK XPNPEP3 YARS2</p> | | |
| 218 | <p>Pesquisa de Pannel de Neoplasias Endócrinas - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: APC ATM BAP1 BARD1 BLM BMPR1A BRCA1 BRCA2 BRIP1 CDH1 CDK4 CDKN2A CHEK2 DICER1 EGFR EPCAM FANCC FANCM FH FLCN IPMK MEN1 MET MLH1 MSH2 MSH6 MUTYH NBN NTHL1 PALB2 PMS2 POLD1 POLE PTEN RAD51C RAD51D RECQL RET STK11 TP53 VHL</p> | | |
| 219 | <p>Pesquisa de Pannel de Neurofibromatose - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: NF1 NF2 SPRED1</p> | | |
| 220 | <p>Pesquisa de Pannel de Neuropatias - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: AAAS AARS1 ABHD12 AIFM1 AP1S1 ATL1 ATL3 ATP1A1 ATP7A BSCL2 CCT5 COA7 COX6A1 CTDTP1 DCAF8 DHH DHTKD1 DMXL2 DNAJB2 DNM2 DNMT1 DST DYNC1H1 EGR2 ELP1 EXOC4 FBLN5 FGD4 FIG4 GAN GARS1 GBE1 GDAP1 GJB1 GNB4 GSN HARS1 HINT1 HK1 HSPB1 HSPB8 IARS2 IGHMBP2 INF2 JPH1 KARS1 KIF1A KIF1B KLC2 LITAF LMNA LRSAM1 MARS1 MCM3AP MED25 MFN2 MORC2 MPZ MTMR2 MTRFR MYH14 NAGLU NDRG1 NEFH NEFL NGF OPA1 PDK3 PLEKHG5 PMP22 POLG PRDM12 PRPS1 PRX RAB7A RETREG1 RNF170 SBF1 SBF2 SCN10A SCN11A SCN9A</p> | | |

| | | | |
|-----|-----------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|--|--|
| | SCO2 SCP2 SH3TC2 SIGMAR1 SLC12A6 SLC25A46 SNAP29 SOX10 SPG11 SPTBN4 SPTLC1 SPTLC2 SURF1 TBCE TDP1 TFG TRIM2 TRPV4 TTR VCP WNK1 YARS1 | | |
| 221 | Pesquisa de Paineis de Pancreatites - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: APOA5 APOC2 CFTR CTRC GPIHBP1 LMF1 LPL PRSS1 SPINK1 | | |
| 222 | Pesquisa de Paineis de Paraplegias Espásticas e Esclerose Lateral Amiotrófica - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ABCD1 ALS2 ANG AP4B1 AP4E1 AP4M1 AP4S1 AP5Z1 ARG1 ATL1 BSCL2 CHMP2B CYP7B1 DYNC1H1 ERBB4 ERLIN2 FA2H FIG4 FUS GARS1 GJC2 HSPB1 HSPB8 HSPD1 IGHMBP2 KIF1A KIF5A L1CAM MATR3 MTRFR NEK1 NIPA1 OPTN PARK7 PFN1 PLP1 PNPLA6 REEP1 RNF170 RTN2 SACS SETX SIGMAR1 SLC33A1 SOD1 SPART SPAST SPG11 SPG21 SPG7 SQSTM1 TARDBP TBK1 TP73 TRPV4 UBQLN2 VAPB VCP WASHC5 ZFYVE26 | | |
| 223 | Pesquisa de Paineis de Retinopatias Hereditárias - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ABCA4 ABCB5 ABCC6 ABCD1 ABHD12 ACO2 ADAM9 ADGRV1 AGL5 AHI1 AHR AIPL1 ALMS1 ALPK1 AMACR ARFGAP2 ARHGEF18 ARL13B ARL2BP ARL6 ARSG ASRGL1 ATF6 B9D1 B9D2 BBIP1 BBS1 BBS10 BBS12 BBS2 BBS4 BBS5 BBS7 BBS9 BEST1 C1QTNF5 CA4 CABP4 CACNA1F CACNA2D4 CASK CC2D2A CDH23 CDH3 CDHR1 CEP250 CEP290 CEP41 CEP78 CERKL CFAP410 CFH CHM CISD2 CLCC1 CLN3 CLN5 CLN6 CLN8 CLRN1 CNGA1 CNGA3 CNGB1 CNGB3 CNNM4 COL18A1 COL9A3 CPLANE1 CRB1 CROCC CRX CTNNA1 CTSD CWC27 CYP4V2 DHDDS DHX38 DNAJC17 DNAJC5 DYNC2H1 EFEMP1 ELOVL4 ESPN EXOSC2 EYS FAM161A FLVCR1 FRMD7 FSCN2 FZD4 GDF6 GJB2 GJB6 GNAT1 GNAT2 GNPTG GPR143 GPR179 GRK1 GRM6 GRN GUCA1A GUCA1B GUCY2D HGSNAT HK1 HMCN1 HMX1 IDH3A IDH3B IFT140 IFT172 IFT27 IFT43 IGFBP7 IMPDH1 IMPG1 IMPG2 INPP5E IQCB1 IRX5 ITM2B KCNJ13 KCNV2 KCTD7 KIAA1549 KIF3B KIF7 KIZ KLHL7 LAMA1 LCA5 LRAT LRIT3 LRP5 LZTFL1 MAK MAPKAPK3 MERTK MFN2 MFRP MFSD8 MIR204 MKKS MKS1 MMACHC MVK MYO7A NDP NEK2 NEUROD1 NMNAT1 NPHP1 NPHP3 NPHP4 NR2E3 NR2F1 NRL NYX OAT OFD1 OPA1 OPA3 OPN1LW OTX2 PANK2 PAX6 PCARE PCDH15 PDE6A PDE6B PDE6C PDE6G PDE6H PDZD7 PEX1 PEX10 PEX11B PEX12 PEX13 PEX14 PEX16 PEX19 PEX2 PEX26 PEX3 PEX5 PEX6 PEX7 PHYH PITPNM3 PNPLA6 POC5 PPP2R3C PPP2R5E PPT1 PRCD PROM1 PRPF3 PRPF31 PRPF4 PRPF6 PRPF8 PRPH2 PRPS1 RAB28 RAX2 RBP3 RBP4 RCBTB1 RD3 RDH11 RDH12 RDH5 REEP6 RGR RGS9 RGS9BP RHO RIMS1 RLBP1 ROM1 RP1 RP1L1 RP2 RP9 RPE65 RPGR RPGRIP1 RPGRIP1L RS1 SAG SCAPER SDCCAG8 SEMA4A SIX6 SLC24A1 SLC6A6 SLC7A14 SNRNP200 SPATA7 STX3 TCTN1 TCTN2 TEAD1 TIMM8A TIMP3 TLCD3B TMEM126A TMEM138 TMEM216 TMEM237 TMEM67 TOPORS TPP1 TRAPPC3 TREX1 TRIM32 TRPM1 TSPAN12 TTC21B TTC8 TUB TUBGCP4 TUBGCP6 TULP1 TYR UNC119 USH1C USH1G USH2A VPS13B WDPCP WDR19 WFS1 WHRN ZNF408 ZNF513 | | |
| 224 | Pesquisa de Paineis de Síndrome Hemolítica-Urêmica - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: C3 CD46 CFB CFH CFI THBD | | |
| 225 | Pesquisa de Paineis de Síndrome Nefrótica - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ACTN4 ADGRE1 ARHGAP24 ARHGDIA ARHGEF17 AVIL CD2AP COL4A3 COL4A4 | | |

| | | | |
|-----|--------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|--|--|
| | COL4A5 COQ2 COQ6 COQ8B DGKE EMP2 FN1 IFIH1 IL36G INF2 ITGA3 KANK1 KANK2 LAMB2 LMX1B MAGI2 MYH9 MYO1E NPHS1 NPHS2 NUP107 NUP133 NUP160 NUP205 NUP85 NUP93 PAX2 PDSS2 PLCE1 PMM2 PTPRO SCARB2 SGPL1 SLC17A5 SMARCAL1 TBC1D8B TRPC6 WNK4 WT1 XPO5 | | |
| 226 | Pesquisa de Paineis de Surdez (GJB2/GJB6) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flangeadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: GJB2 GJB6 | | |
| 227 | Pesquisa de Paineis de Surdez Hereditária (Expandido) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flangeadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ACTB ACTG1 ADGRV1 ATP6V0A4 ATP6V1B1 BCS1L BSND CATSPER2 CCDC50 CDH23 CEACAM16 CEMIP CLDN14 CLRN1 COCH COL11A2 COL9A2 COL9A3 CRYM DIAPH1 DSPP ECE1 EDNRA EDNRB ERCC2 ERCC3 ESPN ESRRB EYA4 FAS FGF3 FGFR3 GATA3 GIPC3 GJA1 GJB1 GJB2 GJB3 GJB4 GJB6 GPM2 GRHL2 GRXCR1 GSDME HGF ILDR1 JAG1 KCNJ10 KCNQ1 KCNQ4 LHFPL5 LHX3 LOXHD1 MARVELD2 MITF MSRB3 MTAP MYH14 MYH9 MYO15A MYO3A MYO6 MYO7A MYOC NDP NR2F1 OTOA OTOF PAX6 PCDH15 PDZD7 PJVK PMP22 POU3F4 POU4F3 PRPS1 PTPRQ RDX SERPINB6 SIX1 SIX5 SLC17A8 SLC26A4 SLC26A5 SLC4A11 SMPX SNAI2 SOX2 SPINK5 STRC TBL1X TECTA TIMM8A TJP2 TMC1 TMIE TMPRSS3 TPRN TRIOBP USH1C USH1G USH2A WFS1 WHRN | | |
| 228 | Pesquisa de Paineis de Trombofilias - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flangeadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ADAMTS13 F2 F5 PROC PROS1 SERPINC1 TAP2 TAPBP UNC13D UNG WAS WIPF1 XIAP | | |
| 229 | Pesquisa de Paineis Distúrbios do Neurodesenvolvimento e do Movimento - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flangeadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: AARS2 ABAT ACAD9 ACTL6B ADCY5 ALDH5A1 ALDH7A1 ALG13 AMACR AP3B2 ARHGEF9 ARX ATP1A2 ATP1A3 ATP7A ATP7B ATP8A2 BCAP31 CACNA1A CACNA1B CDKL5 COQ4 COQ7 COQ9 COX20 COX6B1 CPT1A CTD1P1 DDC DDX3X DEAF1 DGUOK DHDDS DHX30 DMD DNAJC12 FBXL4 FOLR1 FOXG1 FRRS1L GABRA1 GABRA2 GABRB3 GABRG2 GAMT GATM GBA GCDH GCH1 GNAO1 GNB2 GRIA4 GRIN1 GRIN2B GRIN2D HADHB HMBS HPRT1 IQSEC2 IREB2 IRF2BPL KCNA2 KCNMA1 KCNT1 KCNT2 MAN2B1 MCOLN1 MECP2 MEF2C MGME1 MPV17 NACC1 NGLY1 NKX2-1 NPC1 NPC2 PCBD1 PDE10A PDE2A PGM1 PLPBP PNKD PNPO POLG POLG2 PRRT2 PTS PURA QDPR RRM2B SDHA SLC13A5 SLC16A2 SLC18A2 SLC1A2 SLC25A3 SLC25A4 SLC25A42 SLC2A1 SLC30A10 SLC6A1 SLC6A3 SPR SPTAN1 SUCLA2 SUCLG1 SYT1 TBC1D24 TBL1XR1 TELO2 TH TPP1 TWNK TYMP UBA5 VAMP2 WARS2 WDR45 WWOX ZNF142 ZSWIM6 | | |
| 230 | Pesquisa de Paineis DNAmplio (Doenças Neuromusculares) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flangeadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: AARS2 ABHD5 ACAD9 ACADM ACADVL ACTA1 ACTN2 ADGRG6 ADSS1 AGK AGL AGRN ALDOA ALG14 ALG2 AMACR AMPD1 ANO5 ASAH1 ASCC1 ATAD1 ATP2A1 ATP7A ATP7B ATPAF2 B3GALNT2 B4GAT1 BAG3 BCS1L BICD2 BIN1 BVES C1QBP CACNA1S CAPN3 CASQ1 CAV3 CCDC78 CFL2 CHAT CHCHD10 CHKB CHRNA1 CHRN1B1 CHRN1D CHRNE CLCN1 CLHC1 CNTN1 COA5 COA6 COL12A1 COL13A1 COL6A1 COL6A2 COL6A3 COL9A3 COLQ COQ2 COQ4 COQ7 COQ8A COQ9 COX15 COX20 COX6B1 CPNE6 CPT1A CPT2 CRPPA CRYAB CTD1P1 DAG1 DDC DES DGUOK DMD DNA2 DNAJB2 DNAJB4 DNAJB6 DNAJB7 DNM2 DOK7 DPAGT1 DPM1 DPM2 DPM3 DYNC1H1 DYSF EMD ENO3 ETFA ETFB ETFDH | | |

| | | | |
|-----|-------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|--|--|
| | FAM111B FBXL4 FDX2 FHL1 FKBP14 FKRP FKTN FLAD1 FLNC FXR1 GAA GATM GBE1 GFER GFPT1 GGPS1 GMPPB GNE GOSR2 GYG1 GYS1 HACD1 HADH HADHA HADHB HNRNPA1 HNRNPA2B1 HNRNPDL HSPB8 IGHMBP2 INPP5K ISCU ITGA7 JAG2 KBTBD13 KCND2 KCNJ2 KIF22 KLHL40 KLHL41 KLHL9 KY LAMA2 LAMA5 LAMB2 LAMP2 LARGE1 LDB3 LDHA LIMS2 LMNA LMOD3 LPIN1 LRP4 MAGEL2 MAN2B1 MAP3K20 MATR3 MCOLN1 MEGF10 MGME1 MICU1 MLIP MPV17 MRPS34 MSTO1 MTM1 MUSK MYBPC1 MYF6 MYH2 MYH3 MYH7 MYL1 MYL2 MYMK MYO18B MYO9A MYOD1 MYOT MYPN NDUFS4 NEB NSUN3 OPA1 OPA3 ORAI1 PAX7 PDSS1 PDSS2 PFKM PGAM2 PGK1 PGM1 PHKA1 PHKB PLEC PLEKHG5 PNPLA2 PNPLA8 POGLUT1 POLG POLG2 POMGNT1 POMGNT2 POMK POMT1 POMT2 POPDC3 PPP2R3C PREPL PUS1 PYGL PYGM PYROXD1 RAPSIN RBCK1 RBM7 RNASEH1 RRM2B RXYLT1 RYR1 RYR3 SCN4A SDHA SELENON SGCA SGCB SGCD SGCG SIGMAR1 SIL1 SLC18A3 SLC22A5 SLC25A1 SLC25A20 SLC25A3 SLC25A4 SLC25A42 SLC52A2 SLC52A3 SLC5A7 SMN1 SMPX SNAP25 SPEG SPTBN4 SQSTM1 STAC3 STIM1 SUCLA2 SUCLG1 SURF1 SVIL SYNE1 SYNE2 SYT2 TAFAZZIN TANGO2 TCAP TEFM TIA1 TIMM22 TK2 TMEM43 TNNC2 TNNI1 TNNT1 TNNT3 TNPO3 TOR1AIP1 TPM2 TPM3 TRAPPC11 TRDN TRIM32 TRIP4 TRMT5 TRPV4 TSFM TTN TWNK TYMP UBA1 UNC45B VAMP1 VAPB VCP VMA21 VWA1 XK YARS2 ZBTB20 | | |
| 231 | Pesquisa de Painel Expandido de Melanoma e Câncer de Pele - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) | | |
| 232 | Pesquisa de Painel Expandido de Melanoma e Câncer de Pele - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ACD ATM BAP1 BARD1 BLM BRCA1 BRCA2 BRIP1 CDK4 CDKN2A CHEK2 CYLD DDB2 EPCAM ERCC2 ERCC3 ERCC4 ERCC5 ERCC6 FH FLCN GLMN MBD4 MLH1 MSH2 MSH6 PALB2 PMS2 POLD1 POLE POLH POT1 PTCH1 RAD51C RAD51D RECQL RSP01 TERF2IP TGFBR1 TMC6 TMC8 TP53 XPA XPC | | |
| 233 | Pesquisa de Painel Expandido de Neoplasias Endócrinas - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: AIP AKT1 APC ARMC5 ATM BAP1 BARD1 BLM BMPR1A BRCA1 BRCA2 BRIP1 CDH1 CDH23 CDK4 CDKN1B CDKN2A CHEK2 DICER1 EGFR EPCAM FANCC FANCM FH FLCN GPR101 IPMK KIF1B MAX MEN1 MET MLH1 MSH2 MSH6 MUTYH NBN NTHL1 PALB2 PMS2 POLD1 POLE PRKAR1A PTEN RAD51C RAD51D RECQL RET SDHA SDHAF2 SDHB SDHC SDHD SEC23B SMARCA4 STK11 TMEM127 TP53 VHL | | |
| 234 | Pesquisa de Painel para Síndrome de Marfan e Doenças Correlatas - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ACTA2 ADAMTS2 ADAMTSL4 AEBP1 ALDH18A1 ATP6V0A2 ATP6V1A ATP6V1E1 ATP7A B3GALT6 B3GAT3 B4GALT7 BGN CHST14 COL11A1 COL11A2 COL1A1 COL1A2 COL2A1 COL3A1 COL5A1 COL5A2 COL9A1 COL9A2 EFEMP2 ELN FBLN5 FBN1 FBN2 FKBP14 FLNA FOXE3 GORAB GZF1 HRAS KIF22 LOX LTBP2 LTBP3 LTBP4 MFAP5 MYH11 MYLK PIK3R1 PLOD1 PPP1CB PRKG1 PYCR1 RIN2 ROBO4 SKI SLC2A10 SLC39A13 SMAD3 SMAD6 TGFB2 TGFB3 TGFBR1 TGFBR2 TNXB | | |
| 235 | PESQUISA DE REARRANJO PML/RARa na LMA M3; PML-RAR t(15,17) | | |
| 236 | Pesquisa de Retinoblastoma (sequenciamento do gene RB1) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: RB1 | | |

| | | | |
|-----|--------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|--|--|
| 237 | Pesquisa de Sequenciamento Completo do Genoma | | |
| 238 | Pesquisa de Sequenciamento Customizado Para doenças mendelianas - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flangeadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) | | |
| 239 | Pesquisa de Síndrome de Alagille (MLPA de JAG1 ou região 20p12) - exame de MLPA identifica microdeleções ou microduplicações no gene JAG1 e possibilita o diagnóstico de indivíduos com suspeita clínica de síndrome de Alagille. - mínimo de Genes Analisados: JAG1 | | |
| 240 | Pesquisa de Síndrome de Rett (sequenciamento do gene MECP2) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flangeadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: MECP2 | | |
| 241 | Pesquisa de Síndrome Velocardiofacial e DiGeorge (MLPA da região 22q11) - exame de MLPA identifica microdeleções ou microduplicações na região 22q11.2 e possibilita o diagnóstico de pacientes com suspeita clínica de síndrome velocardiofacial e DiGeorge (síndromes de deleção 22q11.2 - 22q11.2 DS) As síndromes de deleção 22q11.2 - mínimo de Genes Analisados: TBX1 | | |
| 242 | PESQUISA DE TOXINAS A E B DE CLOSTRIDIUM NAS FEZES | | |
| 243 | PESQUISA DE ANTICORPOS IgG ANTI- ANTÍGENO HEPÁTICO SOLÚVEL (M2, LKM1, LC1, SLA, Sp100, gp210) | | |
| 244 | PESQUISA DO GENE DA PROTROMBINA MUTANTE (FATOR II 20210) | | |
| 245 | PESQUISA DE ANTICOAGULANTE LÚPICO | | |
| 246 | QUANTIFICAÇÃO DO INIBIDOR DO FATOR IX DA COAGULAÇÃO | | |
| 247 | QUANTIFICAÇÃO DO INIBIDOR DO FATOR VIII DA COAGULAÇÃO | | |
| 248 | REAÇÃO DE PANDY | | |
| 249 | RT PCR PARA LEISHMANIOSE TEGUMENTAR AMERICANA | | |
| 250 | RT PCR PARA LEISHMANIOSE VISCERAL | | |
| 251 | RT-PCR BCR/ABL quantitativo no segmento de LMC; | | |
| 252 | SEQUENCIAMENTO COMPLETO DO EXOMA - (Mutações de ponto (substituições); Indels (pequenas deleções e duplicações); CNVs (grandes deleções e duplicações); Análise de alteração do número de cópias (CNVs); Confirmação de variantes; Variantes Mitocondriais; Análise de achados incidentais; Análise de genes clinicamente mais relevantes) mínimo de Genes analisados: Análise de ≥ 22 mil genes do genoma humano. | | |
| 253 | SEQUENCIAMENTO COMPLETO DO GENE GJB2 - SURDEZ GENETICA | | |
| 254 | SEQUENCIAMENTO COMPLETO DO GENE MBTPS2 | | |
| 255 | SEQUENCIAMENTO EXOMA TRIO (CLINICO) - sequenciação do caso índice (afetado) e dos familiares não afetados (progenitores) | | |

| | | | |
|-----|---------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|--|--|
| | <p>(Mutações de ponto (substituições); Indels (pequenas deleções e duplicações); CNVs (grandes deleções e duplicações); Análise de alteração do número de cópias (CNVs); Confirmação de variantes; Variantes Mitocondriais; Análise de achados incidentais; Análise de genes clinicamente mais relevantes)</p> <p>minimo de Genes analisados: Analise de ≥ 6.000 genes do genoma humano. (5969 genes nucleares + 37 genes mitocondriais)</p> | | |
| 256 | <p>SEQUENCIAMENTO EXOMA TRIO COMPLETO - sequenciação do caso index (afetado) e dos familiares não afetados (progenitores)</p> <p>(Mutações de ponto (substituições); Indels (pequenas deleções e duplicações); CNVs (grandes deleções e duplicações); Análise de alteração do número de cópias (CNVs); Confirmação de variantes; Variantes Mitocondriais; Análise de achados incidentais; Análise de genes clinicamente mais relevantes)</p> <p>Minimo de Genes analisados: Analise de ≥ 22 mil genes do genoma humano.</p> | | |
| 257 | <p>Mendelioma (Exoma Clínico) - (Mutações de ponto (substituições); Indels (pequenas deleções e duplicações); CNVs (grandes deleções e duplicações); Análise de alteração do número de cópias (CNVs); Confirmação de variantes; Variantes Mitocondriais; Análise de achados incidentais; Análise de genes clinicamente mais relevantes)</p> <p>Minimo de Genes analisados: Analise de aproximadamente $\geq 6\ 000$ genes do genoma humano. (5969 genes nucleares + 37 genes mitocondriais)</p> | | |
| 258 | Talassemia Alfa: MLPA (deleções e/ou duplicações) dos genes HBA1 e HBA2 | | |
| 259 | Talassemia Beta: Sequenciamento do gene HBB | | |
| 260 | TESTE DE FALCIZAÇÃO HEMOGLOBINA S - TESTE DE SOLUBILIDADE | | |
| 261 | TESTE IMUNOLOGICO PARA GIARDIA LAMBLIA | | |
| 262 | TESTE RÁPIDO STREPTOCOCCUS GRUPO A | | |
| 263 | TIPAGEM DE LINFOCITOS "B" | | |
| 264 | TIPAGEM DE LINFOCITOS "T" | | |
| 265 | TRIAGEM AMPLIADA PARA ERROS INATOS DO METABOLISMO - EIM - SANGUE | | |
| 266 | TRIAGEM AMPLIADA PARA ERROS INATOS DO METABOLISMO - EIM - URINA | | |

Atenciosamente,

Em, _____, _____ / _____ /
(local, data) nome por extenso e assinatura do representante legal



GOVERNO DO ESTADO DE RONDÔNIA
Laboratório Estadual de Patologia e Análises Clínicas - LEPAC

TERMO DE REFERÊNCIA

1. IDENTIFICAÇÃO

1.1. UNIDADE ORÇAMENTÁRIA: Secretaria de Estado da Saúde de Rondônia – SESAU/RO.

1.2. REQUISITANTE: LABORATÓRIO ESTADUAL DE PATOLOGIA E ANÁLISES CLÍNICAS - LEPAC/RO

1.3. UNIDADE DEMANDANTE: UNIDADES HOSPITALARES ESTADUAIS

(Centro de Medicina Tropical de Rondônia - CEMETRON, Hospital e Pronto Socorro João Paulo/II - HEPSJP/II, Hospital de Base Dr. Ary Pinheiro - HBAP, Hospital Infantil Cosme e Damião - HICD, Hospital de Campanha - HC; Policlínica Oswaldo Cruz - POC; Complexo Hospitalar Regional de Cacoal - COHREC, Hospital Regional de São Francisco do Guaporé - HRSF; Hospital Regional de Extrema - HRE; Hospital Regional de Buritis - HRB; assim como Núcleo de Mandados Judiciais - NMJ e Núcleo de Apoio e Conciliação - NAC)

2. DA BASE LEGAL

2.1. Considerando que resta ainda vigente a Lei Federal de Licitações nº 8.666/1993, que traz em seu Art. 25º caput, onde "É inexigível a licitação quando houver inviabilidade de competição...";

2.2. O credenciamento consiste em uma hipótese de inviabilidade de competição decorrente da possibilidade de a Administração contratar empresas ou profissionais de um determinado setor em igualdade de condições, observados os requisitos de habilitação e remuneração;

2.3. A Constituição Federal de 1988, enfatizando o Princípio da Impessoalidade, dispõe:

Art. 37. A administração pública direta e indireta de qualquer dos Poderes da União, dos Estados, do Distrito Federal e dos Municípios obedecerá aos princípios da legalidade, impessoalidade, moralidade, publicidade e eficiência e, também, ao seguinte:

(...)

XXI – ressalvados os casos especificados na legislação, as obras, serviços, compras e alienações serão contratados mediante processo de licitação pública que assegure igualdade de condições a todos os concorrentes, com cláusulas que estabeleçam obrigações de pagamento, mantidas as condições efetivas da proposta, nos termos da lei, o qual somente permitirá as exigências de qualificação técnica e econômica indispensáveis à garantia do cumprimento das obrigações; (...).

2.4. Acerca do assunto já discorreu a Procuradoria Geral do Estado do Amazonas por meio do Parecer nº 34/2009-PA/PGE:

"Registro que a hipótese de credenciamento não foi prevista na Lei nº 8.666/93, não havendo qualquer dispositivo que aborde o assunto, restando suas premissas. Todavia, a ausência de dispositivos normativos em torno das hipóteses de credenciamento não obsta lhes reconhecer a existência, bem como a inviabilidade de competição, o que acarreta a inexigibilidade.

Na verdade, o credenciamento é uma espécie de cadastro em que se inserem todos os interessados em prestar certos tipos de serviços, conforme regras de habilitação e remuneração, prefixadas pela própria Administração Pública. Todos os interessados/credenciados celebram, sob as mesmas condições contrato administrativo, haja vista que, pela natureza do serviço, não há relação de exclusão, isto é, o serviço a ser contratado não precisa ser prestado com exclusividade por um ou por outro, mas pode ser prestado por todos".

3. OBJETO

3.1. CREDENCIAMENTO DE EMPRESAS ESPECIALIZADAS para futura prestação de serviços laboratoriais - realização de exames na Área de Patologia Clínica, de forma complementar aos procedimentos já existentes, com seus respectivos laudos para atender as necessidades da Secretária de Estado da Saúde de Rondônia, **de forma continuada**, por um período de 12 (doze) meses. Os contratos originados deste credenciamento poderão ter a sua duração prorrogada por iguais e sucessivos períodos com vistas à obtenção de preços e condições mais vantajosas para a administração, limitada a sessenta meses, nos termos do art. 57 da Lei 8.666/93.

OBJETIVOS

3.2. Organizar a rede de assistência de exames de patologia e análises clínicas e demais serviços, garantindo o acesso integral da população aos serviços de saúde diminuindo a judicialização e a fragmentação de despesa, promovendo a melhoria na qualidade do atendimento ao usuário do Sistema Único de Saúde - SUS;

3.3. Estruturar uma rede de serviços credenciados de forma hierarquizada que estabeleça uma linha de diagnóstico laboratorial de forma complementar aos procedimentos já existentes no estado de Rondônia visando atender todas as unidades hospitalares da rede estadual assim como os usuários da Policlínica Oswaldo Cruz - POC; Núcleo de Mandados Judiciais - NMJ e Núcleo de Apoio e Conciliação - NAC;

4. ESPECIFICAÇÃO E ESTIMATIVA DOS PROCEDIMENTOS

4.1. Para definição dos exames e seus quantitativos utilizou-se as informações elaborados e fornecidas pelas unidades a serem atendidas pelo referido credenciamento, através dos documentos: Hospital Infantil Cosme e Damião - HICD (0029076480), Centro de Medicina Tropical - CEMETRON (0029277303; 0029741141), Hospital Regional de Extrema (0029282027); Hospital Regional de Buritis (0029475050); Complexo Hospitalar Regional de Cacoal - COHREC (0029486256); Hospital e Pronto Socorro João Paulo II (0029359455), Hospital de Base Dr. Ary Pinheiro - HBAP (0029161906); Policlínica Oswaldo Cruz - POC (0029985248), Núcleo de Mandados Judiciais - NMJ e Núcleo de Apoio e Conciliação - NAC (0029641605; 0029886818; 0029979608), as quais constam na tabela abaixo:

I - RELAÇÃO DOS EXAMES/PROCEDIMENTOS

| ITEM | DESCRIÇÃO/EXAME | UND | UNIDADE SOLICITANTE | | | | | | | | | | | | TOTAL MENSAL | TOTAL ANUAL |
|------|--------------------------------------------------------------------------|-------|---------------------|------|-----------|------|----------|----|-----|-----|-----|--------|-----|-----|--------------|-------------|
| | | | POC | HBAP | HEPSJP/II | HICD | CEMETRON | HC | NAC | NMJ | HRE | COHREC | HRB | HRF | | |
| 1 | Acondroplasia, estudo genético - gene FGFR3 | EXAME | 0 | 5 | 3 | 4 | 0 | 0 | 5 | 5 | 2 | 9 | 2 | 2 | 37 | 444 |
| 2 | Análise da mutação pontual R506Q (G1691A) - Gene: Fator V da coagulação. | EXAME | 0 | 10 | 10 | 3 | 0 | 0 | 5 | 5 | 2 | 7 | 2 | 2 | 46 | 552 |
| 3 | ANÁLISE DA MUTAÇÃO NO GENE DA PROTROMBINA | EXAME | 0 | 20 | 10 | 3 | 0 | 0 | 5 | 5 | 2 | 7 | 2 | 2 | 56 | 672 |
| 4 | Análise molecular da sensibilidade a Varfarina | EXAME | 0 | 5 | 3 | 4 | 0 | 0 | 5 | 5 | 2 | 9 | 2 | 2 | 37 | 444 |
| 5 | ANATOMOPATOLÓGICO E IMUNOHISTOQUÍMICA - BIÓPSIA DE LINFONODOS | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 6 | ANATOMOPATOLÓGICO E IMUNOHISTOQUÍMICA - BIÓPSIA DE MEDULA ÓSSEA | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |

| | | | | | | | | | | | | | | | | |
|----|--------------------------------------------------------------------------------|-------|---|----|----|----|----|---|---|---|---|----|---|---|-----|------|
| 7 | ANTI LKM-1 (MICROSSOMAL) | EXAME | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 12 | 144 |
| 8 | anticorpo contra o receptor do N-metil-D-aspartato (NMDAR) | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 9 | ANTI-DNA DUPLA HÉLICE | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 10 | Apolipoproteína E, estudo genético | EXAME | 0 | 5 | 3 | 4 | 0 | 0 | 5 | 5 | 2 | 9 | 2 | 2 | 37 | 444 |
| 11 | Ataxias espinocerebelares, painel | EXAME | 0 | 5 | 3 | 4 | 0 | 0 | 5 | 5 | 2 | 9 | 2 | 2 | 37 | 444 |
| 12 | Atrofia Dentatorubro Palidolusiana (DRPLA) - gene ATN1 | EXAME | 0 | 5 | 3 | 4 | 0 | 0 | 5 | 5 | 2 | 9 | 2 | 2 | 37 | 444 |
| 13 | Atrofia muscular espinhal, estudo molecular - Gene SMN1 | EXAME | 0 | 5 | 3 | 4 | 0 | 0 | 5 | 5 | 2 | 9 | 2 | 2 | 37 | 444 |
| 14 | CARIOTIPO BANDEAMENTO G [LÍQUIDO AMNIOTICO] | EXAME | 0 | 5 | 3 | 4 | 0 | 0 | 5 | 5 | 2 | 9 | 2 | 2 | 37 | 444 |
| 15 | CARIÓTIPO COM BANDA G - 100 CÉLULAS | EXAME | 0 | 30 | 10 | 3 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 26 | 0 | 0 | 79 | 948 |
| 16 | CARIÓTIPO COM BANDA G MEDULA | EXAME | 0 | 30 | 10 | 3 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 26 | 0 | 0 | 79 | 948 |
| 17 | CARIÓTIPO COM BANDA G SANGUE PERIFÉRICO - 100 CÉLULAS | EXAME | 0 | 30 | 10 | 3 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 5 | 0 | 0 | 58 | 696 |
| 18 | CARIÓTIPO COM BANDA G SANGUE PERIFÉRICO | EXAME | 0 | 30 | 10 | 3 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 6 | 0 | 0 | 59 | 708 |
| 19 | CARIÓTIPO COM PESQUISA DE QUEBRAS - DEB TESTE. SANGUE PERIFÉRICO. | EXAME | 0 | 5 | 5 | 3 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 7 | 0 | 0 | 30 | 360 |
| 20 | CARIOTIPO DE MATERIAL DE ABORTAMENTO COM BANDA G | EXAME | 0 | 5 | 3 | 4 | 0 | 0 | 5 | 5 | 2 | 9 | 2 | 2 | 37 | 444 |
| 21 | CARIOTIPO DE VILOSIDADE CORIONICA | EXAME | 0 | 5 | 3 | 4 | 0 | 0 | 5 | 5 | 2 | 9 | 2 | 2 | 37 | 444 |
| 22 | CARIÓTIPO FETAL COM BANDA G | EXAME | 0 | 5 | 3 | 4 | 0 | 0 | 5 | 5 | 2 | 9 | 2 | 2 | 37 | 444 |
| 23 | CGH-ARRAY PARA ANÁLISE DE ANOMALIAS CROMOSSÔMICAS | EXAME | 0 | 5 | 3 | 4 | 0 | 0 | 5 | 5 | 2 | 9 | 2 | 2 | 37 | 444 |
| 24 | Componente C1q do complemento - C1 Q | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 25 | CRIOGLOBULINAS (quantitativa e qualitativa) | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 26 | CTX - INTERLIGADORES C TERMINAIS - BETA-CROSS-LAPS | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 27 | CULTURA DE FUNGOS | EXAME | 0 | 30 | 15 | 12 | 20 | 0 | 5 | 5 | 2 | 23 | 2 | 2 | 116 | 1392 |
| 28 | CULTURA PARA ESTREPTOCOCO DO GRUPO B (GBS) | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 29 | CULTURA PARA ESTREPTOCOCO DO GRUPO B (GBS)- SWAB DA REGIÃO VAGINAL E ANAL | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 30 | CULTURA PARA MICOBACTÉRIAS | EXAME | 0 | 0 | 0 | 0 | 20 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 30 | 360 |
| 31 | CURVA DE FRAGILIDADE OSMÓTICA DAS HEMÁCIAS | EXAME | 0 | 10 | 10 | 12 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 23 | 0 | 0 | 65 | 780 |
| 32 | DETERMINAÇÃO DA ATIVIDADE ANTI-TROMBINA III | EXAME | 0 | 20 | 10 | 6 | 0 | 0 | 5 | 5 | 2 | 12 | 2 | 2 | 64 | 768 |
| 33 | DETERMINAÇÃO DA ATIVIDADE DA BIOTINIDASE NO SANGUE | EXAME | 0 | 20 | 10 | 3 | 0 | 0 | 5 | 5 | 2 | 7 | 2 | 2 | 56 | 672 |
| 34 | DETERMINAÇÃO DA ATIVIDADE DA RENINA PLASMÁTICA | EXAME | 5 | 10 | 10 | 6 | 2 | 0 | 5 | 5 | 0 | 12 | 0 | 0 | 55 | 660 |
| 35 | DETERMINAÇÃO DA ATIVIDADE DE VON WILLEBRAND PELO COFATOR DA RISTOCETINA | EXAME | 0 | 15 | 5 | 2 | 0 | 0 | 5 | 5 | 2 | 5 | 2 | 2 | 43 | 516 |
| 36 | DETERMINAÇÃO DA MUTAÇÃO (c.1601G>A p. (R534Q) DO FATOR V DE LEIDEN | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 37 | DETERMINAÇÃO DA RESISTÊNCIA A PROTEÍNA C ATIVADA | EXAME | 0 | 20 | 10 | 3 | 0 | 0 | 5 | 5 | 2 | 6 | 2 | 2 | 55 | 660 |
| 38 | DETERMINAÇÃO DE ANTICORPOS ANTI-INSULINA | EXAME | 5 | 20 | 15 | 6 | 0 | 0 | 5 | 5 | 2 | 12 | 2 | 2 | 74 | 888 |
| 39 | DETERMINAÇÃO DE AUTO ANTICORPOS ANTI-GAD 65 | EXAME | 5 | 5 | 5 | 9 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 18 | 0 | 0 | 52 | 624 |
| 40 | DETERMINAÇÃO DE MUTAÇÕES JAK2 V617F, CALR e MPL EM DOENÇAS MIELOPROLIFERATIVAS | EXAME | 0 | 20 | 5 | 3 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 26 | 0 | 0 | 64 | 768 |
| 41 | DETERMINAÇÃO QUANTITATIVA DE AMINOÁCIDOS - SANGUE | EXAME | 0 | 20 | 10 | 6 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 12 | 0 | 0 | 58 | 696 |
| 42 | DETERMINAÇÃO QUANTITATIVA DE AMINOÁCIDOS - URINA | EXAME | 0 | 20 | 10 | 6 | 0 | 0 | 5 | 5 | 2 | 12 | 2 | 2 | 64 | 768 |

| | | | | | | | | | | | | | | | | |
|----|------------------------------------------------------------------------|-------|---|----|----|----|----|---|---|---|---|----|---|---|-----|------|
| 43 | DETERMINAÇÃO SÉRICA DA ENOLASE NEURONAL ESPECÍFICA - NSE | EXAME | 0 | 20 | 10 | 3 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 6 | 0 | 0 | 49 | 588 |
| 44 | Doença de Gaucher, diagnóstico molecular - Mutações no gene GBA | EXAME | 0 | 5 | 3 | 4 | 0 | 0 | 5 | 5 | 2 | 9 | 2 | 2 | 37 | 444 |
| 45 | Doença de Huntington, teste molecular - Gene HTT | EXAME | 0 | 5 | 3 | 4 | 0 | 0 | 5 | 5 | 2 | 9 | 2 | 2 | 37 | 444 |
| 46 | DOSAGEM COMPLEMENTO TOTAL (CH100) | EXAME | 0 | 30 | 20 | 12 | 0 | 0 | 5 | 5 | 2 | 23 | 2 | 2 | 101 | 1212 |
| 47 | DOSAGEM COMPLEMENTO TOTAL (CH50) | EXAME | 0 | 30 | 20 | 12 | 0 | 0 | 5 | 5 | 2 | 23 | 2 | 2 | 101 | 1212 |
| 48 | DOSAGEM CORTISOL SALIVAR | EXAME | 0 | 10 | 10 | 3 | 0 | 0 | 5 | 5 | 2 | 5 | 2 | 2 | 44 | 528 |
| 49 | DOSAGEM CORTISOL URINÁRIO | EXAME | 5 | 10 | 10 | 12 | 2 | 0 | 5 | 5 | 2 | 23 | 2 | 2 | 78 | 936 |
| 50 | DOSAGEM DA ECA - Enzima Conversora da Angiotensina | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 51 | DOSAGEM DE 17-ALFA HIDROXIPROGESTERONA | EXAME | 5 | 5 | 5 | 9 | 0 | 0 | 5 | 5 | 2 | 18 | 2 | 2 | 58 | 696 |
| 52 | DOSAGEM DE ADENOSINA DEAMINASE - ADA | EXAME | 0 | 20 | 20 | 4 | 20 | 0 | 5 | 5 | 0 | 8 | 0 | 0 | 82 | 984 |
| 53 | DOSAGEM DE ALDOSTERONA POSTURAL - S | EXAME | 5 | 20 | 10 | 6 | 2 | 0 | 5 | 5 | 0 | 12 | 0 | 0 | 65 | 780 |
| 54 | DOSAGEM DE ALFA1 ANTITRIPSINA | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 55 | DOSAGEM DE ALUMÍNIO | EXAME | 0 | 10 | 5 | 6 | 10 | 0 | 5 | 5 | 2 | 12 | 2 | 2 | 59 | 708 |
| 56 | DOSAGEM DE AMÔNIA | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 57 | DOSAGEM DE ANTICORPO - BLOQUEADOR DO RECEPTOR DE ACETILCOLINA | EXAME | 0 | 20 | 20 | 3 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 7 | 0 | 0 | 60 | 720 |
| 58 | DOSAGEM DE ANTICORPOS ANTIFOSFOLÍPIDES | EXAME | 0 | 20 | 20 | 6 | 4 | 0 | 5 | 5 | 2 | 12 | 2 | 2 | 78 | 936 |
| 59 | DOSAGEM DE ARSÊNIO NA URINA | EXAME | 0 | 20 | 5 | 2 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 6 | 0 | 0 | 43 | 516 |
| 60 | DOSAGEM DE CADEIAS LEVE LIVRES. SORO. | EXAME | 0 | 30 | 10 | 3 | 4 | 0 | 5 | 5 | 0 | 27 | 0 | 0 | 84 | 1008 |
| 61 | DOSAGEM DE CATECOLAMINAS - FRAÇÕES | EXAME | 0 | 20 | 10 | 3 | 10 | 0 | 5 | 5 | 2 | 7 | 2 | 2 | 66 | 792 |
| 62 | DOSAGEM DE CITRATO NA URINA | EXAME | 0 | 20 | 10 | 12 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 23 | 0 | 0 | 75 | 900 |
| 63 | DOSAGEM DE COBRE (SÉRICO E URINÁRIO) | EXAME | 0 | 10 | 5 | 6 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 12 | 0 | 0 | 43 | 516 |
| 64 | DOSAGEM DE FRUTOSE (ESPERMA) | EXAME | 0 | 0 | 0 | 3 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 6 | 0 | 0 | 19 | 228 |
| 65 | DOSAGEM DE GLICOSE 6-FOSFATO DEHIDROGENASE/G6PD | EXAME | 5 | 30 | 10 | 3 | 40 | 0 | 5 | 5 | 2 | 7 | 2 | 2 | 111 | 1332 |
| 66 | DOSAGEM DE IGG4 | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 67 | DOSAGEM DE LIPOPROTEÍNA - A | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 68 | DOSAGEM DE MACROPROLACTINA | EXAME | 5 | 20 | 10 | 3 | 0 | 0 | 5 | 5 | 2 | 6 | 2 | 2 | 60 | 720 |
| 69 | DOSAGEM DE OXALATO NA URINA | EXAME | 0 | 20 | 10 | 12 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 23 | 0 | 0 | 75 | 900 |
| 70 | DOSAGEM DE PEPTÍDEO INTESTINAL VASOATIVO [VIP] | EXAME | 0 | 20 | 10 | 3 | 0 | 0 | 5 | 5 | 2 | 6 | 2 | 2 | 55 | 660 |
| 71 | DOSAGEM DE PROTEÍNA "C" FUNCIONAL - TOTAL E LIVRE | EXAME | 0 | 20 | 20 | 3 | 0 | 0 | 5 | 5 | 2 | 6 | 2 | 2 | 65 | 780 |
| 72 | DOSAGEM DE PROTEÍNA "S" - TOTAL E LIVRE | EXAME | 0 | 25 | 20 | 3 | 0 | 0 | 5 | 5 | 2 | 6 | 2 | 2 | 70 | 840 |
| 73 | DOSAGEM DE SELÊNIO | EXAME | 0 | 10 | 5 | 3 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 6 | 0 | 0 | 34 | 408 |
| 74 | DOSAGEM DE VITAMINA A (RETINOL) | EXAME | 0 | 20 | 10 | 6 | 0 | 0 | 5 | 5 | 2 | 12 | 2 | 2 | 64 | 768 |
| 75 | DOSAGEM DE ZINCO | EXAME | 0 | 10 | 5 | 6 | 10 | 0 | 5 | 5 | 2 | 12 | 2 | 2 | 59 | 708 |
| 76 | DOSAGEM DE METANEFRIAS URINÁRIA - FRAÇÕES NORMETANEFRIAS E METANEFRIAS | EXAME | 5 | 10 | 5 | 2 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 5 | 0 | 0 | 37 | 444 |
| 77 | DOSAGEM DE PIRUVATOQUINASE EREDITÁRIA | EXAME | 0 | 10 | 5 | 3 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 7 | 0 | 0 | 35 | 420 |
| 78 | DOSAGEM FATOR X DA COAGULAÇÃO | EXAME | 0 | 5 | 5 | 12 | 2 | 0 | 5 | 5 | 2 | 23 | 2 | 2 | 63 | 756 |
| 79 | DOSAGEM FATOR XIII COAGULAÇÃO | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 80 | ELETROFORESE DE HEMOGLOBINA | EXAME | 0 | 30 | 20 | 3 | 10 | 0 | 5 | 5 | 2 | 7 | 2 | 2 | 86 | 1032 |
| 81 | Eletroforese de Lipoproteína | EXAME | 0 | 20 | 10 | 3 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 7 | 0 | 0 | 50 | 600 |
| 82 | ELETROFORESE DE PROTEÍNAS SÉRICAS | EXAME | 5 | 20 | 10 | 3 | 10 | 0 | 5 | 5 | 3 | 27 | 3 | 3 | 94 | 1128 |
| 83 | EXAME DE ARRAY CGH + SNP | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 84 | EXAME DE SNP-CG4 | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |

| | | | | | | | | | | | | | | | | |
|-----|-------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|-------|---|----|----|---|----|---|---|---|---|----|---|---|----|------|
| 85 | EXAME SEQUENCIAMENTO DO EXOMA - (Mutações de ponto (substituições); Indels (pequenas deleções e duplicações); Análise de alteração do número de cópias (CNVs); minimo de Genes analisados: Análise de aproximadamente ≥ 6 000 genes do genoma humano. (5969 genes nucleares + 37 genes mitocondriais) | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 86 | Exoma Clínico e o sequenciamento do genoma mitocondrial (Mutações de ponto (substituições); Indels (pequenas deleções e duplicações); CNVs (grandes deleções e duplicações); Análise de alteração do número de cópias (CNVs); Confirmação de variantes; Variantes Mitocondriais; Análise de achados incidentais; Análise de genes clinicamente mais relevantes) minimo de Genes analisados: Análise de ≥ 22 mil genes do genoma humano. | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 87 | FISH BCR-ABL t(9;22) - FISH para translocação BCR/ABL | EXAME | 0 | 5 | 5 | 2 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 5 | 0 | 0 | 27 | 324 |
| 88 | FISH para deleção/amplificação Leucemia linfocítica crônica: del(17p); TP53; (17p13.1) | EXAME | 0 | 10 | 5 | 3 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 6 | 0 | 0 | 34 | 408 |
| 89 | FISH PARA PESQUISA DE HIPERMUTAÇÃO DA IgH (cadeia pesada da imunoglobulina) - SCREENING S | EXAME | 0 | 5 | 5 | 4 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 8 | 0 | 0 | 32 | 384 |
| 90 | HLA B27 | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 91 | HLA B51 | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 92 | IGE COCHONILHA | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 93 | IMUNOFENOTIPAGEM - PAINEL PROLIFERATIVO - S, MEDULA ÓSSEA | EXAME | 0 | 40 | 10 | 3 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 27 | 0 | 0 | 90 | 1080 |
| 94 | IMUNOFENOTIPAGEM - PAINEL PROLIFERATIVO - S, SANGUE PERIFÉRICO | EXAME | 0 | 20 | 10 | 3 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 17 | 0 | 0 | 60 | 720 |
| 95 | IMUNOFIXAÇÃO DE PROTEÍNAS SÉRICAS | EXAME | 0 | 10 | 10 | 3 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 27 | 0 | 0 | 60 | 720 |
| 96 | IMUNOFLUORESCÊNCIA DIRETA DE BIÓPSIA RENAL COM MICROSCOPIA ÓPTICA | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 97 | METANEFRIAS NO SANGUE | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 98 | PAINEL DE IMUNODEFICIÊNCIAS PRIMÁRIAS COMPLETO Genes analisados (460) | EXAME | 0 | 5 | 5 | 2 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 5 | 0 | 0 | 27 | 324 |
| 99 | PAINEL DE MUTAÇÕES LINFÓIDES | EXAME | 0 | 10 | 5 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 25 | 300 |
| 100 | PAINEL DE MUTAÇÕES MIELOÍDES | EXAME | 0 | 10 | 5 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 25 | 300 |
| 101 | PCR ENTEROVÍRUS | EXAME | 0 | 0 | 0 | 0 | 20 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 30 | 360 |
| 102 | PCR HVS (HERPES) | EXAME | 0 | 0 | 0 | 0 | 20 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 30 | 360 |
| 103 | PEQUISA DE ANTICORPOS ANTI-ENDOMÍLIO IgA | EXAME | 0 | 20 | 5 | 4 | 0 | 0 | 5 | 5 | 2 | 8 | 2 | 2 | 53 | 636 |
| 104 | PEQUISA DE ANTICORPOS ANTI-ENDOMÍLIO IgG | EXAME | 0 | 20 | 5 | 4 | 0 | 0 | 5 | 5 | 2 | 8 | 2 | 2 | 53 | 636 |
| 105 | PEQUISA DE ANTICORPOS ANTI-ENDOMÍLIO IgM | EXAME | 0 | 20 | 5 | 4 | 0 | 0 | 5 | 5 | 2 | 8 | 2 | 2 | 53 | 636 |
| 106 | PESQUISA ANTICORPOS ANTI-ACTINA | EXAME | 0 | 5 | 5 | 3 | 0 | 0 | 5 | 5 | 2 | 6 | 2 | 2 | 35 | 420 |
| 107 | PESQUISA CROMOSSÔMICA/MOLECULAR DO X FRÁGIL | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 108 | Pesquisa de FISH PARA LEUCEMIA AGUDA TRANSLOCAÇÕES t(8;21), t(15;17), t(16;16), inv (16) | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 109 | Pesquisa de FISH PARA TRANSLOCAÇÃO MIELOMA MÚLTIPLO: t(4;14), t(11;14), t(14;16) t(14;18), IGH/MAF, | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 110 | Pesquisa de MLPA de APC (polipose adenomatosa familiar (PAF) - minimo de Genes Analisados: APC | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |

| | | | | | | | | | | | | | | | | |
|-----|--------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|-------|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|-----|
| 111 | Pesquisa de MLPA de BRCA1 (câncer de mama e ovário hereditário. Variantes patogênicas em heterozigose no gene BRCA1) - mínimo de Genes Analisados: BRCA1 | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 112 | Pesquisa de MLPA de BRCA2 (câncer de mama e ovário hereditário. Variantes patogênicas em heterozigose no gene BRCA2) - mínimo de Genes Analisados: BRCA2 | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 113 | Pesquisa de MLPA de BRIP1 (câncer de mama hereditário. Variantes patogênicas em heterozigose no gene BRIP1) - mínimo de Genes Analisados: BRIP1 | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 114 | Pesquisa de MLPA de CDH1 (câncer gástrico difuso hereditário (CDH1) - mínimo de Genes Analisados: CDH1 | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 115 | Pesquisa de MLPA de CDK4 (melanoma maligno cutâneo. Variantes patogênicas em heterozigose no gene CDK4) - mínimo de Genes Analisados: CDK4 | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 116 | Pesquisa de MLPA de CDKN2A (melanoma maligno cutâneo familiar. Variantes patogênicas em heterozigose no gene CDKN2A) - mínimo de Genes Analisados: CDKN2A | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 117 | Pesquisa de MLPA de CHEK2 (câncer de mama e próstata hereditário. Variantes patogênicas em heterozigose no gene CHEK2 (Checkpoint Kinase 2) - mínimo de Genes Analisados: CHEK2 | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 118 | Pesquisa de MLPA de MEN1 (neoplasia endócrina múltipla tipo 1. Variantes patogênicas em heterozigose no gene MEN1) - mínimo de Genes Analisados: MEN1 | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 119 | Pesquisa de MLPA de MET (carcinoma papilar das células renais com suspeita de câncer hereditário. Variantes patogênicas em heterozigose no gene MET) - mínimo de Genes Analisados: MET | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 120 | Pesquisa de MLPA de MLH1 (câncer colorretal não-polipóide hereditário (HNPCC) - suspeita de síndrome de Lynch e outros tipos de câncer hereditário. Variantes patogênicas em heterozigose no gene MLH1) - mínimo de Genes Analisados: MLH1 | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 121 | Pesquisa de MLPA de MSH2 (câncer colorretal não-polipóide hereditário (HNPCC) - suspeita de síndrome de Lynch e outros tipos de câncer hereditário. Variantes patogênicas em heterozigose no gene MSH2) - mínimo de Genes Analisados: MSH2 | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 122 | Pesquisa de MLPA de MSH6 (câncer colorretal não-polipóide hereditário (HNPCC) - suspeita de síndrome de Lynch e outros tipos de câncer hereditário. Variantes patogênicas em heterozigose no gene MSH6) - mínimo de Genes Analisados: MSH6 | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 123 | Pesquisa de MLPA de MUTYH (polipose adenomatosa familiar (PAF) trato gastrointestinal, principalmente no cólon. Variantes patogênicas em heterozigose no gene MUTYH) - mínimo de Genes Analisados: MUTYH | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 124 | Pesquisa de MLPA de PALB2 (câncer de mama e ovário hereditário. Variantes patogênicas em heterozigose no gene PALB2) - mínimo de Genes Analisados: PALB2 | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |

| | | | | | | | | | | | | | | | | |
|-----|--------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|-------|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|-----|
| 125 | Pesquisa de MLPA de PMS2 (câncer colorretal não-polipóide hereditário (HNPCC) - suspeita de síndrome de Lynch e outros tipos de câncer hereditário. Variantes patogênicas em heterozigose no gene PMS2) - mínimo de Genes Analisados: PMS2 | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 126 | Pesquisa de MLPA de PTEN (síndrome de Cowden, síndrome de Bannayan-Riley-Ruvalcaba, síndrome autismo-macrocefalia, síndrome de Proteus, entre outras) Variantes patogênicas em heterozigose no gene PTEN) - mínimo de Genes Analisados: PTEN | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 127 | Pesquisa de MLPA de RB1 (Retinoblastoma hereditário. Variantes patogênicas em heterozigose no gene RB1) - mínimo de Genes Analisados: RB1 | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 128 | Pesquisa de MLPA de RET (neoplasia endócrina múltipla tipo 2 (MEN2), carcinoma medular de tireóide e feocromocitoma hereditários. Variantes detectadas somente no exame de sequenciamento do gene RET) - mínimo de Genes Analisados: RET | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 129 | Pesquisa de MLPA de SDHB (paraganglioma não-sindrômico, síndrome de Cowden, tumor estromal Gastrointestinal e outros cânceres relacionados .A Síndrome de Peutz-Jeghers (SPJ) ou outras formas de câncer hereditário. síndrome do paraganglioma-feocromocitoma hereditário (PGL/FEO) e outras doenças relacionadas ao SDHB. Variantes no gene SDHB estão associadas à PGL/FEO) - mínimo de Genes Analisados: SDHB | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 130 | Pesquisa de MLPA de STK11 (polipose gastrointestinal, pigmentação cutâneo-mucosa e predisposição ao câncerA Síndrome de Peutz-Jeghers (SPJ) ou outras formas de câncer hereditário. Variantes patogênicas em heterozigose no gene STK11) - mínimo de Genes Analisados: STK11 | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 131 | Pesquisa de MLPA de TP53 (carcinoma adrenocortical, câncer de mama, tumores do sistema nervoso central, osteosarcomas e sarcomas de tecidos moles - suspeita de síndrome de Li-Fraumeni ou outras formas de câncer hereditário. Variantes patogênicas em heterozigose no gene TP53) - mínimo de Genes Analisados: TP53 | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 132 | Pesquisa de MLPA de WT1 (tumor de Wilms e doenças relacionadas. Variantes patogênicas heterozigose no gene WT1 cursam com risco aumentado para tumor de Wilms e podem ainda cursar com as síndromes de Denys-Drash, de Frasier, de Meacham e síndrome nefrótica tipo 4) - mínimo de Genes Analisados: WT1 | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 133 | Pesquisa de Painel de Câncer de Próstata Hereditário HRR (20 genes relacionados a câncer de próstata hereditário) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flankedoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ATM BARD1 BRCA1 BRCA2 BRIP1 CDK12 CHEK1 CHEK2 EPCAM FANCL MLH1 MSH2 MSH6 PALB2 PMS2 RAD51B RAD51C RAD51D RAD54L TP53 | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |

| | | | | | | | | | | | | | | | | |
|-----|---------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|-------|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|-----|
| 134 | <p>Pesquisa de Pannel de Câncer Hereditário (Completo) (265 genes relacionados a câncer hereditário, incluindo formas mais raras como melanoma hereditário, feocromocitoma, doença de Von Hippel Lindau, paraganglioma, cilindromatose, síndrome de Birt-Hogg-Dubé, complexo de Carney, xeroderma pigmentoso, tumor teratóide rabdoide, síndrome hereditária de leiomiomatose e câncer renal, osteocondromatose múltipla (exostose múltipla), entre outras) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ACD AIP AKT1 ALK ANKRD26 APC ARMC5 ASCL1 ASXL1 ATM ATP4A ATR AXIN2 BAP1 BARD1 BDNF BLM BMPR1A BPGM BRAF BRCA1 BRCA2 BRIP1 BUB1B CABLES1 CASP10 CASP9 CBL CD70 CDC73 CDH1 CDH23 CDK12 CDK4 CDKN1B CDKN1C CDKN2A CEBPA CEP57 CHEK1 CHEK2 CREBBP CSF3R CTC1 CTNNA1 CTNNB1 CTR9 CYLD DDB2 DDX41 DICER1 DIS3L2 DKC1 DLST DNAJC21 DNMT3B DOCK8 EDN3 EFL1 EGFR EGLN1 EGLN2 EPAS1 EPCAM ERCC2 ERCC3 ERCC4 ERCC5 ERCC6 ERCC6L2 ETV6 EXT1 EXT2 EZH2 FAN1 FANCA FANCB FANCC FANCD2 FANCE FANCF FANCG FANCI FANCL FANCM FAS FASLG FBXW7 FGFR1 FH FIBP FLCN FOXE1 G6PC1 GALNT12 GATA1 GATA2 GLMN GNAS GPC3 HCLS1 HIF3A HNF1A HNF1B HOXB13 HRAS IPMK JAG1 JAK2 KDM1A KDM3B KIF1B KIT KLLN KRAS LAPTM5 LDAH LIG4 LZTR1 MAD2L2 MAGT1 MAP2K1 MAP2K2 MAP3K1 MAX MBD4 MCM4 MDH2 MEN1 MET MTF MLH1 MLH3 MMP1 MNX1 MRE11 MSH2 MSH3 MSH6 MSR1 MTAP MUTYH MYCN NBN NF1 NF2 NHP2 NME1 NOP10 NRAS NSD1 NTHL1 NTRK1 NYNRIN OS9 PALB2 PARN PAX5 PBRM1 PDGFB PDGFRA PDGFRB PHOX2B PIK3CA PMS2 POLD1 POLE POLH POT1 PPP2R2A PPP2R3B PRF1 PRKAR1A PSMC3IP PTCH1 PTCH2 PTEN PTPN11 RABL3 RAD50 RAD51 RAD51B RAD51C RAD51D RAD54L RAF1 RASA2 RASAL1 RB1 RBBP6 RECQL RECQL4 RET RFWF3 RHBDF2 RMI2 RNASEL RNF139 RNF43 RPS20 RRAS RSP01 RTEL1 RUNX1 SAMD9 SAMD9L SASH1 SBDS SDHA SDHAF2 SDHB SDHC SDHD SEC23B SETBP1 SH2B3 SH2D1A SHOC2 SLC25A11 SLX4 SMAD4 SMARCA4 SMARCA1 SMARCB1 SMARCE1 SOS1 SPRN SRP54 SRP72 STAT3 STK11 SUFU TERC TERF2IP TERT TET2 TEX15 TGFB2 THSD1 TINF2 TMC6 TMC8 TMEM127 TOP3A TP53 TPCN2 TRIM28 TRIP13 TSC1 TSC2 UBE2T USP8 VHL WAS WIPF1 WRAP53 WRN WT1 WWOX XIAP XPA XPC XRCC2 ZNF687</p> | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
|-----|---------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|-------|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|-----|

| | | | | | | | | | | | | | | | | |
|-----|-------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|-------|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|-----|
| 135 | Pesquisa de Pannel de Câncer Hereditário (Principais Genes) (genes relacionados às formas mais comuns de predisposição hereditária ao câncer, incluindo os cânceres de mama, ovário, endométrio, intestino/colorretal (formas polipóides e não-polipóides), próstata, gástrico, neoplasia endócrina múltipla (MEN1), pâncreas, Síndrome de Li-Fraumeni, entre outras) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flangeadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: APC ATM BAP1 BARD1 BLM BMPR1A BRCA1 BRCA2 BRIP1 CDH1 CDK4 CDKN2A CHEK2 EGFR EPCAM FANCC FANCM MEN1 MET MLH1 MSH2 MSH3 MSH6 MUTYH NBN NTHL1 PALB2 PMS2 POLD1 POLE PTEN RAD51C RAD51D RECQL RET STK11 TP53 | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 136 | Pesquisa de Pannel de Meningioma (genes mais importantes associados a susceptibilidade hereditária à Meningioma) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flangeadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ARMC5 BAP1 LZTR1 PDGFB PTEN SMARCB1 SMARCE1 SUFU | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 137 | Pesquisa de Síndrome de Marfan (sequenciamento do gene FBN1) (identifica doença do tecido conectivo que causa alterações oculares, cardiovasculares e esqueléticas) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flangeadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: FBN1 | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 138 | Pesquisa de Síndrome de Rubinstein-Taybi-SRT (MLPA da região 16p13) (identifica deficiência de crescimento pós-natal, microcefalia, características faciais específicas, polegares e dedos do pé alargados, atraso do desenvolvimento, entre outros) - mínimo de Genes Analisados: CREBBP | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 139 | Pesquisa de Síndrome de Russell-Silver-SRS (metilação de 11p15) (identifica doença genética de restrição de crescimento intrauterino e pós-natal, resultante de alterações na regulação de genes que controlam o crescimento) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flangeadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: IGF2 | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 140 | Pesquisa de Síndrome de Smith-Magenis (MLPA da região 17p11) (identifica deficiência intelectual, características faciais distintas, distúrbios do sono e problemas comportamentais, entre outros) - mínimo de Genes Analisados: RAI1 | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 141 | Pesquisa de Síndrome de Sotos (MLPA da região 5q35) (identifica diagnóstico de indivíduos com suspeita clínica de síndrome de Sotos - crescimento excessivo na infância, dismorfias crânio-faciais e atraso no desenvolvimento neuropsicomotor) - mínimo de Genes Analisados: NSD1 | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 142 | Pesquisa de Síndrome de WAGR (MLPA da região 11p13) (identifica aumento de risco para desenvolvimento tumor de Wilms, aniridia (ausência de íris), anomalias gênito-urinárias e deficiência intelectual) - mínimo de Genes Analisados: PAX6 WT1 | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |

| | | | | | | | | | | | | | | | | |
|-----|--------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|-------|---|----|----|----|----|---|---|---|----|----|----|----|-----|------|
| 143 | Pesquisa de Síndrome de Williams (MLPA da região 7q11.23) (identifica deficiência intelectual, personalidade característica, problemas cardiovasculares, entre outros) - mínimo de Genes Analisados: CLIP2 ELN GTF2I GTF2IRD1 LIMK1 | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 144 | Pesquisa de Síndrome de Wolf-Hirschhorn (MLPA da região 4p16) (identifica atraso no crescimento e no desenvolvimento, deficiência intelectual, convulsões e aparência facial típica) - mínimo de Genes Analisados: LETM1 MSX1 | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 145 | Pesquisa de Triagem de Portador de Mutações de Doenças Recessivas (identifica mutações previamente descritas e/ou reconhecidamente patogênicas em 165 genes relacionados a doenças autossômicas recessivas) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ABCC8 ACADM ACADVL ADA ADAMTS2 AGA AGL AGXT AIRE ALDH3A2 ALDOB ALG6 ALMS1 ALPL AMT ARG1 ARSA ASL ASPA ASS1 ATM ATP7B BBS1 BBS10 BBS12 BBS2 BCKDHA BCKDHB BCS1L BLM BTD CAPN3 CFTR CLN3 CLN5 CLN6 CLN8 CLRN1 COL4A3 COL4A4 CPS1 CPT1A CPT2 CTNS CTSK CYP11B1 CYP27A1 DBT DHCR7 DHDDS DLD DYSF ELP1 ERCC6 ERCC8 EVC EVC2 F11 FAH FANCA FANCC FKRPF KTN G6PC1 GAA GALT GBA GCDH GJB2 GLB1 GLDC GNE GNPTAB GNPTG GRHR HADHA HBB HEXA HEXB HGSNAT HLCS HMGCL HOGA1 HSD17B4 HYL1 IDUA IVD KCNJ11 LAMA2 LAMA3 LAMB3 LAMC2 LIPA LRPPRC MAN2B1 MCOLN1 MESP2 MKS1 MLC1 MMAA MMAB MMACHC MMUT MPI MPL MTTP MYO7A NAGLU NBN NEB NPC1 NPC2 NPHS1 NPHS2 OPA3 PAH PC PCCA PCCB PCDH15 PEX1 PEX10 PEX12 PEX6 PEX7 PHGDH PKHD1 PMM2 POMGNT1 PPT1 PROP1 PTS RTEL1 SACS SGCA SGCGB SGCD SGCG SGSH SLC12A6 SLC17A5 SLC22A5 SLC26A2 SLC26A4 SLC35A3 SLC37A4 SMPD1 STAR SUMF1 TAT TCIRG1 TGM1 TH TMEM216 TPP1 TTPA USH1C USH2A VPS13B XPA XPC ZFYVE26 | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 146 | Pesquisa de Amiloidose Familiar (sequenciamento do gene TTR) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: TTR | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 147 | PESQUISA DE ANTICORPOS ANTINUCLEARES - FAN | EXAME | 5 | 30 | 20 | 18 | 10 | 0 | 5 | 5 | 12 | 21 | 12 | 12 | 150 | 1800 |
| 148 | Pesquisa de Anticorpos Contra Antígenos Celulares em Células HEp-2 - FANHEP2 | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 149 | PESQUISA DE ANTICORPOS ANTI MÚSCULO LISO, ANTICORPOS ANTI-ASMA | EXAME | 0 | 20 | 10 | 3 | 2 | 0 | 5 | 5 | 2 | 6 | 2 | 2 | 57 | 684 |
| 150 | PESQUISA DE ANTICORPOS ANTI-AQUAPORINA 4 (ANTICORPOS IgG - S) | EXAME | 0 | 20 | 20 | 3 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 7 | 0 | 0 | 60 | 720 |
| 151 | Pesquisa de Arteriopatia Cerebral (CADASIL - sequenciamento do gene NOTCH3) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: NOTCH3 | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |

| | | | | | | | | | | | | | | | | | |
|-----|---------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|-------|---|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|-----|
| 152 | Pesquisa de Ataxia de Friedreich (expansão FXN) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 153 | Pesquisa de Ataxia Espinocerebelar Tipo 10 (expansão ATXN10/SCA10) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 154 | Pesquisa de Ataxia Espinocerebelar Tipo 3 – Machado-Joseph (expansão ATXN3/SCA3) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 155 | Pesquisa de Ataxia Espinocerebelar Tipo 6 (expansão CACNA1A/SCA6) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 156 | Pesquisa de Ataxia Espinocerebelar Tipo 7 (expansão ATXN7/SCA7) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 157 | Pesquisa de Ataxias Espinocerebelares por Expansões (SCA1, SCA2, SCA3, SCA6) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 158 | Pesquisa de Atrofia Espinhal Progressiva (MLPA de SMN1 e SMN2) - mínimo de Genes Analisados: SMN1 SMN2 | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 159 | Pesquisa de Atrofia Espinhal Progressiva (sequenciamento NGS de SMN1 após MLPA) - mínimo de Genes Analisados: SMN1 | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 160 | PESQUISA DE CELULAS CD16 | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 161 | PESQUISA DE CELULAS CD19 | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 162 | PESQUISA DE CELULAS CD2 | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 163 | PESQUISA DE CELULAS CD3 | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 164 | PESQUISA DE CELULAS CD4 | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 165 | PESQUISA DE CELULAS CD56 | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 166 | PESQUISA DE CELULAS CD8 | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 167 | Pesquisa de Charcot-Marie-Tooth Tipo 1A e HNPP (MLPA de PMP22) - mínimo de Genes Analisados: PMP22 | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 168 | PESQUISA DE CLONE HPN - CD59 | EXAME | 0 | 20 | 5 | 2 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 5 | 0 | 0 | 42 | 504 |
| 169 | Pesquisa de Distrofia Miotônica Tipo I – Steinert (expansão DMPK) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 170 | Pesquisa de Distrofia Miotônica Tipo II (expansão CNBP) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 171 | Pesquisa de Distrofia Muscular de Duchenne (MLPA do gene DMD) - mínimo de Genes Analisados: DMD | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 172 | Pesquisa de Doença de Huntington (expansão HTT) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 173 | Pesquisa de Doença de Kennedy (atrofia muscular espinhal e bulbar) (expansão AR) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |

| | | | | | | | | | | | | | | | | | |
|-----|-------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|-------|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|-----|
| 174 | Pesquisa de Esclerose Lateral Amiotrófica (ELA) (expansão C9orf72) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: C9orf72 | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 175 | Pesquisa de FISH para deleção/amplificação Leucemia linfocítica crônica: del(17p); TP53; (17p13.1) | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 176 | Pesquisa de FISH PARA EOSINOFILIAS: rearranjos PDGFRa-FIP1L1, PDGFRb-ETV6, PCM1-JAK2, FGFR1-JAK2, FLT3 rearranjos, ETV6 rearranjos. | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 177 | Pesquisa de FISH PARA LLA t(v;11q23), Gene MLL | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 178 | Pesquisa de FISH PARA LNH Difuso de grandes células B: MYC breakapart (ba), MYC/IGH translocation, BCL2/IGH translocation, BCL6 ba and CCND1/IGH translocation | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 179 | Pesquisa de Hiperplasia Adrenal Congênita por Deficiência de CYP21A2 (Seq. + MLPA) - sequenciamento do gene CYP21A2 por Sanger, além da identificação de microdeleções ou microduplicações por MLPA. | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 180 | PESQUISA DE LTA (Leishmaniose Tegumentar Americana) E FUNGOS DE RASPADO | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 181 | Pesquisa de MLPA de ATM (ataxia-telangiectasia ou de câncer hereditário) - mínimo de Genes Analisados: ATM | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 182 | Pesquisa de MLPA de BAP1 (síndrome de predisposição tumoral) - mínimo de Genes Analisados: BAP1 | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 183 | Pesquisa de Painel de Anemia de Fanconi - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: BRCA1 BRCA2 BRIP1 COX4I1 ERCC4 FANCA FANCB FANCC FANCD2 FANCE FANCF FANCG FANCI FANCL FANCM MAD2L2 PALB2 RAD51 RAD51C RFWD3 SLX4 UBE2T XRCC2 | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |

| | | | | | | | | | | | | | | | | |
|-----|---------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|-------|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|-----|
| 184 | <p>Pesquisa de Pannel de Anemias Hereditárias - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ABCB7 ABCD4 ABCG5 ABCG8 ACD ADA2 ADH5 AK1 ALAS2 ALDOA AMMECR1 AMN ANK1 APOB ATP11C ATRX BOLA2 BRCA1 BRCA2 BRIP1 CBLIF CD46 CD59 CDAN1 CDIN1 CFB CFH CFI COQ2 COX4I1 COX4I2 CPOX CTC1 CUBN DHFR DKC1 DNAJC19 DNAJC21 EFL1 EPB41 EPB42 EPO ERCC4 ERCC6L2 FANCA FANCB FANCC FANCD2 FANCE FANCF FANCG FANCI FANCL FANCM FECH FTCD G6PD GATA1 GCLC GLRX5 GPI GSR GSS HBA1 HBA2 HBB HK1 HMOX1 HSPA9 IREB2 IVD KCNN4 KIF23 KLF1 LARS2 LCAT LMBRD1 LPIN2 MAD2L2 MDM4 MMAA MMAB MMACHC MMADHC MMUT MPIG6B MTHFD1 MTR MTRR MYSM1 NBN NHP2 NOP10 NT5C3A PALB2 PANK2 PARN PCCA PCCB PFKM PGK1 PIEZO1 PKLR PNPO PRF1 PUS1 RACGAP1 RAD51 RAD51C RFWDD3 RGL2 RHAG RPL10 RPL10A RPL11 RPL15 RPL18 RPL19 RPL26 RPL27 RPL3 RPL31 RPL34 RPL35 RPL35A RPL5 RPLP0 RPS10 RPS11 RPS14 RPS15A RPS17 RPS19 RPS20 RPS24 RPS26 RPS27 RPS28 RPS29 RPS7 RTEL1 SBDS SC5D SEC23B SLC11A2 SLC19A1 SLC19A2 SLC25A38 SLC2A1 SLC46A1 SLC4A1 SLX4 SPTA1 SPTB SRC SRP54 SRP72 STEAP3 TALDO1 TCN2 TERT TF TFRC TGFB1 THBD TINF2 TKFC TMPRSS6 TP53 TPI1 TRNT1 TSR2 UBE2T UMPS UROD UROS VPS13A VPS4A WRAP53 XK XRCC2 YARS2 ZCCHC8</p> | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 185 | <p>Pesquisa de Pannel de Aneurisma Aórtico - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ACTA2 BGN COL1A1 COL1A2 COL3A1 COL5A1 COL5A2 EFEMP2 FBLN5 FBN1 LOX MFAP5 MYH11 MYLK PRKG1 SKI SLC2A10 SMAD3 SMAD6 TGFB2 TGFB3 TGFB1 TGFB2</p> | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |

| | | | | | | | | | | | | | | | | |
|-----|-------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|-------|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|-----|
| 186 | <p>Pesquisa de Pannel de Arritmias - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes</p> <p>Analísados: AARS2 ABCC6 ABCC9 ACAD8 ACAD9 ACADVL ACTA1 ACTC1 ACTN2 ADCY5 AGK AGL AHCY ALG1 ALG12 ALMS1 ALPK3 ANK2 ANKS6 ARSB ATAD3A ATP5F1E ATPAF2 BAG3 BCS1L BMP2 BOLA3 BRAF BCL2 C1QBP C1QTNF5 CACNA1C CACNB2 CALM1 CALM2 CALM3 CALR3 CAP2 CASQ2 CAV3 CAVIN1 CENPE CEP19 CHKB CLIC2 CLN3 COA5 COA6 COA8 COQ2 COQ4 COX10 COX14 COX15 COX20 COX6B1 COX7B CPT1A CPT2 CRYAB CSRP3 CTNNA3 D2HGDH DCAF8 DES DIP2A DLD DMD DNAJC19 DOLK DPM3 DPP6 DSC2 DSG2 DSP DTNA ECHS1 ELAC2 EMD EPG5 ERBB3 EYA4 FAH FASTKD2 FBXL4 FHL1 FHOD3 FIG4 FKRP FKTN FLAD1 FLNC FNIP1 FOXRED1 FTO FUCA1 FXN GAA GATAD1 GBE1 GJA5 GLA GLB1 GMPPB GNAI2 GNB5 GNPTAB GNS GPC3 GPD1L GSN GTPBP3 GYS1 HADH HADHA HADHB HCCS HCN4 HGSNAT HPS1 HRAS HSD17B10 IDH2 IDUA ITPA JPH2 JUP KCNA5 KCND3 KCNE2 KCNE3 KCNH1 KCNH2 KCNJ2 KCNJ5 KCNQ1 KIF20A LAMA4 LAMP2 LDB3 LIAS LMNA MAP2K1 MAP2K2 MCCC2 MCM10 MGME1 MIB1 MLYCD MMUT MRPL3 MRPL44 MRPS22 MRPS7 MT-TI MTFMT MTO1 MYBPC3 MYH6 MYH7 MYL2 MYL3 MYL4 MYLK2 MYO6 MYOT MYOZ2 MYPN NAGLU NDUFA1 NDUFA10 NDUFA11 NDUFA12 NDUFA2 NDUFA6 NDUFA9 NDUFAF1 NDUFAF2 NDUFAF3 NDUFAF4 NDUFAF5 NDUFAF6 NDUFB10 NDUFB11 NDUFB3 NDUFB8 NDUFB9 NDUF51 NDUF52 NDUF53 NDUF54 NDUF56 NDUF57 NDUF58 NDUFV1 NDUFV2 NEU1 NEXN NKX2-5 NONO NPPA NRAP NUBPL NUP155 PAM16 PCCA PCCB PET100 PGM1 PHYH PIGT PKP2 PLEKHM2 PLN PMM2 PNPLA2 POLG POMT1 PPCS PPP1R13L PRDM16 PRG4 PRKAG2 PRKARIA PSEN1 PSEN2 PSMB4 PSMB8 PSMB9 RAB3GAP2 RAF1 RBCK1 RBM20 RIT1 RMND1 RPL3L Rragd RYR2 SCN1B SCN2B SCN3B SCN5A SCO1 SCO2 SDHA SDHAF1 SDHD SELENON SGCA SGCB SGCD SGCG SGSH SHMT2 SHOC2 SLC19A2 SLC22A5 SLC25A20 SLC25A26 SLC25A3 SLC25A4 SLC30A5 SLC6A6 SOD2 SOS1 SPEG SURF1 SYNE1 SYNE2 TACO1 TAF1A TFAZZIN TANGO2 TAPT1 TBX1 TBX3 TBX5 TCAP TECRL TF TGFB3 TIMMDC1 TMEM126A TMEM126B TMEM43 TMEM70 TNNC1 TNNI3 TNNI3K TNNT2 TOP3A TOR1AIP1 TPM1 TPM3 TRDN TRIT1 TRMT5 TRNT1 TRPM7 TSC1 TSFM TTN TTR TWNK UBR1 UQCERS1 VCL VPS33A WFS1 XK XPNPEP3 YARS2</p> | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
|-----|-------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|-------|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|-----|

| | | | | | | | | | | | | | | | | | |
|-----|-----------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|-------|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|-----|
| 187 | <p>Pesquisa de Pannel de Ataxias (NGS) (panel inclui a pesquisa a Ataxia-Telangiectasia, Ataxia com Apraxia Oculomotora, entre outras) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes</p> <p>Analizados: ABHD12 ACO2 AFG3L2 ANO10 APOB APTX ATCA1 ATM ATP8A2 BEAN1 CACNA1A CACNA1G CACNB4 CCDC88C CLCN2 CLN5 COQ2 COQ8A CYP27A1 DDC DNMT1 EBF3 ELOVL4 FGF14 FLVCR1 FXN GOSR2 GRM1 ITPR1 KCNA1 KCNC3 KCND3 KCNJ10 KIF1A LAGE3 LAMA1 MRE11 MTTP NPC1 NPC2 NUP107 NUP133 OSGEP PCNA PDSS1 PDSS2 PDYN PEX7 PHYH PMPCA PNKP PNPLA6 POLG PRKCG PRNP PTF1A RUBCN SACS SCN2A SETX SIL1 SLC1A3 SLC2A1 SPG7 SPTBN2 SYNE1 SYT14 TDP1 TGM6 TP53RK TPP1 TPRKB TTBK2 TTPA TWNK TXN2 VLDLR WDR4 WDR73 WFS1 WWOX</p> | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 188 | <p>Pesquisa de Pannel de Autismo (Transtorno do Espectro Autista (TEA).) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes</p> <p>Analizados: ADNP ANKRD11 ARID1B ASH1L AUTS2 CAMK2A CHD2 CHD8 DDX3X DYRK1A EHMT1 FOXF1 GRIA1 GRIN2B HNRNP2 KMT2A KMT2C KMT5B MBD5 MECP2 MED12 NAA15 NEXMIF NLGN3 NLGN4X PACS1 POGZ PPM1D PTCHD1 PTEN RPL10 SCN2A SETD2 SHANK1 SHANK2 SHANK3 SYN1 SYNGAP1 TBL1XR1 TBR1 TRIO TRIP12 UBE3A</p> | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 189 | <p>Pesquisa de Pannel de Baixa Estatura - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes</p> <p>Analizados: ACAN ADAMTS10 ANKRD11 ATR BRAF CBL CCDC8 CDC6 CDT1 CENPJ CEP152 CEP63 CHD7 COL10A1 COL2A1 COL9A2 COMP CREBBP CUL7 FBN1 FGF8 FGFR1 FGFR3 GH1 GHR GHRHR GLI2 GLI3 GNAS HESX1 HRAS IGF1 IGF1R IGF2 IGFALS IHH KRAS LHX3 LHX4 MAP2K1 NPPC NPR2 NRAS OBSL1 ORC1 ORC4 ORC6 OTX2 PAPSS2 PCNT PITX2 POU1F1 PRKAR1A PROP1 PTH1R PTPN11 RAF1 RBBP8 SHOC2 SHOX SOS1 SOX3 SOX9 SRCAP STAT5B XRCC4</p> | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 190 | <p>Pesquisa de Pannel de Câncer Colorretal Hereditário - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes</p> <p>Analizados: APC ATM AXIN2 BARD1 BLM BMPR1A BRCA1 BRCA2 BRIP1 CDH1 CDK4 CDKN2A CHEK2 EGFR EPCAM FANCC IPMK MBD4 MEN1 MET MLH1 MSH2 MSH3 MSH6 MUTYH NBN NTHL1 PALB2 PMS2 POLD1 POLE PTEN RABL3 RAD51C RAD51D RECQL RET RNF43 RPS20 SMAD4 STK11 TP53</p> | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |

| | | | | | | | | | | | | | | | | | |
|-----|---------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|-------|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|-----|
| 191 | Pesquisa de Pannel de Câncer de Mama e Ovário Hereditários - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: APC ATM BAP1 BARD1 BLM BMPR1A BRCA1 BRCA2 BRIP1 CDH1 CDK4 CDKN2A CHEK2 EGFR EPCAM FANCC FANCM MEN1 MET MLH1 MSH2 MSH3 MSH6 MUTYH NBN NTHL1 PALB2 PMS2 POLD1 POLE PTEN RAD51C RAD51D RECQL RET STK11 TP53 | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 192 | Pesquisa de Pannel de Colestase Crônica - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ABCB11 ABCB4 ATP8B1 CFTR JAG1 KIF12 LSR MYO5B NRIH4 PPM1F SERPINA1 TJP2 USP53 VIPAS39 VPS33B WDR83OS | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 193 | Pesquisa de Pannel de Demências e Parkinson - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ABCD1 APP ARSA ATP13A2 ATP1A3 ATP7B CHMP2B CSF1R CYP27A1 DCTN1 DNAJC6 EIF4G1 FBXO7 FUS GALC GBA GCH1 GFAP GLA GRN HEXA HTRA2 ITM2B LMNB1 LRRK2 MAPT NOTCH3 NPC1 NPC2 PANK2 PARK7 PINK1 PLA2G6 PNKD POLG PPT1 PRKN PRKRA PRNP PRRT2 PSAP PSEN1 PSEN2 SGCE SLC2A1 SLC6A3 SNCA SPG11 SPR SQSTM1 TARDBP TH THAP1 TOR1A TREM2 TYROBP UBQLN2 UCHL1 VCP VPS35 | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 194 | Pesquisa de Pannel de Diabetes Monogênico (Maturity-Onset Diabetes of the Young - MODY) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ABCC8 APPL1 CEL EIF2AK3 GATA6 GCK HNF1A HNF1B HNF4A INS KCNJ11 KLF11 NEUROD1 NEUROG3 PDX1 PLAGL1 PTF1A RFX6 SH2B1 SLC19A2 SLC2A2 WFS1 ZFP57 | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 195 | Pesquisa de Pannel de Discinesia Ciliar Primária - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: CCDC103 CCDC39 CCDC40 CCDC65 CCNO CFAP298 CFAP300 DNAAF1 DNAAF11 DNAAF2 DNAAF3 DNAAF4 DNAAF5 DNAAF6 DNAH1 DNAH11 DNAH5 DNAI1 DNAI2 DNAJB13 DNAL1 DRC1 GAS8 HYDIN NME8 ODAD1 ODAD2 ODAD3 ODAD4 RSPH1 RSPH3 RSPH4A RSPH9 SPAG1 ZMYND10 | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 196 | Pesquisa de Pannel de Dislipidemias - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: APOB LDLR LDLRAP1 PCSK9 | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |

| | | | | | | | | | | | | | | | | | |
|-----|---------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|-------|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|-----|
| 197 | Pesquisa de Paineis de Distonias - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ADCY5 ANO3 ARG1 ARSA ATM ATP1A3 ATP7B CACNA1B COL6A3 CP GCDH GCH1 GNAL HPRT1 KCNMA1 KCTD17 MRE11 PANK2 PCNA PLA2G6 PNKD PRKN PRKRA PRRT2 RELN SGCE SLC2A1 SLC6A3 SPR TAF1 TH THAP1 TIMM8A TOR1A TUBB4A WDR45 | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 198 | Pesquisa de Paineis de Distrofias Musculares, Miopatias e Miastenia - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ACTA1 AGRN ANO5 B3GALNT2 B4GAT1 BAG3 BIN1 CAPN3 CAV3 CFL2 CHAT CHKB CHRNA1 CHRNB1 CHRND CHRNE CNTN1 COL6A1 COL6A2 COL6A3 COLQ CPT2 CRYAB DAG1 DES DMD DNAJB6 DNM2 DOK7 DPAGT1 DPM1 DPM3 DYSF EMD FHL1 FKRP FKTN FLNC GAA GFPT1 GMPPB GNE HNRNPA1 HNRNPA2B1 IGHMBP2 ITGA7 KBTBD13 LAMA2 LARGE1 LDB3 LMNA MAGEL2 MATR3 MTM1 MUSK MYH7 MYL2 MYOT NEB ORAI1 PABPN1 PLEC PNPLA2 POMGNT1 POMGNT2 POMK POMT1 POMT2 PYGM RAPSN RXYLT1 RYR1 SELENON SGCA SGCB SGCD SGCG SQSTM1 STIM1 TCAP TGFB1 TIA1 TK2 TNNT1 TPM2 TPM3 TRIM32 TTN VCP VMA21 YARS2 | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 199 | Pesquisa de Paineis de Distúrbios da Função Renal - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: AGXT AQP2 ATP6V0A4 ATP6V1B1 AVPR2 BSND CLCNKA CLCNKB CLDN16 CLDN19 CNNM2 CTNS GLA GRHRP HOGA1 KCNJ1 SCNN1A SCNN1B SCNN1G SLC12A1 SLC12A3 SLC4A4 TRPM6 | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 200 | Pesquisa de Paineis de Doença Policística Renal - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: DNAJB11 DZIP1L GANAB NOTCH2 PKD1 PKD2 PKHD1 | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 201 | Pesquisa de Paineis de Doenças Auto-inflamatórias - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ADAM17 ARPC1B CARD11 CD55 EGFR FOXP3 IL10RA IL10RB IL1RN IL36RN ITCH LPIN2 MEFV MVK NLRC4 NLRP12 NLRP3 NOD2 PLCG2 PSTPIP1 TNFAIP3 TNFRSF1A | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 202 | Pesquisa de Paineis de Doenças da Córnea - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ADAMTS18 AGBL1 ARL2 CFD CHRDL1 CHST6 COL8A2 CRIM1 DCN GRHL2 KERA KRT12 KRT3 LTBP2 NLRP1 OVOL2 PIKFYVE PITX2 PLCB3 PRDM5 PXDN SLC16A12 SLC4A11 TACSTD2 TGFB1 UBIAD1 ZEB1 ZNF469 | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |

| | | | | | | | | | | | | | | | | |
|-----|---------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|-------|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|-----|
| 203 | <p>Pesquisa de Painel de Doenças Mitocondriais (DNA Nuclear e Mitocondrial) - Painel de Doenças Mitocondriais (DNA Nuclear e Mitocondrial) analisa, através da técnica de NGS, genes relacionados à doenças mitocondriais - mínimo de Genes Analisados: AARS2 ACAD9 AIFM1 ATP5F1A ATP5F1E ATPAF2 BCS1L BOLA3 C1QBP CARS2 CHCHD10 COA8 COX10 COX14 COX15 COX20 COX6B1 CYC1 DARS2 DDC DGUOK DNA2 EARS2 ECHS1 ELAC2 FARS2 FASTKD2 FBXL4 FDX2 FDXR FOXRED1 GFER GFM1 GTPBP3 HADHA HADHB IBA57 ISCA1 ISCA2 ISCU LIAS LIPT2 LRPPRC LYRM4 LYRM7 MARS2 MGME1 MICOS13 MPC1 MPV17 MRPL3 MRPL44 MRPS16 MRPS2 MRPS22 MRPS34 MRPS7 MSTO1 MT-ATP6 MT-ATP8 MT-CO1 MT-CO2 MT-CO3 MT-CYB MT-ND1 MT-ND2 MT-ND3 MT-ND4 MT-ND4L MT-ND5 MT-ND6 MT-TA MT-TC MT-TD MT-TE MT-TF MT-TG MT-TH MT-TI MT-TK MT-TL1 MT-TL2 MT-TM MT-TN MT-TP MT-TQ MT-TR MT-TS1 MT-TS2 MT-TV MT-TW MT-TY MTFMT MTO1 MTRFR NARS2 NDUFA1 NDUFA10 NDUFA11 NDUFA12 NDUFA2 NDUFA9 NDUFAF1 NDUFAF2 NDUFAF3 NDUFAF4 NDUFAF5 NDUFAF6 NDUFB3 NDUFB8 NDUFB9 NDUFS1 NDUFS2 NDUFS3 NDUFS4 NDUFS6 NDUFS7 NDUFS8 NDUFV1 NDUFV2 NFU1 NUBPL OPA1 PCK2 PET100 PNPLA8 PNPT1 POLG POLG2 PUS1 RMND1 RNASEH1 RRM2B SCO1 SDHA SDHAF1 SDHD SFXN4 SLC25A26 SLC25A3 SLC25A4 SUCLA2 SUCLG1 SUOX SURF1 TACO1 TANGO2 TARS2 TIMMDC1 TK2 TMEM126B TMEM70 TRIT1 TRMT10C TRMT5 TSFM TTC19 TUFM TWNK TXN2 TYMP UQCC2 UQCC3 UQCRB UQCRC2 UQCRQ VARS2 WARS2 YARS2</p> | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| | <p>Pesquisa de Painel de Doenças Tratáveis - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ABCB11 ABCB4 ABCC8 ABCD1 ABCD4 ABCG5 ABCG8 ACAD8 ACADM ACADVL ACAT1 ADA ADAMTS13 AGL AICDA AK2 AKR1D1 ALAD ALAS2 ALDH7A1 ALDOA ALDOB ALPL AMACR AMT APOA5 APOC2 AQP2 ARG1 ARSA ARSB ASL ASS1 ATP6V0A4 ATP6V1B1 ATP7A ATP7B ATP8B1 AVPR2 BAAT BCKDHA BCKDHB BCKDK BCL10 BLNK BSND BTB BTK CA5A CAD CARD11 CASR CD247 CD320 CD3D CD3E CD3G CD40 CD40LG CD79A CD79B CDCA8 CFTR CIC CIITA CLCNKA CLCNKB CLDN16 CLDN19 CNM2 COL1A1 COL1A2 CORO1A CPOX CPS1 CPT1A CPT2 CTNS CTPS1 CXCR2 CXCR4 CYBA CYBB CYBC1 CYP11B1 CYP11B2 CYP17A1 CYP27A1 CYP27B1 CYP2R1 CYP7A1 CYP7B1 DBT DCLRE1C DDC DGAT1 DHFR DLD DMD DNAJC12 DNAJC21 DOCK2 DUOX2 DUOX2A EFL1 ELANE ETFA ETFB ETFDH ETHE1 F8 F9 FAH FBP1 FCHO1 FECH FGA FLAD1 FOLR1 FOXE1 FOXN1 FOXP3 G6PC1 G6PC3 G6PD GAA GALT GALK1 G6PD GAA GALT GALK1 G6PD GAA GALT GALT GAMT GATA2 GATM GBA GBE1 GBP1 GCDH GCH1 GCK</p> | | | | | | | | | | | | | | | |

| | | | | | | | | | | | | | | | | | |
|-----|------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|-------|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|-----|
| 204 | GCSH GF11 GGCX GJB2 GJB6 GLA GLB1 GLDC GLIS3 GLRA1 GLRB GLUD1 GOT2 GPIHBP1 GUSB GYS1 GYS2 HADH HADHA HADHB HAX1 HBB HCFC1 HESX1 HLCS HMBS HMGCL HMGCS2 HPD HSD3B2 HSD3B7 HYOU1 IDS IDUA IFNGR1 IFNGR2 IGLL1 IGSF1 IKBKB IL12B IL12RB1 IL2RA IL2RG IL7R INS INSR IRF8 IRS4 IVD IYD JAGN1 JAK3 KCNJ1 KCNJ11 LAT LCK LCT LDHA LHX3 LHX4 LIPA LMBRD1 LMF1 LPL MAGT1 MALT1 MAN2B1 MAP3K14 MC2R MCEE MLYCD MMAA MMAB MMACHC MMADHC MMUT MOC51 MPI MPL MPO MRAP MTHFR MTR MTRR MTTP MYD88 MYH9 NAGLU NAGS NCF2 NCF4 NEUROG3 NHEJ1 NKX2-1 NKX2-5 NNT NPC1 NPC2 NR0B1 ORA1 OTC OTX2 OXCT1 PAH PAX8 PC PCBD1 PCCA PCCB PCK1 PDXK PFKM PGAM2 PGM1 PHEX PHGDH PHKA1 PHKA2 PHKB PHKG2 PIK3R1 PLPBP PNP PNPO POU1F1 PPOX PRF1 PRKDC PROP1 PSAT1 PSPH PTPRC PTS PYGL PYGM QDPR RAC2 RAG1 RAG2 RASGRP1 RB1 RFX5 RFXANK RFXAP RORC SBDS SCNN1A SCNN1B SCNN1G SGSH SH2D1A SI SLC12A1 SLC16A1 SLC19A1 SLC19A2 SLC19A3 SLC22A5 SLC25A13 SLC25A15 SLC25A19 SLC25A20 SLC26A3 SLC26A4 SLC26A7 SLC27A5 SLC2A1 SLC2A2 SLC37A4 SLC39A4 SLC46A1 SLC52A2 SLC52A3 SLC5A1 SLC5A5 SLC5A6 SLC6A5 SLC6A6 SLC7A7 SLC7A9 SMN1 SMPD1 SORD SPR SRP54 STAR STAT1 STX11 STXBP2 TANGO2 TAP1 TAP2 TAPBP TAT TBL1X TCN2 TFRC TG TH THAP11 THRA TJP2 TK2 TPK1 TPO TPP1 TRH TRHR TRPM6 TSHB TSHR TTPA TUBB1 UGT1A1 UNC13D UNG UROD UROS USP53 VDR VKORC1 VPS45 WAS WIPF1 XIAP ZAP70 ZNF143 | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 205 | Pesquisa de Pannel de Endocrinopatias Neonatais - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ABCC8 CYP11B1 CYP17A1 DUOXA2 GCK GLIS3 GLUD1 HADH INSR IYD KCNJ11 LHX4 NR0B1 PAX8 POU1F1 PROP1 SLC16A1 SLC2A2 SLC5A5 TG THRA THRB TPO TSHB | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 206 | Pesquisa de Pannel de Epidermólise Bolhosa - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: CAST CD151 CDSN CHST8 COL17A1 COL7A1 CSTA DSP DST EXPH5 FERMT1 FLG2 ITGA3 ITGA6 ITGB4 KLHL24 KRT14 KRT5 LAMA3 LAMB3 LAMC2 MMP1 PLEC SERPINB8 TGM5 | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |

| | | | | | | | | | | | | | | | | | |
|-----|----------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|-------|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|-----|
| 207 | <p>Pesquisa de Pannel de Epilepsias - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes</p> <p>Analísados: AARS1 ACER3 ADAM22 ADGRV1 ADRA2B ADSL AIMP2 ALDH7A1 ALG13 AMT AP3B2 ARHGEF9 ARV1 ARX ASAH1 ATP13A2 ATP1A2 ATP1A3 ATP6V1A ATP7A ATP8A2 BRAF BRAT1 BSCL2 CACNA1A CACNA1D CACNA1E CACNB4 CAMK2A CASK CASR CCDC88A CDK5 CDKL5 CERS1 CHD2 CHRNA2 CHRNA4 CHRN2 CILK1 CLCN2 CLDN5 CLN3 CLN5 CLN6 CLN8 CLTC CNM2 CNPY3 CNTN2 CNTNAP2 CPA6 CPLX1 CSTB CTSD CYFIP2 DCX DDC DEAF1 DENND5A DEPDC5 DHDDS DIAPH1 DIP2A DLAT DNAJC5 DNM1 DOCK7 EEF1A2 EIF2S3 EMX2 EPM2A EXT2 FOLR1 FOXG1 FRRS1L GABBR2 GABRA1 GABRA2 GABRA3 GABRA5 GABRB1 GABRB2 GABRB3 GABRG2 GATM GBA GCSH GLDC GNAO1 GOSR2 GPAA1 GRIA4 GRIN1 GRIN2A GRIN2B GRIN2D GRN HACE1 HCN1 HECW2 HEXA HEXB HNRNP1 IER3IP1 IQSEC2 ITPA KANSL1 KATNB1 KCNA1 KCNA2 KCNB1 KCNC1 KCNJ10 KCNMA1 KCNQ2 KCNQ3 KCNT1 KCNT2 KCTD17 KCTD3 KCTD7 LAMB1 LGI1 LIAS LMNB2 MBD5 MDH2 MECP2 MED17 MEF2C MFSD8 MOCS1 MOCS2 NACC1 NDE1 NECAP1 NHLRC1 NPC1 NPC2 NPRL2 NPRL3 NR4A2 NRXN1 NTRK2 NUS1 OTUD6B PACS2 PAFAH1B1 PCDH12 PCDH19 PDHA1 PDHX PDP1 PIGA PIGC PIGN PIGP PIGT PLAA PLCB1 PLPBP PNKP PNPO POLG POLG2 PPP3CA PPT1 PRDM8 PRICKLE1 PRICKLE2 PRRT2 PTPN23 QARS1 RAB11A RBFOX1 RELN RHOBTB2 ROGDI RORB RPH3A RTN4IP1 RTTN SARS1 SCARB2 SCN1A SCN1B SCN2A SCN3A SCN8A SGCE SHH SIX3 SLC12A5 SLC13A5 SLC25A22 SLC2A1 SLC35A3 SLC45A1 SLC6A1 SLC6A8 SLC6A9 SLC9A6 SMC1A SMS SNAP25 SNIP1 SPATA5 SPTAN1 SRPX2 ST3GAL3 ST3GAL5 STRADA STX1B STXBP1 SUOX SYN1 SYNGAP1 SYNJ1 SZT2 TBC1D24 TBCD TCF4 TMTC3 TPP1 TRIO TSC1 TSC2 TUBA1A UBA5 UBE3A UFC1 UFM1 VARS1 VRK2 WASF1 WDR45B WWOX YWHAG ZEB2</p> | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 208 | <p>Pesquisa de Pannel de Esclerose Tuberosa - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes</p> <p>Analísados: TSC1 TSC2</p> | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 209 | <p>Pesquisa de Pannel de Feocromocitoma e Paraganglioma - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes</p> <p>Analísados: MAX NF1 RET SDHA SDHAF2 SDHB SDHC SDHD TMEM127 VHL</p> | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 210 | <p>Pesquisa de Pannel de Hemocromatose - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes</p> <p>Analísados: CP HAMP HFE HJV SLC40A1 TFR2</p> | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |

| | | | | | | | | | | | | | | | | |
|-----|------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|-------|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|-----|
| 211 | Pesquisa de Pannel de Hemofílias A e B - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: F8 F9 | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 212 | Pesquisa de Pannel de Ictiose e Displasia Ectodérmica - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ABCA12 ABHD5 ALDH3A2 ALOX12B ALOXE3 AP1S1 CDH1 CDH3 CLDN1 COG6 CSTA CYP4F22 DLX3 EDA EDAR EDARADD ELOVL4 ERCC2 FLG GJA1 GJB2 GJB6 GRHL2 HOXC13 HR IFT122 ITPR2 JUP KDF1 KREMEN1 KRT1 KRT10 KRT14 KRT2 KRT74 KRT85 LPIN LORICRIN MBTPS2 MSX1 NECTIN1 NECTIN4 NFKBIA NIPAL4 NLRP1 PKP1 PNPLA1 POMP PRKD1 SLC27A4 SMARCA1 SNAP29 ST14 STS TGM1 TP63 TWIST2 WNT10A | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 213 | Pesquisa de Pannel de Imunodeficiências (Principais Genes) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ADA AICDA BLNK BTK CD247 CD3D CD3E CD3G CD40 CD40LG CD79A CD79B CIITA CYBA CYBB DCLRE1C ELANE FOXP1 FOXP3 G6PC3 GATA2 GFI1 HAX1 IFNGR1 IFNGR2 IGLL1 IL12RB1 IL2RG IL7R JAK3 LRRC8A MAGT1 MPO MYD88 NCF2 NCF4 NHEJ1 ORAI1 PNP PRF1 PTPRC RAC2 RAG1 RAG2 RFX5 RFXANK RFXAP SH2D1A STAT1 STX11 STXBP2 TAP1 TAP2 TAPBP UNC13D UNG WAS WIPF1 XIAP | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| | Pesquisa de Pannel de Imunodeficiências e Doenças Imunológicas (Completo) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: A2ML1 ABCD4 ACD ACP5 ADA ADA2 ADAM17 ADNP AGA AICDA AIRE AK2 ALG1 ALG12 AP3B1 ARPC1B ATM B2M BCL10 BCL11B BLM BLNK BRCA1 BRCA2 BRIP1 BTK BUB1B C1QA C1QB C1QC C1R C1S C2 C3 C5 C6 C7 C8A C8B CARD11 CARD9 CASP10 CASP8 CAVIN1 CCBE1 CCDC103 CCDC39 CCDC40 CCDC65 CCNO CD19 CD247 CD27 CD3D CD3E CD3G CD40 CD40LG CD55 CD59 CD79A CD79B CD81 CD8A CDCA7 CDSN CEBPE CFAP298 CFAP300 CFAP418 CFB CFD CFH CFI CFP CHAMP1 CHD1 CHD7 CIITA CLEC7A CLPB COG6 COG7 CORO1A CPN1 CR2 CREBBP CRIPT CSF3R CTC1 CTLA4 CTPS1 CXCR4 CYBA CYBB DCLRE1C DEAF1 DHFR DKC1 DNAAF1 DNAAF11 DNAAF2 DNAAF3 DNAAF4 DNAAF5 DNAAF6 DNAH1 DNAH11 DNAH5 DNAI1 DNAI2 DNAJC21 DNAL1 DNASE1L3 DNMT3B DOCK2 DOCK8 DRC1 DSG1 EFL1 EGFR ELANE ELP1 EPG5 ERCC2 ERCC4 ERCC6L2 ETV6 EXTL3 F12 FADD FANCA FANCB FANCC FANCD2 FANCE FANCF FANCG FANCI FANCL FANCM FAS FASLG FAT4 FBXL4 FCGR3A FCN3 FERMT3 FMO3 FOXP1 FOXP3 G6PC3 GALNS GAS8 GATA1 GATA2 | | | | | | | | | | | | | | | |

| | | | | | | | | | | | | | | | | |
|-----|---------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|-------|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|-----|
| 214 | GF11 GSS GTF2H5 HAX1 HELLS HGSNAT HTR1A HYDIN ICOS IFIH1 IFNGR1 IFNGR2 IGHM IGKC IGLL1 IKBKB IKZF1 IL10RA IL10RB IL12B IL12RB1 IL17F IL17RA IL17RC IL1RN IL21 IL21R IL2RA IL2RG IL36RN IL7R IRAK4 IRF2BP2 IRF7 IRF8 ISG15 ITCH ITGB2 ITK IVD JAGN1 JAK3 KMT2D KRAS LAMTOR2 LAT LCK LEP LIG4 LPIN2 LRBA LRRRC8A LYST MAD2L2 MAGT1 MALT1 MAN2B1 MANBA MC2R MCM4 MEFV MGP MMAA MMAB MMACHC MMUT MOGS MPL MPO MS4A1 MSN MTHFD1 MVK MYD88 NBN NCF2 NCF4 NFASC NFE2L2 NFKB1 NFKB2 NFKBIA NGF NHEJ1 NHP2 NLR4 NLRP12 NLRP3 NME8 NOD2 NOP10 NRAS NSMCE3 ODAD1 ODAD2 ODAD3 ODAD4 ORAI1 OXCT1 PALB2 PARN PCCA PCCB PEPD PGM3 PIK3CD PIK3R1 PLCG2 PMM2 PNP POLA1 POLE PPP1R21 PRF1 PRKCD PRKDC PSTPIP1 PTPRC RAB27A RAC2 RAD50 RAD51 RAD51C RAG1 RAG2 RASGRP1 RBCK1 RBM8A RELB RFWD3 RFX5 RFXANK RFXAP RNF113A RNF168 RNF31 RORC RPL11 RPL15 RPL18 RPL26 RPL35A RPL5 RPS10 RPS17 RPS19 RPS24 RPS26 RPS28 RPS29 RPS7 RPSA RSPH1 RSPH3 RSPH4A RSPH9 RTEL1 SAMD9 SAMD9L SAMHD1 SBDS SCNN1B SCNN1G SDCCAG8 SEMA3E SERAC1 SERPING1 SGPL1 SH2D1A SKIV2L SLC35A1 SLC35A2 SLC35C1 SLC37A4 SLC39A4 SLC39A8 SLC46A1 SLK SLX4 SMARCAL1 SMARCD2 SNAI2 SP110 SPAG1 SPATA5 SPINK5 SRP72 STAT1 STAT2 STAT3 STAT5B STIM1 STING1 STK4 STN1 STX11 STXBP2 TAF11ZIN TALDO1 TAP1 TAP2 TAPBP TBCE TBX1 TBXAS1 TCN2 TERT TFRC TGFB3 TINF2 TNFAIP3 TNFRSF13B TNFRSF13C TNFRSF1A TPI1 TRAC TRAF3IP2 TRNT1 TRPS1 TSR2 TTC37 TTC7A TYK2 UBE2T UMPS UNC119 UNC13D UNG USB1 VIPAS39 VPS13B VPS33B VPS45 WAS WIPF1 WRAP53 XIAP XRCC2 ZAP70 ZBTB24 ZMYND10 | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 215 | ZMYND10 Pesquisa de Pannel de Infertilidade Masculina - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: AK7 ARMC2 AURKC CATSPER1 CATSPER2 CDC14A CEP19 CFAP251 CFAP43 CFAP44 CFAP69 CFTR DNAH1 DNAH6 DPY19L2 FANCM FSIP2 KLHL10 MEIOB NANOS1 NR5A1 PMFBP1 QRICH2 SLC26A8 SOHLH1 SOX8 SPATA16 SPINK2 SUN5 SYCP3 TDRD9 TEX11 TEX14 TEX15 TSGA10 USP9Y XRCC2 | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |

| | | | | | | | | | | | | | | | | |
|-----|--------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|-------|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|-----|
| 216 | Pesquisa de Pannel de Leucodistrofias - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: AARS2 ABCD1 ACOX1 ADAR AIMP1 ALDH3A2 ARSA ASPA ATP7A ATP7B ATPAF2 BCAP31 BCS1L CLCN2 COL4A1 COQ2 COQ8A COQ9 COX10 COX15 CSF1R CYP27A1 CYP2U1 CYP7B1 D2HGDH DARS1 DARS2 DGUOK EARS2 EIF2B1 EIF2B2 EIF2B3 EIF2B4 EIF2B5 ERCC2 ERCC3 ERCC6 ERCC8 ETFDH FA2H FAM126A FUCA1 GALT GBE1 GFAP GFM1 GJA1 GJC2 GLA GLB1 GM2A GTF2H5 HEPACAM HEXA HEXB HSD17B4 HSPD1 HTRA1 L2HGDH LAMA2 LMNB1 MCOLN1 MLC1 MPLKIP MRPS16 MTFMT NDUFAF1 NDUFS1 NDUFS2 NDUFS4 NDUFS7 NDUFS8 NDUFV1 NOTCH3 NPC1 NPC2 OCLN OCRL PEX1 PEX10 PEX11B PEX12 PEX13 PEX14 PEX16 PEX19 PEX2 PEX26 PEX3 PEX5 PEX6 PEX7 PHGDH PHYH PLP1 POLG POLG2 POLR3A POLR3B PPT1 PRF1 PSAP PSAT1 RNASEH2A RNASEH2B RNASEH2C RNASEH2B SAMHD1 SCO1 SCP2 SDHA SDHAF1 SDHB SLC16A2 SLC17A5 SLC25A1 SLC25A12 SLC25A4 SOX10 SPART SPAST SPG11 SPG21 SPG7 STX11 STXBP2 SUCLA2 SUMF1 SURF1 TACO1 TREX1 TUBB4A TUFM TWNK TYMP TYROBP UNC13D ZFYVE26 | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
|-----|--------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|-------|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|-----|

| | | | | | | | | | | | | | | | | |
|-----|-----------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|-------|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|-----|
| 217 | <p>Pesquisa de Pannel de Miocardiopatias - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: AARS2 ABCC6 ABCC9 ACAD8 ACAD9 ACADVL ACTA1 ACTC1 ACTN2 ADCY5 AGK AGL AHCY ALG1 ALG12 ALMS1 ALPK3 ANK2 ANKS6 ARSB ATAD3A ATP5F1E ATPAF2 BAG3 BCS1L BMP2 BOLA3 BRAF BSC1L C1QBP C1QTNF5 CACNA1C CACNB2 CALM1 CALM2 CALM3 CALR3 CAP2 CASQ2 CAV3 CAVIN1 CENPE CEP19 CHKB CLIC2 CLN3 COA5 COA6 COA8 COQ2 COQ4 COX10 COX14 COX15 COX20 COX6B1 COX7B CPT1A CPT2 CRYAB CSRP3 CTNNA3 D2HGDH DCAF8 DES DIP2A DLD DMD DNAJC19 DOLK DPM3 DPP6 DSC2 DSG2 DSP DTNA ECHS1 ELAC2 EMD EPG5 ERBB3 EYA4 FAH FASTKD2 FBXL4 FHL1 FHOD3 FIG4 FKRP FKTN FLAD1 FLNC FNIP1 FOXRED1 FTO FUCA1 FXN GAA GATAD1 GBE1 GJA5 GLA GLB1 GMPPB GNAI2 GNB5 GNPTAB GNS GPC3 GPD1L GSN GTPBP3 GYS1 HADH HADHA HADHB HCCS HCN4 HGSNAT HPS1 HRAS HSD17B10 IDH2 IDUA ITPA JPH2 JUP KCNA5 KCND3 KCNE2 KCNE3 KCNH1 KCNH2 KCNJ2 KCNJ5 KCNQ1 KIF20A LAMA4 LAMP2 LDB3 LIAS LMNA MAP2K1 MAP2K2 MCCC2 MCM10 MGME1 MIB1 MLYCD MMUT MRPL3 MRPL44 MRPS22 MRPS7 MT-TI MTFMT MTO1 MYBPC3 MYH6 MYH7 MYL2 MYL3 MYL4 MYLK2 MYO6 MYOT MYOZ2 MYPN NAGLU NDUFA1 NDUFA10 NDUFA11 NDUFA12 NDUFA2 NDUFA6 NDUFA9 NDUFAF1 NDUFAF2 NDUFAF3 NDUFAF4 NDUFAF5 NDUFAF6 NDUFB10 NDUFB11 NDUFB3 NDUFB8 NDUFB9 NDUF51 NDUF52 NDUF53 NDUF54 NDUF56 NDUF57 NDUF58 NDUFV1 NDUFV2 NEU1 NEXN NKX2-5 NONO NPPA NRAP NUBPL NUP155 PAM16 PCCA PCCB PET100 PGM1 PHYH PIGT PKP2 PLEKHM2 PLN PMM2 PNPLA2 POLG POMT1 PPCS PPP1R13L PRDM16 PRG4 PRKAG2 PRKARIA PSEN1 PSEN2 PSMB4 PSMB8 PSMB9 RAB3GAP2 RAF1 RBCK1 RBM20 RIT1 RMND1 RPL3L Rragd RYR2 SCN1B SCN2B SCN3B SCN5A SCO1 SCO2 SDHA SDHAF1 SDHD SELENON SGCA SGCB SGCD SGCG SGSH SHMT2 SHOC2 SLC19A2 SLC22A5 SLC25A20 SLC25A26 SLC25A3 SLC25A4 SLC30A5 SLC6A6 SOD2 SOS1 SPEG SURF1 SYNE1 SYNE2 TACO1 TAF1A TFAZZIN TANGO2 TAPT1 TBX1 TBX3 TBX5 TCAP TECRL TF TGFB3 TIMMDC1 TMEM126A TMEM126B TMEM43 TMEM70 TNNC1 TNNI3 TNNI3K TNNT2 TOP3A TOR1AIP1 TPM1 TPM3 TRDN TRIT1 TRMT5 TRNT1 TRPM7 TSC1 TSFM TTN TTR TWNK UBR1 UQCERS1 VCL VPS33A WFS1 XK XPNPEP3 YARS2</p> | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
|-----|-----------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|-------|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|-----|

| | | | | | | | | | | | | | | | | | |
|-----|------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|-------|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|-----|
| 218 | Pesquisa de Pannel de Neoplasias Endócrinas - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: APC ATM BAP1 BARD1 BLM BMPR1A BRCA1 BRCA2 BRIP1 CDH1 CDK4 CDKN2A CHEK2 DICER1 EGFR EPCAM FANCC FANCM FH FLCN IPMK MEN1 MET MLH1 MSH2 MSH6 MUTYH NBN NTHL1 PALB2 PMS2 POLD1 POLE PTEN RAD51C RAD51D RECQL RET STK11 TP53 VHL | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 219 | Pesquisa de Pannel de Neurofibromatose - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: NF1 NF2 SPRED1 | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 220 | Pesquisa de Pannel de Neuropatias - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: AAAS AARS1 ABHD12 AIFM1 AP1S1 ATL1 ATL3 ATP1A1 ATP7A BSCL2 CCT5 COA7 COX6A1 CTDP1 DCAF8 DHH DHTKD1 DMXL2 DNAJB2 DNM2 DNMT1 DST DYNC1H1 EGR2 ELP1 EXOC4 FBLN5 FGD4 FIG4 GAN GARS1 GBE1 GDAP1 GJB1 GNB4 GSN HARS1 HINT1 HK1 HSPB1 HSPB8 IARS2 IGHMBP2 INF2 JPH1 KARS1 KIF1A KIF1B KLC2 LITAF LMNA LRSAM1 MARS1 MCM3AP MED25 MFN2 MORC2 MPZ MTMR2 MTRFR MYH14 NAGLU NDRG1 NEFH NEFL NGF OPA1 PDK3 PLEKHG5 PMP22 POLG PRDM12 PRPS1 PRX RAB7A RETREG1 RNF170 SBF1 SBF2 SCN10A SCN11A SCN9A SCO2 SCP2 SH3TC2 SIGMAR1 SLC12A6 SLC25A46 SNAP29 SOX10 SPG11 SPTBN4 SPTLC1 SPTLC2 SURF1 TBCE TDP1 TFG TRIM2 TRPV4 TTR VCP WNK1 YARS1 | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 221 | Pesquisa de Pannel de Pancreatites - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: APOA5 APOC2 CFTR CTSC GPIHBP1 LMF1 LPL PRSS1 SPINK1 | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 222 | Pesquisa de Pannel de Paraplegias Espásticas e Esclerose Lateral Amiotrófica - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ABCD1 ALS2 ANG AP4B1 AP4E1 AP4M1 AP4S1 AP5Z1 ARG1 ATL1 BSCL2 CHMP2B CYP7B1 DYNC1H1 ERBB4 ERLIN2 FA2H FIG4 FUS GARS1 GJC2 HSPB1 HSPB8 HSPD1 IGHMBP2 KIF1A KIF5A L1CAM MATR3 MTRFR NEK1 NIPA1 OPTN PARK7 PFN1 PLP1 PNPLA6 REEP1 RNF170 RTN2 SACS SETX SIGMAR1 SLC33A1 SOD1 SPART SPAST SPG11 SPG21 SPG7 SQSTM1 TARDBP TBK1 TP73 TRPV4 UBQLN2 VAPB VCP WASHC5 ZFYVE26 | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |

| | | | | | | | | | | | | | | | | | |
|-----|----------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|-------|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|-----|
| 223 | <p>Pesquisa de Pannel de Retinopatias Hereditárias - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - minimo de Genes Analisados: ABCA4 ABCB5 ABCC6 ABCD1 ABHD12 ACO2 ADAM9 ADGRV1 AGBL5 AHI1 AHR AIPL1 ALMS1 ALPK1 AMACR ARFGAP2 ARHGEF18 ARL13B ARL2BP ARL6 ARSG ASRGL1 ATF6 B9D1 B9D2 BBIP1 BBS1 BBS10 BBS12 BBS2 BBS4 BBS5 BBS7 BBS9 BEST1 C1QTNF5 CA4 CABP4 CACNA1F CACNA2D4 CASK CC2D2A CDH23 CDH3 CDHR1 CEP250 CEP290 CEP41 CEP78 CERKL CFAP410 CFH CHM C1SD2 CLCC1 CLN3 CLN5 CLN6 CLN8 CLRN1 CNGA1 CNGA3 CNGB1 CNGB3 CNM4 COL18A1 COL9A3 CPLANE1 CRB1 CROCC CRX CTNNA1 CTSD CWC27 CYP4V2 DHDHS DHX38 DNAJC17 DNAJC5 DYNC2H1 EFEMP1 ELOVL4 ESPN EXOSC2 EYS FAM161A FLVCR1 FRMD7 FSCN2 FZD4 GDF6 GJB2 GJB6 GNAT1 GNAT2 GNPTG GPR143 GPR179 GRK1 GRM6 GRN GUCA1A GUCA1B GUCY2D HGSNAT HK1 HMCN1 HMX1 IDH3A IDH3B IFT140 IFT172 IFT27 IFT43 IGFBP7 IMPDH1 IMPG1 IMPG2 INPP5E IQCB1 IRX5 ITM2B KCNJ13 KCNV2 KCTD7 KIAA1549 KIF3B KIF7 KIZ KLHL7 LAMA1 LCA5 LRAT LRIT3 LRP5 LZTFL1 MAK MAPKAPK3 MERTK MFN2 MFRP MFS8 MIR204 MKKS MKS1 MMACHC MVK MYO7A NDP NEK2 NEUROD1 NMNAT1 NPHP1 NPHP3 NPHP4 NR2E3 NR2F1 NRL NYX OAT OFD1 OPA1 OPA3 OPN1LW OTX2 PANK2 PAX6 PCARE PCDH15 PDE6A PDE6B PDE6C PDE6G PDE6H PDZD7 PEX1 PEX10 PEX11B PEX12 PEX13 PEX14 PEX16 PEX19 PEX2 PEX26 PEX3 PEX5 PEX6 PEX7 PHYH PITPNM3 PNPLA6 POC5 PPP2R3C PPP2R5E PPT1 PRCD PROM1 PRPF3 PRPF31 PRPF4 PRPF6 PRPF8 PRPH2 PRPS1 RAB28 RAX2 RBP3 RBP4 RCBTB1 RD3 RDH11 RDH12 RDH5 REEP6 RGR RGS9 RGS9BP RHO RIMS1 RLBPI ROM1 RP1 RP1L1 RP2 RP9 RPE65 RPGR RPGRIP1 RPGRIP1L RS1 SAG SCAPER SDCCAG8 SEMA4A SIX6 SLC24A1 SLC6A6 SLC7A14 SNRNP200 SPATA7 STX3 TCTN1 TCTN2 TEAD1 TIMM8A TIMP3 TLCD3B TMEM126A TMEM138 TMEM216 TMEM237 TMEM67 TOPORS TPP1 TRAPPC3 TREX1 TRIM32 TRPM1 TSPAN12 TTC21B TTC8 TUB TUBGCP4 TUBGCP6 TULP1 TYR UNC119 USH1C USH1G USH2A VPS13B WDPCP WDR19 WFS1 WHRN ZNF408 ZNF513</p> | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 224 | <p>Pesquisa de Pannel de Síndrome Hemolítica-Urêmica - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - minimo de Genes Analisados: C3 CD46 CFB CFH CFI THBD</p> | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |

| | | | | | | | | | | | | | | | | | |
|-----|------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|-------|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|-----|
| 225 | Pesquisa de Pannel de Síndrome Nefrótica - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ACTN4 ADGRE1 ARHGAP24 ARHGDIA ARHGEF17 AVIL CD2AP COL4A3 COL4A4 COL4A5 COQ2 COQ6 COQ8B DGKE EMP2 FN1 IFIH1 IL36G INF2 ITGA3 KANK1 KANK2 LAMB2 LMX1B MAGI2 MYH9 MYO1E NPHS1 NPHS2 NUP107 NUP133 NUP160 NUP205 NUP85 NUP93 PAX2 PDSS2 PLCE1 PMM2 PTPRO SCARB2 SGPL1 SLC17A5 SMARCAL1 TBC1D8B TRPC6 WNK4 WT1 XPO5 | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 226 | Pesquisa de Pannel de Surdez (GJB2/GJB6) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: GJB2 GJB6 | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 227 | Pesquisa de Pannel de Surdez Hereditária (Expandido) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ACTB ACTG1 ADGRV1 ATP6V0A4 ATP6V1B1 BCS1L BSND CATSPER2 CCDC50 CDH23 CEACAM16 CEMIP CLDN14 CLRN1 COCH COL11A2 COL9A2 COL9A3 CRYM DIAPH1 DSPP ECE1 EDNRA EDNRB ERCC2 ERCC3 ESPN ESRRB EYA4 FAS FGF3 FGFR3 GATA3 GIPC3 GJA1 GJB1 GJB2 GJB3 GJB4 GJB6 GPSM2 GRHL2 GRXCR1 GSDME HGF ILDR1 JAG1 KCNJ10 KCNQ1 KCNQ4 LHFPL5 LHX3 LOXHD1 MARVELD2 MITF MSRB3 MTAP MYH14 MYH9 MYO15A MYO3A MYO6 MYO7A MYOC NDP NR2F1 OTOA OTOF PAX3 PCDH15 PDZD7 PJVK PMP22 POU3F4 POU4F3 PRPS1 PTPRQ RDX SERPINB6 SIX1 SIX5 SLC17A8 SLC26A4 SLC26A5 SLC4A11 SMPX SNAI2 SOX2 SPINK5 STRC TBL1X TECTA TIMM8A TJP2 TMC1 TMIE TMPRSS3 TPRN TRIOBP USH1C USH1G USH2A WFS1 WHRN | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 228 | Pesquisa de Pannel de Trombofilias - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ADAMTS13 F2 F5 PROC PROS1 SERPINC1 TAP2 TAPBP UNC13D UNG WAS WIPF1 XIAP | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |

| | | | | | | | | | | | | | | | | | |
|-----|----------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|-------|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|-----|
| 229 | Pesquisa de Paineis Distúrbios do Neurodesenvolvimento e do Movimento - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: AARS2 ABAT ACAD9 ACTL6B ADCY5 ALDH5A1 ALDH7A1 ALG13 AMACR AP3B2 ARHGEF9 ARX ATP1A2 ATP1A3 ATP7A ATP7B ATP8A2 BCAP31 CACNA1A CACNA1B CDKL5 COQ4 COQ7 COQ9 COX20 COX6B1 CPT1A CTDPI DDC DDX3X DEAF1 DGUOK DHDDS DHX30 DMD DNAJC12 FBXL4 FOLR1 FOXG1 FRRS1L GABRA1 GABRA2 GABRB3 GABRG2 GAMT GATM GBA GCDH GCH1 GNAO1 GNB2 GRIA4 GRIN1 GRIN2B GRIN2D HADHB HMBS HPRT1 IQSEC2 IREB2 IRF2BPL KCNA2 KCNMA1 KCNT1 KCNT2 MAN2B1 MCOLN1 MECP2 MEF2C MGME1 MPV17 NACCI NGLY1 NKX2-1 NPC1 NPC2 PCBD1 PDE10A PDE2A PGM1 PLPBP PNKD PNPO POLG POLG2 PRRT2 PTS PURA QDPR RRM2B SDHA SLC13A5 SLC16A2 SLC18A2 SLC1A2 SLC25A3 SLC25A4 SLC25A42 SLC2A1 SLC30A10 SLC6A1 SLC6A3 SPR SPTAN1 SUCLA2 SUCLG1 SYT1 TBC1D24 TBL1XR1 TEO2 TH TPP1 TWNK TYMP UBA5 VAMP2 WARS2 WDR45 WWOX ZNF142 ZSWIM6 | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
|-----|----------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|-------|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|-----|

| | |
|-----|------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|
| 230 | Pesquisa de PaineL DNAmplO (Doenças Neuromusculares) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - minimo de Genes Analisados: AARS2 ABHD5 ACAD9 ACADM ACADVL ACTA1 ACTN2 ADGRG6 ADSS1 AGK AGL AGRN ALDOA ALG14 ALG2 AMACR AMPD1 ANO5 ASAH1 ASCC1 ATAD1 ATP2A1 ATP7A ATP7B ATPAF2 B3GALNT2 B4GAT1 BAG3 BCS1L BICD2 BIN1 BVES C1QBP CACNA1S CAPN3 CASQ1 CAV3 CCDC78 CFL2 CHAT CHCHD10 CHKB CHRNA1 CHRNBI CHRND CHRNE CLCN1 CLHC1 CNTN1 COA5 COA6 COL12A1 COL13A1 COL6A1 COL6A2 COL6A3 COL9A3 COLQ COQ2 COQ4 COQ7 COQ8A COQ9 COX15 COX20 COX6B1 CPNE6 CPT1A CPT2 CRPPA CRYAB CTDP1 DAG1 DDC DES DGUOK DMD DNA2 DNAJB2 DNAJB4 DNAJB6 DNAJB7 DNM2 DOK7 DPAGT1 DPM1 DPM2 DPM3 DYNC1H1 DYSF EMD ENO3 ETFA ETFB ETFDH FAM111B FBXL4 FDX2 FHL1 FKBP14 FKRP FKTN FLAD1 FLNC FXR1 GAA GATM GBE1 GFER GFPT1 GGPS1 GMPPB GNE GOSR2 GYG1 GYS1 HACD1 HADH HADHA HADHB HNRNPA1 HNRNPA2B1 HNRNPD1 HSPB8 IGHMBP2 INPP5K ISC ITGA7 JAG2 KBTBD13 KCND2 KCNJ2 KIF22 KLHL40 KLHL41 KLHL9 KY LAMA2 LAMA5 LAMB2 LAMP2 LARGE1 LDB3 LDHA LIMS2 LMNA LMOD3 LPIN1 LRP4 MAGEL2 MAN2B1 MAP3K20 MATR3 MCOLN1 MEGF10 MGME1 MICU1 MLIP MPV17 MRPS34 MSTO1 MTM1 MUSK MYBPC1 MYF6 MYH2 MYH3 MYH7 MYL1 MYL2 MYMK MYO18B MYO9A MYOD1 MYOT MYPN NDUFS4 NEB NSUN3 OPA1 OPA3 ORAI1 PAX7 PDSS1 PDSS2 PFKM PGAM2 PGK1 PGM1 PHKA1 PHKB PLEC PLEKHG5 PNPLA2 PNPLA8 POGLUT1 POLG POLG2 POMGNT1 POMGNT2 POMK POMT1 POMT2 POPDC3 PPP2R3C PREPL PUS1 PYGL PYGM PYROXD1 RAPS1 RBCK1 RBM7 RNASEH1 RRM2B RXYLT1 RYR1 RYR3 SCN4A SDHA SELENON SGCA SGCB SGCD SGCG SIGMAR1 SIL1 SLC18A3 SLC22A5 SLC25A1 SLC25A2 SLC25A3 SLC25A4 SLC25A5 SLC25A6 SLC25A7 SLC25A8 SLC25A9 SLC25A10 SLC25A11 SLC25A12 SLC25A13 SLC25A14 SLC25A15 SLC25A16 SLC25A17 SLC25A18 SLC25A19 SLC25A20 SLC25A21 SLC25A22 SLC25A23 SLC25A24 SLC25A25 SLC25A26 SLC25A27 SLC25A28 SLC25A29 SLC25A30 SLC25A31 SLC25A32 SLC25A33 SLC25A34 SLC25A35 SLC25A36 SLC25A37 SLC25A38 SLC25A39 SLC25A40 SLC25A41 SLC25A42 SLC25A43 SLC25A44 SLC25A45 SLC25A46 SLC25A47 SLC25A48 SLC25A49 SLC25A50 SLC25A51 SLC25A52 SLC25A53 SLC25A54 SLC25A55 SLC25A56 SLC25A57 SLC25A58 SLC25A59 SLC25A60 SLC25A61 SLC25A62 SLC25A63 SLC25A64 SLC25A65 SLC25A66 SLC25A67 SLC25A68 SLC25A69 SLC25A70 SLC25A71 SLC25A72 SLC25A73 SLC25A74 SLC25A75 SLC25A76 SLC25A77 SLC25A78 SLC25A79 SLC25A80 SLC25A81 SLC25A82 SLC25A83 SLC25A84 SLC25A85 SLC25A86 SLC25A87 SLC25A88 SLC25A89 SLC25A90 SLC25A91 SLC25A92 SLC25A93 SLC25A94 SLC25A95 SLC25A96 SLC25A97 SLC25A98 SLC25A99 SLC25A100 SLC25A101 SLC25A102 SLC25A103 SLC25A104 SLC25A105 SLC25A106 SLC25A107 SLC25A108 SLC25A109 SLC25A110 SLC25A111 SLC25A112 SLC25A113 SLC25A114 SLC25A115 SLC25A116 SLC25A117 SLC25A118 SLC25A119 SLC25A120 SLC25A121 SLC25A122 SLC25A123 SLC25A124 SLC25A125 SLC25A126 SLC25A127 SLC25A128 SLC25A129 SLC25A130 SLC25A131 SLC25A132 SLC25A133 SLC25A134 SLC25A135 SLC25A136 SLC25A137 SLC25A138 SLC25A139 SLC25A140 SLC25A141 SLC25A142 SLC25A143 SLC25A144 SLC25A145 SLC25A146 SLC25A147 SLC25A148 SLC25A149 SLC25A150 SLC25A151 SLC25A152 SLC25A153 SLC25A154 SLC25A155 SLC25A156 SLC25A157 SLC25A158 SLC25A159 SLC25A160 SLC25A161 SLC25A162 SLC25A163 SLC25A164 SLC25A165 SLC25A166 SLC25A167 SLC25A168 SLC25A169 SLC25A170 SLC25A171 SLC25A172 SLC25A173 SLC25A174 SLC25A175 SLC25A176 SLC25A177 SLC25A178 SLC25A179 SLC25A180 SLC25A181 SLC25A182 SLC25A183 SLC25A184 SLC25A185 SLC25A186 SLC25A187 SLC25A188 SLC25A189 SLC25A190 SLC25A191 SLC25A192 SLC25A193 SLC25A194 SLC25A195 SLC25A196 SLC25A197 SLC25A198 SLC25A199 SLC25A200 SLC25A201 SLC25A202 SLC25A203 SLC25A204 SLC25A205 SLC25A206 SLC25A207 SLC25A208 SLC25A209 SLC25A210 SLC25A211 SLC25A212 SLC25A213 SLC25A214 SLC25A215 SLC25A216 SLC25A217 SLC25A218 SLC25A219 SLC25A220 SLC25A221 SLC25A222 SLC25A223 SLC25A224 SLC25A225 SLC25A226 SLC25A227 SLC25A228 SLC25A229 SLC25A230 SLC25A231 SLC25A232 SLC25A233 SLC25A234 SLC25A235 SLC25A236 SLC25A237 SLC25A238 SLC25A239 SLC25A240 SLC25A241 SLC25A242 SLC25A243 SLC25A244 SLC25A245 SLC25A246 SLC25A247 SLC25A248 SLC25A249 SLC25A250 SLC25A251 SLC25A252 SLC25A253 SLC25A254 SLC25A255 SLC25A256 SLC25A257 SLC25A258 SLC25A259 SLC25A260 SLC25A261 SLC25A262 SLC25A263 SLC25A264 SLC25A265 SLC25A266 SLC25A267 SLC25A268 SLC25A269 SLC25A270 SLC25A271 SLC25A272 SLC25A273 SLC25A274 SLC25A275 SLC25A276 SLC25A277 SLC25A278 SLC25A279 SLC25A280 SLC25A281 SLC25A282 SLC25A283 SLC25A284 SLC25A285 SLC25A286 SLC25A287 SLC25A288 SLC25A289 SLC25A290 SLC25A291 SLC25A292 SLC25A293 SLC25A294 SLC25A295 SLC25A296 SLC25A297 SLC25A298 SLC25A299 SLC25A300 SLC25A301 SLC25A302 SLC25A303 SLC25A304 SLC25A305 SLC25A306 SLC25A307 SLC25A308 SLC25A309 SLC25A310 SLC25A311 SLC25A312 SLC25A313 SLC25A314 SLC25A315 SLC25A316 SLC25A317 SLC25A318 SLC25A319 SLC25A320 SLC25A321 SLC25A322 SLC25A323 SLC25A324 SLC25A325 SLC25A326 SLC25A327 SLC25A328 SLC25A329 SLC25A330 SLC25A331 SLC25A332 SLC25A333 SLC25A334 SLC25A335 SLC25A336 SLC25A337 SLC25A338 SLC25A339 SLC25A340 SLC25A341 SLC25A342 SLC25A343 SLC25A344 SLC25A345 SLC25A346 SLC25A347 SLC25A348 SLC25A349 SLC25A350 SLC25A351 SLC25A352 SLC25A353 SLC25A354 SLC25A355 SLC25A356 SLC25A357 SLC25A358 SLC25A359 SLC25A360 SLC25A361 SLC25A362 SLC25A363 SLC25A364 SLC25A365 SLC25A366 SLC25A367 SLC25A368 SLC25A369 SLC25A370 SLC25A371 SLC25A372 SLC25A373 SLC25A374 SLC25A375 SLC25A376 SLC25A377 SLC25A378 SLC25A379 SLC25A380 SLC25A381 SLC25A382 SLC25A383 SLC25A384 SLC25A385 SLC25A386 SLC25A387 SLC25A388 SLC25A389 SLC25A390 SLC25A391 SLC25A392 SLC25A393 SLC25A394 SLC25A395 SLC25A396 SLC25A397 SLC25A398 SLC25A399 SLC25A400 SLC25A401 SLC25A402 SLC25A403 SLC25A404 SLC25A405 SLC25A406 SLC25A407 SLC25A408 SLC25A409 SLC25A410 SLC25A411 SLC25A412 SLC25A413 SLC25A414 SLC25A415 SLC25A416 SLC25A417 SLC25A418 SLC25A419 SLC25A420 SLC25A421 SLC25A422 SLC25A423 SLC25A424 SLC25A425 SLC25A4 |
|-----|------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|

| | | | | | | | | | | | | | | | | | |
|-----|--------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|-------|---|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|-----|-----|
| 232 | Pesquisa de Painel Expandido de Melanoma e Câncer de Pele - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ACD ATM BAP1 BARD1 BLM BRCA1 BRCA2 BRIP1 CDK4 CDKN2A CHEK2 CYLD DDB2 EPCAM ERCC2 ERCC3 ERCC4 ERCC5 ERCC6 FH FLCN GLMN MBD4 MLH1 MSH2 MSH6 PALB2 PMS2 POLD1 POLE POLH POT1 PTCH1 RAD51C RAD51D RECQL RSP01 TERF2IP TGFBR1 TMC6 TMC8 TP53 XPA XPC | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 233 | Pesquisa de Painel Expandido de Neoplasias Endócrinas - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: AIP AKT1 APC ARMC5 ATM BAP1 BARD1 BLM BMPR1A BRCA1 BRCA2 BRIP1 CDH1 CDH23 CDK4 CDKN1B CDKN2A CHEK2 DICER1 EGFR EPCAM FANCC FANCM FH FLCN GPR101 IPMK KIF1B MAX MEN1 MET MLH1 MSH2 MSH6 MUTYH NBN NTHL1 PALB2 PMS2 POLD1 POLE PRKAR1A PTEN RAD51C RAD51D RECQL RET SDHA SDHAF2 SDHB SDHC SDHD SEC23B SMARCA4 STK11 TMEM127 TP53 VHL | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 234 | Pesquisa de Painel para Síndrome de Marfan e Doenças Correlatas - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ACTA2 ADAMTS2 ADAMTSL4 AEBP1 ALDH18A1 ATP6V0A2 ATP6V1A ATP6V1E1 ATP7A B3GALT6 B3GAT3 B4GALT7 BGN CHST14 COL11A1 COL11A2 COL1A1 COL1A2 COL2A1 COL3A1 COL5A1 COL5A2 COL9A1 COL9A2 EFEMP2 ELN FBLN5 FBN1 FBN2 FKBP14 FLNA FOXE3 GORAB GZF1 HRAS KIF22 LOX LTBP2 LTBP3 LTBP4 MFAP5 MYH11 MYLK PIK3R1 PLOD1 PPP1CB PRKG1 PYCR1 RIN2 ROBO4 SKI SLC2A10 SLC39A13 SMAD3 SMAD6 TGFBR2 TGFBR3 TGFBR1 TGFBR2 TNXB | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 235 | PESQUISA DE REARRANJO PML/RARA na LMA M3; PML-RAR t(15,17) | EXAME | 0 | 10 | 5 | 3 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 6 | 0 | 0 | 34 | 408 | |
| 236 | Pesquisa de Retinoblastoma (sequenciamento do gene RB1) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: RB1 | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 237 | Pesquisa de Sequenciamento Completo do Genoma | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 238 | Pesquisa de Sequenciamento Customizado Para doenças mendelianas - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 239 | Pesquisa de Síndrome de Alagille (MLPA de JAG1 ou região 20p12) - exame de MLPA identifica microdeleções ou microduplicações no gene JAG1 e possibilita o diagnóstico de indivíduos com suspeita clínica de síndrome de Alagille. - mínimo de Genes Analisados: JAG1 | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |

| | | | | | | | | | | | | | | | | |
|-----|----------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|-------|---|----|----|----|----|---|---|---|---|----|---|---|----|------|
| 240 | Pesquisa de Síndrome de Rett (sequenciamento do gene MECP2) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: MECP2 | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 241 | Pesquisa de Síndrome Velocardiofacial e DiGeorge (MLPA da região 22q11) - exame de MLPA identifica microdeleções ou microduplicações na região 22q11.2 e possibilita o diagnóstico de pacientes com suspeita clínica de síndrome velocardiofacial e DiGeorge (síndromes de deleção 22q11.2 - 22q11.2 DS) As síndromes de deleção 22q11.2 - mínimo de Genes Analisados: TBX1 | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 242 | PESQUISA DE TOXINAS A E B DE CLOSTRIDIUM NAS FEZES | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 243 | PESQUISA DE ANTICORPOS IgG ANTI- ANTÍGENO HEPÁTICO SOLÚVEL (M2, LKM1, LC1, SLA, Sp100, gp210) | EXAME | 0 | 30 | 10 | 3 | 2 | 0 | 5 | 5 | 0 | 6 | 0 | 0 | 61 | 732 |
| 244 | PESQUISA DO GENE DA PROTROMBINA MUTANTE (FATOR II 20210) | EXAME | 0 | 24 | 10 | 3 | 0 | 0 | 5 | 5 | 2 | 6 | 2 | 2 | 59 | 708 |
| 245 | PESQUISA DE ANTICOAGULANTE LÚPICO | EXAME | 5 | 20 | 20 | 12 | 0 | 0 | 5 | 5 | 2 | 23 | 2 | 2 | 96 | 1152 |
| 246 | QUANTIFICAÇÃO DO INIBIDOR DO FATOR IX DA COAGULAÇÃO | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 247 | QUANTIFICAÇÃO DO INIBIDOR DO FATOR VIII DA COAGULAÇÃO | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 248 | REAÇÃO DE PANDY | EXAME | 0 | 20 | 10 | 6 | 2 | 0 | 5 | 5 | 0 | 12 | 0 | 0 | 60 | 720 |
| 249 | RT PCR PARA LEISHMANIOSE TEGUMENTAR AMERICANA | EXAME | 0 | 0 | 0 | 0 | 20 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 30 | 360 |
| 250 | RT PCR PARA LEISHMANIOSE VISCERAL | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 251 | RT-PCR BCR/ABL quantitativo no segmento de LMC; | EXAME | 0 | 30 | 5 | 3 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 16 | 0 | 0 | 64 | 768 |
| 252 | SEQUENCIAMENTO COMPLETO DO EXOMA - (Mutações de ponto (substituições); Indels (pequenas deleções e duplicações); CNVs (grandes deleções e duplicações); Análise de alteração do número de cópias (CNVs); Confirmação de variantes; Variantes Mitocondriais; Análise de achados incidentais; Análise de genes clinicamente mais relevantes) mínimo de Genes analisados: Análise de ≥ 22 mil genes do genoma humano. | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 253 | SEQUENCIAMENTO COMPLETO DO GENE GJB2 - SURDEZ GENETICA | EXAME | 0 | 5 | 3 | 4 | 0 | 0 | 5 | 5 | 2 | 9 | 2 | 2 | 37 | 444 |
| 254 | SEQUENCIAMENTO COMPLETO DO GENE MBTPS2 | EXAME | 0 | 5 | 3 | 4 | 0 | 0 | 5 | 5 | 2 | 9 | 2 | 2 | 37 | 444 |
| 255 | SEQUENCIAMENTO EXOMA TRIO (CLINICO) - sequenciação do caso index (afetado) e dos familiares não afetados (progenitores) (Mutações de ponto (substituições); Indels (pequenas deleções e duplicações); CNVs (grandes deleções e duplicações); Análise de alteração do número de cópias (CNVs); Confirmação de variantes; Variantes Mitocondriais; Análise de achados incidentais; Análise de genes clinicamente mais relevantes) mínimo de Genes analisados: Análise de ≥ 6.000 genes do genoma humano. (5969 genes nucleares + 37 genes mitocondriais) | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |

| | | | | | | | | | | | | | | | | |
|-----|---------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|-------|---|----|----|----|----|---|---|---|----|----|----|----|-----|------|
| 256 | SEQUENCIAMENTO EXOMATRIO COMPLETO - sequenciação do caso index (afetado) e dos familiares não afetados (progenitores) (Mutações de ponto (substituições); Indels (pequenas deleções e duplicações); CNVs (grandes deleções e duplicações); Análise de alteração do número de cópias (CNVs); Confirmação de variantes; Variantes Mitocondriais; Análise de achados incidentais; Análise de genes clinicamente mais relevantes) Mínimo de Genes analisados: Análise de ≥ 22 mil genes do genoma humano. | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 257 | Mendelioma (Exoma Clínico) - (Mutações de ponto (substituições); Indels (pequenas deleções e duplicações); CNVs (grandes deleções e duplicações); Análise de alteração do número de cópias (CNVs); Confirmação de variantes; Variantes Mitocondriais; Análise de achados incidentais; Análise de genes clinicamente mais relevantes) Mínimo de Genes analisados: Análise de aproximadamente ≥ 6 000 genes do genoma humano. (5969 genes nucleares + 37 genes mitocondriais) | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 258 | Talassemia Alfa: MLPA (deleções e/ou duplicações) dos genes HBA1 e HBA2 | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 259 | Talassemia Beta: Sequenciamento do gene HBB | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 260 | TESTE DE FALCIZAÇÃO HEMOGLOBINA S - TESTE DE SOLUBILIDADE | EXAME | 0 | 20 | 10 | 6 | 10 | 0 | 5 | 5 | 2 | 10 | 2 | 2 | 72 | 864 |
| 261 | TESTE IMUNOLOGICO PARA GIARDIA LAMBLIA | EXAME | 0 | 0 | | 3 | 0 | 0 | 5 | 5 | 2 | 6 | 2 | 2 | 25 | 300 |
| 262 | TESTE RÁPIDO STREPTOCOCCUS GRUPO A | EXAME | 0 | 20 | 10 | 12 | 4 | 0 | 5 | 5 | 12 | 23 | 12 | 12 | 115 | 1380 |
| 263 | TIPAGEM DE LINFOCITOS "B" | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 264 | TIPAGEM DE LINFOCITOS "T" | EXAME | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 180 |
| 265 | TRIAGEM AMPLIADA PARA ERROS INATOS DO METABOLISMO - EIM - SANGUE | EXAME | 0 | 5 | 3 | 4 | 0 | 0 | 5 | 5 | 2 | 9 | 2 | 2 | 37 | 444 |
| 266 | TRIAGEM AMPLIADA PARA ERROS INATOS DO METABOLISMO - EIM - URINA | EXAME | 0 | 5 | 3 | 4 | 0 | 0 | 5 | 5 | 2 | 9 | 2 | 2 | 37 | 444 |

4.2. Por ser incerta a demanda pelos serviços objeto do credenciamento, quando da necessidade de realização dos exames, convocar-se-ão os prestadores credenciados para aquele tipo específico de exame os quais deverão executá-los, nos termos previsto neste Termo de Referência. Destaca-se que os quantitativos e as estimativas de consumo previstos são meros referenciais, podendo sofrer variações para mais ou para menos no decorrer da execução dos serviços, pois a credenciada será remunerada somente pelos serviços efetivados e comprovadamente realizados. Sendo obrigação da credenciada atender a demanda necessária dos procedimentos previstos.

4.3. A descrição dos serviços/procedimentos a serem executados pelas credenciadas com quantitativo mensal e anual, assim como o valor unitário de cada procedimento constarão no anexo I do Termo de Referência.

5. DA EXIGÊNCIA DOS SERVIÇOS, EXECUÇÃO, RECEBIMENTO DOS SERVIÇOS, CONTROLE, MONITORAMENTO E AVALIAÇÃO

5.1. Considerando que os exames ora capitulados não são realizados por nenhuma empresa sediada no estado de Rondônia e que estas empresas subcontratam laboratórios de apoio fora do estado para a sua realização, para atender as necessidades do Sistema de Saúde Estadual, de forma complementar aos procedimentos já existentes;

5.2. Da Execução

I - Solicitação de exames realizada por médicos da REDE ESTADUAL, em formulário próprio (eletrônico ou manual) devendo conter no mínimo, obrigatoriamente:

| | |
|-------------------------------------|--------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|
| DADOS DA UNIDADE SOLICITANTE | <ul style="list-style-type: none"> Nome da Unidade de Saúde/Hospital; CNES da Unidade de Saúde/Hospital |
| DADOS DO MÉDICO SOLICITANTE | <ul style="list-style-type: none"> Nome do Médico; Nº CRM; Especialidade. |
| DADOS DO PACIENTE/USUÁRIO | <ul style="list-style-type: none"> Nome do paciente; Data de nascimento e sexo; Número do Cartão SUS; Enfermaria e leito, se couber. |

| | |
|-----------------------------|--------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|
| DADOS DA SOLICITAÇÃO | <ul style="list-style-type: none"> • Nome do exame; • Código conforme disposto no termo de referência/Contrato; • Hipótese diagnóstica. |
| CREDENCIADO | <ul style="list-style-type: none"> • Lista nominal Laboratórios Credenciados contendo: (Endereço; Telefone) |

II - Emissão de Guia de Autorização pelo LEPAC/RO em formulário próprio (eletrônico ou manual), a qual constará listagem de todos os laboratórios credenciados para a realização do(s) respectivo(s) procedimento(s) com endereço e telefone para contato;

III - **DOS PACIENTES INTERNADOS:** Nos casos em que o paciente não possuir acompanhante/responsável apto a escolher 01 (um) dos laboratórios credenciados listados na guia de autorização, o Serviço Social da unidade solicitante, de posse dos documentos: Guia de Internação, Documento de identificação do paciente com foto, Cartão Nacional do SUS/MS, Formulário de solicitação médica e a Guia de Autorização emitida pelo LEPAC/RO, além de documentação complementar, conforme exigido para realização do procedimento (quando couber), deverá escolher em forma de rodízio dentre os laboratórios credenciados listados na Guia de Autorização, contactando para o recolhimento das amostras coletadas pelo laboratório da unidade para a realização do procedimento;

IV - **DOS PACIENTES AMBULATORIAIS:** De posse dos documentos: Documento de identificação com foto, Cartão Nacional do SUS/MS, Formulário de solicitação médica e a Guia de Autorização, além de documentação complementar conforme exigido para realização do procedimento (quando couber), o usuário deverá escolher dentre os laboratórios credenciados listados na Guia de Autorização, contactando para o agendamento da coleta de material biológico para a realização do procedimento;

V - **DOS PACIENTES DAS UNIDADES DE SAÚDE DO INTERIOR DO ESTADO:** Nos casos em que o paciente não possuir acompanhante/responsável apto a escolher 01 (um) dos laboratórios credenciados listados na guia de autorização, o Serviço Social da unidade solicitante, de posse dos documentos: Guia de Internação, Documento de identificação do paciente com foto, Cartão Nacional do SUS/MS, Formulário de solicitação médica e a Guia de Autorização emitida pelo LEPAC/RO, além de documentação complementar, conforme exigido para realização do procedimento (quando couber), deverá escolher em forma de rodízio dentre os laboratórios credenciados listados na Guia de Autorização, contactando para agendamento da entrega das amostras coletadas pelo laboratório da unidade para a realização do procedimento, informamos que ficará a critério das unidades do interior do estado a logística de entrega das amostras aos laboratórios credenciados na cidade de Porto Velho/RO;

VI - É de total responsabilidade a emissão e entrega dos laudos pela CREDENCIADA, as unidades de saúde assim como aos usuários;

VII - Após o agendamento, no dia e hora combinados, o laboratório credenciado deverá proceder com a coleta do material biológico em estabelecimento próprio e adequado conforme as normas da RDC 302 ANVISA/MS e Vigilância Sanitária, devendo ainda se responsabilizar, conforme o caso por toda a logística de envio do material ao laboratório de apoio (acondicionamento e transporte) e posterior emissão e entrega do laudo ao usuário;

VIII - A distribuição dos serviços ora demandados serão realizados de forma equânime entre todos os credenciados.

QUADRO DE DISTRIBUIÇÃO

A distribuição dos exames será realizada em forma de cotas iguais, em tantas quantos forem o número de empresas credenciadas, as quais somadas totalizam a quantidade estimada do itens da tabela do item 3 - **I - RELAÇÃO DOS EXAMES/PROCEDIMENTOS**;

5.2.1. DOS LOCAIS DE EXECUÇÃO

5.2.1.1. Os serviços serão realizados pela(s) CONTRATADA(S) em sua sede ou por laboratório de apoio.

5.2.1.2. Unidades Saúde Contempladas:

- a) **Hospital de Base Dr. Ary Pinheiro - HBAP:** Avenida Jorge Teixeira. Fone (69) 3216-5746. Porto Velho/RO.
- b) **Centro de Medicina Tropical de Rondônia - CEMETRON:** situado na Avenida Guaporé, nº 415, Bairro Lagoa. Fone: (69) 3216-8541 Porto Velho/RO.
- c) **Hospital e Pronto Socorro João Paulo/II - HEPSJP/II:** situado na Avenida Campos Sales, nº 4295, Bairro Floresta. Fone (69) 3216-5494. Porto Velho/RO.
- d) **Hospital Infantil Cosme e Damião - HICD:** situado na Rua Benedito de Souza Brito, nº 4045, Bairro Industrial. Fone (69) 3216-5785 Porto Velho/RO.
- e) **Hospital de Campanha (Retaguarda)- HC:** Rua: Joaquim Nabuco, 2718 - Areal, Porto Velho - RO, 76804-074 - Fone: (69) 98471-4173
- f) **Hospital de Emergência e Urgência - HEURO/CACOAL:** situado na Avenida Rosilene Xavier Transpadini, nº 220, Bairro: Jardim Eldorado. Fone (69) 3441-2747. Cacoal/RO.
- g) **Hospital Regional de Cacoal - HRC:** situado na Avenida Malaquita, 3581, Bairro: Josino Brito. Fone (69) 3441-6458. Cacoal/RO.
- h) **Hospital Regional de Buritis - HRB:** Rua Vale do Paraíso, 2340. Fone (69) 3238-2406. Buritis/RO.
- i) **Hospital Regional de Extrema - HRE:** Rua Abunã, 308, Santa Barbara, Porto Velho/RO, CEP: 76.847-000 - Fone (69) 3252-1502
- j) **Hospital Regional de São Francisco do Guaporé - HRF:** Av. Brasil, s/nº, São Francisco do Guaporé/RO, CEP: 76.935-000 - Fone (69) 3621-2059
- k) **Policlínica Osvaldo Cruz - POC:** Av. Governador Jorge Teixeira, 3862, Industrial, Porto Velho/RO, CEP: 76.821-096 - Fone: (69) 3216-2212
- l) **Núcleo de Mandados Judiciais - NMJ:** Av. Farquar, 2986, Complexo Rio Madeira, Edifício Rio Machado (Entrada pela PIO XII) – Bairro: Pedrinhas – CEP: 76.801-470 - Fone: (69) 3216-2212
- m) **Núcleo de Apoio e Conciliação - NAC:** Av. Farquar, 2986, Complexo Rio Madeira, Edifício Rio Machado (Entrada pela PIO XII) – Bairro: Pedrinhas – CEP: 76.801-470 - Fone: (69) 3216-2212

5.2.2. Todas as solicitações de exames complementares constantes neste certame deverão ser encaminhadas via sistema SEI ou software próprio da SESAU/RO pelas unidades contempladas no processo ao Laboratório Estadual de Patologia Clínica (LEPAC-ASTEC), o qual deverá autorizar ou não sua realização;

5.2.3. No caso de pacientes ambulatoriais, estes deverão procurar o laboratório da Policlínica Osvaldo Cruz - POC, para emissão da Guia de Autorização;

5.2.4. Após a autorização, a amostra do paciente, coletada por profissional competente na unidade de saúde de origem, deverá ser entregue à CONTRATADA devidamente identificada, em conformidade com as recomendações para cada tipo de exame, conforme discriminado abaixo:

I - O laboratório credenciado deverá recolher o material nas Unidades Hospitalares Estaduais, no caso de pacientes internados;

II - Deverá receber em sua sede as amostras encaminhadas pelas demais Unidades Hospitalares Estaduais, encaminhada por outros municípios com pactuação vigente, quando previamente autorizadas;

III - Ainda, deverá receber as amostras diretamente dos usuários/pacientes em sua Sede, que deverá obrigatoriamente estar acompanhada de Guia de Autorização;

5.2.4.1. Após autorização os usuários ambulatoriais deverão se dirigir ao laboratório credenciado escolhido para realização da coleta de amostras biológica assim como seu retorno para entrega dos resultados;

5.2.5. A CREDENCIADA deverá disponibilizar toda a logística necessária tanto de insumos para coleta, identificação e para retirada do material nos

Laboratórios das unidades da Rede de Patologia Clínica Estadual e/ou nas Unidades Hospitalares estaduais, de segunda a sexta-feira, das 7:00 às 15:00 horas, salvo os casos com prazos específicos para o envio e transporte da amostra, bem como se responsabilizar pelo material de coleta (tubos e frascos para coleta e transporte) necessário à realização dos procedimentos contratados, devendo fornecê-los antecipadamente conforme a necessidade específica de cada procedimento;

5.2.6. As unidades da Rede de Patologia Clínica Estadual deverão entrar em contato com as credenciadas logo após a coleta dos pacientes internados, a fim de recolhimento das amostras pela credenciada com as solicitações devidamente autorizadas ao laboratório de apoio Contratado;

5.2.7. Em até 10 (dez) dias úteis salvo em exceções devidamente justificadas e previamente autorizada pelo Laboratório Estadual de Patologia Clínica - LEPAC, o laboratório de apoio Contratado deverá disponibilizar através de impresso, link/ endereço eletrônico, os laudos de resultados de exames as unidades solicitantes assim como diretamente ao usuário.

5.2.8. A unidade solicitante deverá ter muita atenção quanto ao preenchimento correto da solicitação médica assim como dos documentos complementares (quando couber) e/ou impresso específico de solicitação para o procedimento;

A falta de atenção desta orientação poderá acarretar problemas tais como: constantes devoluções da regulação a Unidade Solicitante para adição de informações ou glosa do procedimento no setor de Controle, Avaliação e Auditoria da SESAU.

5.2.9. O operador da Unidade Solicitante deverá anexar a guia de autorização do LEPAC/RO e/ou impresso específico de solicitação para o procedimento, os documentos necessários (cópias: cartão SUS, identidade, CPF e comprovante de residência com CEP), em processo que será aberto pelo LEPAC/RO, no sistema SEI para cada unidade demandante onde ali serão inseridas todas as solicitações com seus respectivos anexos para emissão da Guia de Autorização.

5.2.10. A CONTRATANTE no uso de suas atribuições legais nomeará Fiscais de Contrato, sendo indicado pelo representante da área requisitante o servidor que possui conhecimento técnico do objeto da contratação e designado pelo Secretário de Estado da Saúde mediante Portaria, para acompanhar e fiscalizar a execução contratual, responsabilizando-se pela verificação do efetivo cumprimento das obrigações pactuadas e respectivo ateste das faturas/notas fiscais, juntamente com a comissão de recebimento;

5.2.11. A prestação dos serviços deverá estar dentro dos parâmetros estabelecidos, fornecendo todos materiais necessários em quantidade, qualidade e tecnologia adequadas, com observância às recomendações aceitas pelas boas técnicas, normas e legislação vigente e em quantidades necessárias à boa execução dos serviços;

5.2.12. A fiscalização pela CONTRATANTE, não desobriga a CONTRATADA de sua responsabilidade quanto à perfeita execução do objeto deste instrumento;

5.2.13. A ausência de comunicação por parte da CONTRATANTE referente a irregularidades ou falhas, não exime a CONTRATADA das responsabilidades determinadas no Contrato;

5.2.14. A CONTRATADA permitirá e oferecerá condições para a mais ampla e completa fiscalização, durante a vigência do contrato, fornecendo informações, propiciando o acesso à documentação pertinente e atendendo às observações e exigências apresentadas pela fiscalização.

5.2.15. Regras que devem ser observadas pelos credenciados no atendimento dispensado aos usuários dos serviços:

- I - Não poderá haver qualquer distinção entre o atendimento destinado aos pacientes do SUS e os demais pacientes atendidos pelo prestador;
- II - O credenciado deverá manter em Porto Velho, município de maior demanda, posto para o recebimento de amostras de segunda a sexta feira das 08:00 hrs às 12:00 hrs e das 14:00 hrs às 17:00;
- III - Deverá oferecer serviço on-line na rede mundial de computadores (INTERNET) para retirada de laudos e resultados das análises;
- IV - Deverá afixar em local visível e de forma clara em seu estabelecimento o número da Ouvidoria do SUS 0800.647.7071;
- V - Garantir a boa qualidade dos exames realizados;
- VI - Cobrança de qualquer valor excedente aos pacientes ou de seus responsáveis acarretará na imediata rescisão do contrato e sujeição à Declaração de Inidoneidade e responsabilização Civil e Criminal.

5.3. Prazo para Início da Execução dos Serviços

5.3.1. O prazo para início dos serviços será de até **08 (oito) dias** contados da primeira assinatura contratual e publicação no Diário Oficial

6. JUSTIFICATIVA E MOTIVAÇÃO DA CONTRATAÇÃO OU EQUIVALENTE

6.1. O SUS E A INTEGRALIDADE DA ATENÇÃO À SAÚDE

6.2. Considerando que outrora já fora licitado outrora através do **Processo Administrativo nº: 01.1712.06155-00/2015 - Edital PE 273/2016/SUPEL/RO, cujo objeto fora a Contratação de empresas especializadas na realização de exames de laboratório, DE ACORDO COM A CLASSIFICAÇÃO BRASILEIRA HIERARQUIZADA DE PROCEDIMENTOS MÉDICO - TABELA CBHPM/AMB, para atender as necessidades do Sistema de Saúde Estadual, de forma complementar aos procedimentos já existentes e**, tendo em vista a variação sazonal nos valores de mercado dos exames licitados, após 1 ano de contrato com a credenciada no certame supra mencionado, houve denúncia do ajuste pela contratada;

6.3. Considerando o término do Contrato Nº **290/PGE-2019 (ID: 0017627883)** tendo em vista manifestação da não continuidade por parte da CONTRATADA conforme Ofício nº 0025/2022 (0028646265);

6.3.1. Considerando ainda o teor da Informação nº 21/2022/PGE-SESAU (0023696872), onde buscou-se parecer jurídico quanto a viabilidade de manutenção ou o cancelamento do Contrato nº 290/PGE-2021, sendo sua análise e conclusão a de que ocorra a reabertura do procedimento licitatório, "*in verbis*".

2. DA ANÁLISE:

Primeiramente, informo que o Despacho SESAU-SC (0019347367) solicita análise acerca da **viabilidade** de manutenção ou **cancelamento** do respectivo Contrato nº 290/PGE-2021 (0017627883).

A princípio, observa-se que o procedimento está prejudicado, até mesmo pela ausência de contraditório e ampla defesa que, em análise perfunctória, não observo que foram observados, já que a empresa G.R.F. LABORATÓRIOS LTDA, s.m.j., sequer se manifestou a respeito do ponto. E, salvo melhor juízo, não foi notificada formalmente para esse fim.

Ademais, o posicionamento da setorial supracitada é insuficiente quanto aos argumentos que levaram o retorno de fase após celebração do instrumento contratual, quando na verdade o razoável seria a anulação do certame com o respectivo cancelamento de todo procedimento. Essa medida se mostra importante especialmente no presente caso, em que o certame inclusive foi homologado em favor de uma empresa que sequer reapresentou proposta após ser desclassificada do procedimento inicial, o que enfraquece a competitividade do certame realizado.

De toda sorte, não se visualiza como manter o Contrato Nº 290/PGE-2021 (0017627883), se os atos que deram origem a sua celebração já foram objeto de cancelamento, conforme o Aviso ID 0018917167.

Assim, verifica-se o equívoco total quanto à forma de condução do processo, razão pela qual após essa sucessão de atos **recomenda-se** o procedimento ser anulado em sua integralidade, mas antes oportunizando a possibilidade de manifestação (prévio contraditório e a ampla defesa) à empresa que agora são consideradas vencedoras.

Neste teor, destaca-se que a Lei n. 8.666/93, em seu art. 49, atenta para as possibilidades de revogação da licitação explicitando o devido procedimento. Verbis:

Art. 49. A autoridade competente para a aprovação do procedimento somente poderá revogar a licitação por razões de interesse público decorrente de fato superveniente devidamente comprovado, pertinente e suficiente para justificar tal conduta, devendo anulá-la por ilegalidade, de ofício ou por provocação de terceiros, mediante parecer escrito e devidamente fundamentado.

§ 1º A anulação do procedimento licitatório por motivo de ilegalidade não gera obrigação de indenizar, ressalvado o disposto no parágrafo único do art. 59 desta Lei.

§ 2º A nulidade do procedimento licitatório induz à do contrato, ressalvado o disposto no parágrafo único do art. 59 desta Lei.

§ 3º No caso de desfazimento do processo licitatório, fica assegurado o contraditório e a ampla defesa.

§ 4º O disposto neste artigo e seus parágrafos aplica-se aos atos do procedimento de dispensa e de inexigibilidade de licitação. (grifo nosso).

Diante disso, considerando a necessidade de anulação do procedimento licitatório, o contrato celebrado, consequentemente também deverá ser anulado.

Nesse entendimento já decidiu o Supremo Tribunal de Justiça:

ADMINISTRATIVO E PROCESSO CIVIL. OMISSÃO. INEXISTÊNCIA. LICITAÇÃO. CONTRATO ADMINISTRATIVO. ANULAÇÃO.

POSSIBILIDADE.

1. Não há que se falar em omissão no julgado impugnado se este, apesar de deixar de fazer menção expressa ao argumento levantado pela parte, adota posicionamento contrário à tese por ela exposta.
2. A licitação pública caracteriza-se como um procedimento administrativo que possui dupla finalidade, sendo a primeira a de escolher a proposta mais vantajosa para a Administração e a segunda, a de estabelecer a igualdade entre os participantes.
3. A possibilidade de anulação do procedimento licitatório após celebrado o contrato administrativo não suscita maiores dúvidas, porquanto a própria Lei 8.666/93 dispõe que a nulidade do procedimento licitatório induz à do contrato dele decorrente.
4. Não observadas as regras legais que regulam tal procedimento, de modo a causar prejuízo à Administração Pública ou a qualquer das partes, impõe-se o reconhecimento da nulidade.
5. A exegese do § 3º, do art. 49, da Lei 8.666/93, mostra que a redação do mesmo é dirigido à autoridade administrativa e não à judiciária.
6. Recursos conhecidos, porém, desprovidos.

(REsp 447814 / SP ; RECURSO ESPECIAL 2002/0086977-7 T1 - PRIMEIRA TURMA 17/12/2002 DJ 10.03.2003 p. 112)

Em outra via, para melhor atender à competitividade que deve orientar as contratações públicas, o retorno à fase de apresentação de propostas não aparenta ser a medida que confere maior publicidade.

Melhor seria reiniciar a licitação, com nova publicação do Edital (e seus ajustes pertinentes).

3. CONCLUSÃO:

Considerando os fatos narrados, essa Setorial entende que houve nulidade no procedimento licitatório, devendo o gestor apurar os fatos e em caso positivo, declarar nulidade da licitação.

No caso de nulidade da licitação, consequentemente, ocorrerá o cancelamento de todo procedimento, incluindo o contrato.

Em relação ao Contrato nº 290/PGE-2021 (0017627883) não há como se falar em sua manutenção, se já houve ato da Secretaria anulando o procedimento que a ele deu origem (Aviso ID 0018917167).

Por fim, os serviços já executados deverão ser pagos através de Reconhecimento de Dívida nos termos da Orientação Normativa n. 03, de 06 de dezembro de 2012.

Orienta-se ainda que ocorra a reabertura do procedimento licitatório, com as adequações no Edital.

HORCADES HUGUES UCHÔA SENA JÚNIOR

Procurador do Estado

6.3.2. Considerando que os exames ora capitulados não são realizados por nenhuma empresa sediada no estado de Rondônia e que estas empresas subcontratam laboratórios de apoio fora do estado para a sua realização;

6.3.3. Considerando como um dos princípios do SUS, a integralidade está presente tanto nas discussões quanto nas práticas na área da saúde e está relacionada à condição integral, e não parcial, de compreensão do ser humano. Ou seja: o sistema de saúde deve estar preparado para ouvir o usuário, entendê-lo inserido em seu contexto social e, a partir daí, atender às demandas e necessidades desta pessoa.

6.3.4. Pela perspectiva dos usuários, a ação integral em saúde tem sido frequentemente associada ao tratamento *respeitoso, digno, com qualidade e acolhimento*. Por isso, este valor paira como uma orientação geral nos serviços de saúde, já que o Estado tem o dever de oferecer um *"atendimento integral, com prioridade para as atividades preventivas, sem prejuízo dos serviços assistenciais"*, como oficializou a Constituição Federal de 1988.

6.3.5. Para atender a esta necessidade da população, o Estado deve estabelecer um conjunto de ações que vão desde a prevenção à assistência curativa, nos diversos níveis de complexidade. Neste contexto, a atenção integral se tornou uma das diretrizes do SUS.

6.3.6. Neste diapasão, os exames laboratoriais estão inseridos no contexto de *"integralidade de assistência"* sendo necessários enquanto apoio para diagnóstico de inúmeras patologias. Assim sendo, a contratação de Laboratórios para a prestação de serviços de Análises Clínicas não contemplados pela Rede de Patologia Estadual são indispensáveis, como instrumento para complementar a assistência médico-ambulatorial realizada nas Unidades de Saúde da Secretaria de Estado da Saúde, bem como nos Hospitais da rede estadual.

6.4. **DA JUDICIALIZAÇÃO NO SUS**

6.4.1. Considerando o grande número de ações judiciais para a obtenção do direito à realização de exames complementares não cobertos pelo SUS Estadual, onerando sobremaneira os cofres públicos com a contratação individual de procedimentos em detrimento a uma compra programada em quantidade, onde de acordo com um relatório sobre a judicialização na saúde aponta crescimento de aproximadamente 130% nas demandas de primeira instância entre 2008 e 2017. (*Conselho*

Nacional de Justiça (CNJ) e Poder Judiciário)

6.4.2. O direito ao acesso à saúde já é um tema notório em casos da Justiça e o aumento permanente da demanda revelou um dilema para o Judiciário: como tomar decisões que, de fato, vão beneficiar os pacientes, sem desequilibrar o sistema de saúde. Ao longo de sua história, o Conselho Nacional de Justiça (CNJ) busca contribuir para solucionar o impasse e, pelo debate e pela edição de normativos, prover estrutura e ferramentas para que a Justiça possa atender às demandas da sociedade.

6.4.3. Atualmente, são mais de dois milhões de ações sobre saúde, de acordo com dados recentes do Relatório da Justiça em Números, do CNJ. A maioria envolve pedidos de acesso a procedimentos e medicamentos, muitos deles previstos na lista do Sistema Único de Saúde (SUS), mas negligenciados pelo Estado. E *outros que nem sempre são cobertos pelo poder público* ou mesmo pelos planos de saúde: são, por exemplo, os medicamentos em fase experimental.

6.4.4. Ainda que amparada no acesso ao direito à saúde garantido na Constituição Federal, a judicialização interfere na administração dos recursos de saúde, com impacto no planejamento das três esferas de governo: municipal, estadual e federal.

6.4.5. Essa crescente judicialização do acesso ao Sistema Único de Saúde (SUS) tem promovido grande impacto no limite orçamentário dos estados que gastam muito mais com a compra de medicamentos e **procedimentos/exames individuais para obedecer a decisões do Poder Judiciário do que se fossem adquiridos em quantidade, com valores negociados para todos que dele necessitam**. Além disso, como não é possível prever o montante do orçamento que será destinado ao atendimento de ações judiciais, os gestores públicos enfrentam maiores desafios em manter um serviço de saúde funcional e eficiente para a população, já que alguns recursos precisam ser realocados.

6.4.6. A expressão mais significativa de saúde pública universal foi a criação do Sistema Único de Saúde - SUS, definido na Constituição de 1988 no capítulo VIII da Ordem social, seção II referente à Saúde, pelo artigo 198, do seguinte modo:

"As ações e serviços públicos de saúde integram uma rede regionalizada e hierarquizada, e constituem um sistema único, organizado de acordo com as seguintes diretrizes:

I. Descentralização, com direção única em cada esfera de governo;

II. Atendimento integral, com prioridade para as atividades preventivas, sem prejuízo dos serviços assistenciais;

III. Participação da comunidade;

Parágrafo único – o sistema único de saúde será financiado, com recursos do orçamento da seguridade social, da União, dos Estados, do Distrito Federal e dos Municípios, além de outras fontes".

6.4.7. O texto constitucional demonstra um sistema formado por um conjunto de ações e serviços de saúde prestados por órgãos e instituições públicas federais, estaduais e municipais, da administração e das fundações mantidas pelo Poder Público.

6.4.8. A prioridade deste sistema é **o acesso a todos de maneira igualitária e integral à saúde** bem como o compromisso em desenvolver ações que deem prioridade à prevenção e à promoção desse direito trabalhando sob três aspectos fixos: **promover, proteger e recuperar**.

6.4.9. Por esse motivo, qualquer cidadão brasileiro que queira recorrer ao sistema público de saúde, **pode e deve ser atendido**.

6.4.10. Segundo o relatório da OMS, o Brasil está em 9º lugar no ranking de países com mais gastos com saúde, um total de 8% do PIB (Produto Interno Bruto): sendo 4,4% com gastos privados (55% do total) e 3,8% com gastos públicos (45% do total).

6.4.11. Dados demonstram ainda que em dois anos quase 2,6 milhões de pessoas perderam os convênios médicos em decorrência do aumento dos preços, da

alta do desemprego ou do endividamento familiar.

6.4.12. Isso aumentou ainda mais a demanda pela saúde pública, impondo sérios desafios aos gestores governamentais e ao setor de saúde público.

6.4.13. Por isso, apesar de ser visto como um sistema de referência mundial, o SUS tem de lidar com um orçamento insuficiente, desigualdades entre profissionais, falta de recursos para manter um padrão mínimo de qualidade e também uma dependência do setor privado.

6.4.14. O problema é tão sério que se encaminha para o campo judicial. As **deficiências e insuficiências** preocupantes desse sistema único e do setor privado acabaram **fortalecendo o crescimento de obter o acesso a saúde por meio das demandas judiciais individuais**: ações judiciais que possuem pedidos relacionadas a procedimentos e insumos de saúde que por vezes não são oferecidos corretamente ou não estão disponíveis àqueles que precisam.

6.4.15. E é por isso que as ações judiciais com foco em obter tratamentos, insumos e **procedimentos/exames**, equipamentos e cirurgias, reconhecida como o fenômeno de judicializar a saúde, apesar de um tema atual, têm levantado inúmeros debates e vem se tornando a cada dia mais frequentes.

6.4.16. Quando um indivíduo tenta utilizar um tratamento de saúde ou medicamento específico não disponível no SUS, a problemática acerca da saúde como dever do Estado, se agrava, por isso o fenômeno da judicialização da saúde é complexo e também urgente tanto para o sistema de saúde, quanto para o sistema de justiça.

6.4.17. Um importante é que **a judicialização consome cada vez mais verba do SUS** e os juízes tendem a desconsiderar esse impacto orçamentário das decisões.

6.4.18. O que ocorre neste caso é que no entendimento jurídico, as questões relativas ao orçamento público (escassez de recursos, não pertencimento de medicamento e/ou procedimento a listas de medicamentos ou procedimentos do SUS entre outros) não são razões suficientes para negar um pedido de tratamento, pois **esse direito encontra-se assegurado pela Constituição**.

6.4.19. Podemos perceber, portanto, é que de um lado os gestores dos órgãos de saúde tentam equilibrar orçamentos, muitas vezes comprometidos por decisões judiciais que envolvem altos valores. De outro, a justiça tenta se inteirar do que é relativo à saúde para decidir com mais fundamento as demandas por medicamentos, procedimentos, próteses, leitos e diversos tipos de ações e de serviços de saúde solicitados via judicial.

6.4.20. Tal questão passa a envolver aspectos políticos, sociais, éticos e sanitários e vão além dos componentes jurídicos e de gestão de serviços públicos, **pois são inegáveis as dificuldades existentes no sistema de saúde brasileiro e até no sistema judiciário para responder de forma satisfatória as novas e crescentes demandas de saúde**.

6.4.21. **Uma forma de diminuir esses gastos, além de adotar uma gestão eficiente é a inclusão de novos procedimentos na rede pública de saúde**. De acordo estudo da Associação da Indústria Farmacêutica de Pesquisa (Interfarma), a recusa de incorporações por parte do Ministério da Saúde estimula a judicialização e obriga o Estado a adquirir produtos com preços mais altos. A principal consequência disso é um gasto de cerca de quatro vezes maior per capita para compra de medicamento e/ou procedimento individual, quando comparado a um paciente com acesso ao medicamento pelo SUS. No tocante a outros procedimentos também não seria diferente.

6.4.22. São inúmeros os mandados de segurança e ações movidas contra o Estado para a provisão de exames laboratoriais não disponibilizados nas instâncias do SUS estadual.

6.5. **DA IMPORTÂNCIA DOS EXAMES NA PRÁTICA CLÍNICA**

6.5.1. Considerando que os Exames Laboratoriais são necessários para **o apoio ao diagnóstico de inúmeras patologias**, eles funcionam como o ponto de partida para o diagnóstico adequado e, consequentemente, para um tratamento bem-sucedido.

6.5.2. A literatura médica cita que 70% das decisões médicas se baseiam em resultados de exames laboratoriais, procedimentos considerados minimamente invasivos, que podem ser considerados como sendo a ferramenta de elevada relação custo/efetividade para se obter informações sobre o estado de saúde do paciente.

6.5.3. Os **procedimentos de média e alta complexidade são muito utilizados no dia a dia** – e não apenas utilizados nos casos mais graves. Ao longo da vida é muito comum precisarmos de um ou mais deles, seja de forma **preventiva, diagnóstica ou terapêutica**, e levam esse nome porque envolvem **tecnologia de ponta e alto custo**.

6.5.4. Os exames complementares visam trazer informações que vão além dos dados colhidos por meio da anamnese e do exame físico realizado pelo profissional da saúde. Esses são de grande importância, uma vez que são solicitados para oferecer subsídio ou responder à necessidade de alguma investigação clínica, seja ela diagnóstica, prognóstica, para estabelecimento ou mudança de conduta.

6.5.5. Esta situação dá origem a alta demanda reprimida, constituindo-se como um importante entrave para a efetivação da integralidade no SUS, por outro lado, salienta-se que, **apesar da elevada demanda, há uma baixa oferta de exames de média e alta complexidade**, o que dificulta a definição do diagnóstico ou da terapêutica a ser adotada. Isso se reflete no maior número de retornos, no aumento do tempo de permanência do usuário até a resolução do seu caso, e tem como consequência a limitação de acesso a novos usuários.

6.5.6. O esforço para evitar a problemática, no que diz respeito aos exames complementares e outros serviços, tem participação importante dos profissionais, pois, à medida que estes não se atêm às indicações clínicas específicas e/ou não realizam cuidadosamente a anamnese e o exame físico, **as solicitações de exames complementares tornam-se um nó crítico dentro do sistema de saúde**.

6.5.7. O grande desafio a ser enfrentado pelo setor de saúde consiste em romper com a lógica do sofrimento manifesto, da queixa-conduta e da fragmentação das intervenções terapêuticas, passando a trabalhar sob uma ótica integral, isto é, (re)pensando as práticas em saúde com base na leitura ampliada da realidade de vida dos indivíduos, garantindo que as intervenções se deem em consonância com as singularidades de cada um deles.

6.5.8. Os resultados de exames laboratoriais fornecem informações que podem ser utilizadas para fins diagnóstico e prognóstico, prevenção e estabelecimento de riscos para inúmeras doenças, definição de tratamentos personalizados, assim como evitar a necessidade de procedimentos complementares mais complexos e invasivos e onerosos, quando os exames são bem indicados e os resultados corretamente interpretados.

6.5.9. Considerando que o LEPAC/RO, apesar de ser um laboratório de média e alta complexidade e de ter em seu *roll* de exames aproximadamente mais de 480 diferentes tipos de exames laboratoriais, resta prejudicado em não atender aos usuários com exames solicitados pelo corpo clínico estadual com exames das mais diversas metodologias do tipo **"SEQUENCIAMENTO GENÉTICO; qRT PCR; MLPA; FISH; HLA; ELETROFORESES; dentre tantos outros"**, dentre tantas outras metodologias de altíssima tecnologia, considerando a dificuldade em se estabelecer um roll de exames necessários a cobertura diagnóstica das mais variadas especialidades disponíveis no SUS Estadual;

6.5.10. Considerando a necessidade de otimização do fluxo de trabalho realizado por Este LEPAC/RO, tendo em vista o grande fluxo de usuários que são atendidos por nossa unidade.

6.5.11. Considerando que a abertura do atual processo tem por finalidade propiciar condições necessárias para a realização de exames não contemplados pela Rede de Patologia e Análises Clínicas estadual, assim como a de se evitar as inúmeras judicializações **por meio das demandas judiciais individuais a fim da realização de procedimentos/exames laboratoriais**.

6.5.12. Assim como a otimização de recursos humanos, melhoria na qualidade do atendimento, segurança para o paciente, padronização de processos e a melhoria da produtividade e no atendimento ao usuário do SUS estadual.

6.5.13. Isto posto, é imprescindível o credenciamento e a contratação de Laboratórios de Apoio para a realização de **exames não contemplados pela rede SUS Estadual**, sendo indispensável enquanto instrumento para complementar a assistência médico-ambulatorial realizada nas Unidades de Saúde do Estado, bem como na Rede Hospitalar Estadual;

7. **DA PREVISÃO LEGAL**

7.1. Considerando que os exames ora capitulados não são realizados por nenhuma empresa sediada no estado de Rondônia e que estas empresas subcontratam laboratórios de apoio fora do estado para a sua realização;

7.2. O art. 37, XXI da Constituição Federal determina que:

Art. 37. A administração pública direta e indireta de qualquer dos Poderes da União, dos Estados, do Distrito Federal e dos Municípios obedecerá aos

princípios de **legalidade, impessoalidade, moralidade, publicidade e eficiência** e, também, ao seguinte: (Redação dada pela Emenda Constitucional nº 19, de 1998)

...

XXI - ressalvados os casos especificados na legislação, as obras, serviços, compras e alienações serão contratados mediante processo de licitação pública que assegure igualdade de condições a todos os concorrentes, com cláusulas que estabeleçam obrigações de pagamento, mantidas as condições efetivas da proposta, nos termos da lei, o qual somente permitirá as exigências de qualificação técnica e econômica indispensáveis à garantia do cumprimento das obrigações. (grifou-se)

7.3. A Lei regulamentadora deste dispositivo é a Lei de Licitações nº 8.666/1993, em seu art. 25º *caput* "**É inexigível a licitação quando houver inviabilidade de competição...**";

7.4. O credenciamento consiste em uma hipótese de inviabilidade de competição decorrente da possibilidade de a Administração contratar empresas ou profissionais de um determinado setor em igualdade de condições, observados os requisitos de habilitação e remuneração;

7.5. Desta feita, tem-se que a Administração Pública é vinculada, por força de determinação Constitucional (art. 37, XXI) e legal (Lei 8.666/1993) ao dever de licitar previamente suas contratações, exceto nos casos previstos pela Lei, imposição esta que decorre do fato da Administração realizar suas compras com verbas públicas, ou seja, verbas provenientes de contribuições arrecadadas de forma compulsória da população.

7.6. Em razão disto é que os casos de dispensa ou inexigibilidade de licitação devem ser considerados como excepcionais, cabendo aplicá-los apenas nos casos em que efetivamente seja inviável a competição entre particulares ou que esta não seja recomendável, nos termos da Lei.

7.7. Outrossim, o CREDENCIAMENTO é uma forma de contratação direta adotada pela Administração Pública, previsto no caput do art. 25 da Lei 8.666/1.993, que prevê a possibilidade de contratação sem licitação prévia quando houver inviabilidade de competição.

7.8. Segundo a doutrina de Joel de Menezes Niebhur, o credenciamento pode ser conceituado como:

"espécie de cadastro em que se inserem todos os interessados em prestar certos tipos de serviços, conforme regras de habilitação e remuneração prefixadas pela própria Administração Pública. Todos os credenciados celebram, sob as mesmas condições, contrato administrativo, haja vista que, pela natureza do serviço, não há relação de exclusão, isto é, o serviço a ser contratado não precisa ser prestado com exclusividade por um ou por outro, mas é prestado por todos." - NIEBUHR, Joel de Menezes. *Dispensa e Inexigibilidade de Licitação Pública*. São Paulo: Dialética, 2003. p. 212.

7.9. O credenciamento, ou seja, contratação de empresa especializada para realização do presente serviço se faz necessária, pois, o diagnóstico por exames laboratoriais é de fundamental importância em complementação ao diagnóstico clínico convencional fornecendo aporte para confirmação das evidências clínicas inicialmente detectadas.

7.10. A Lei de Licitações e Contratos que vigora desde a década de 90 (noventa) manteve-se silente quanto ao Credenciamento, reservando-se a não o definir ou mesmo a autorizar a sua admissão. O principal ponto de escoramento da Administração Pública para a utilização do instituto foram, portanto, as escassas produções doutrinárias e o abundante acervo de decisões tomadas pelos tribunais de contas, especialmente pelo TCU na sistematização do instituto, o STJ declarou que.

"[...] o Credenciamento constitui hipótese de inexigibilidade de licitação não prevista no rol exemplificativo do art. 25 da lei 8.666/93, amplamente reconhecida pela doutrina especializada e pela jurisprudência do Tribunal de Contas da União, que pressupõe inviável a competição entre os credenciados" (TCU-REsp: 1.747.636, Relator: Gurgel de Faria, Data de julgamento: 9/12/2021, 1ª Turma)

7.11. Em sede de Consulta realizada pelo Secretário do Tesouro Nacional, ainda que não conhecida a demanda por ausência de legitimidade, o TCU, em deliberação plenária, acompanhando o voto do relator, decidiu:

"[...] o sistema de credenciamento, quando realizado com a devida cautela, assegurando o tratamento isonômico aos interessados na prestação dos serviços e negociando-se conforme as condições de atendimento, obtendo-se uma melhor qualidade dos serviços além do menor preço, podendo ser adotado sem licitação amparado no art. 25 da lei 8.666/93" (TCU-Consulta: 104, Relator: Adhemar Paladini Ghisi, Data de julgamento: 27/3/2021, Plenário)

7.12. O ministro relator Raimundo Carneiro, citando trecho das considerações da CEF acerca do voto do saudoso ministro Adhemar Ghisi constante da Decisão 104/1995-Plenário (TCU-TCE: 436, Relator: Raimundo Carneiro, Data de julgamento: 28/1/2020, Segunda Câmara), ressaltou que a compreensão do credenciamento como autêntica hipótese de inexigibilidade de licitação, ainda que não expressamente previsto na lei 8.666/93, está há décadas consolidado na jurisprudência da Corte, conforme se verifica abaixo:

"11. Trata-se de entendimento sedimentado há décadas neste Tribunal, conforme bem assinalado pela Selog ao resgatar as considerações do saudoso Ministro Adhemar Ghisi no Voto condutor Decisão 104/1995-Plenário, verbis: Finalizando, constatamos ter ficado devidamente esclarecido no processo TC 008.797/93-5 [relatório aprovado pelo Plenário em Sessão de 09/12/1993, no TC 008.797/93-5, matéria administrativa, sem acórdão associado] que o sistema de credenciamento, quando realizado com a devida cautela, assegurando tratamento isonômico aos interessados na prestação dos serviços e negociando-se as condições de atendimento, obtém-se uma melhor qualidade dos serviços além do menor preço, podendo ser adotado sem licitação amparado no art. 25 da Lei 8.666/93 (grifo acrescido)" (TCU, Relator: Raimundo Carneiro, Data de julgamento: 4/3/2020, Plenário).

7.13. Para além disso, a Corte já ratificou a proposta de que o Credenciamento, embora não previsto nos incisos do art. 25 da lei 8.666/93, vem sendo admitido pela doutrina e pela jurisprudência como legítima hipótese de inexigibilidade de licitação (TCU-CONS: 351, Relator: Marcos Bemquerer, Data de julgamento: 3/3/2010, Plenário).

7.14. Conforme o texto jurisprudencial, o procedimento encontra-se aludido no caput do dispositivo legal, tendo em vista a existência do critério "inviabilidade de competição" para a validade do Credenciamento.

7.15. Observa-se, pois, pelas citações acima, que já há longo tempo a sistemática de Credenciamento é admitida pela Tribunal de Contas da União, desde que **atendidos determinados critérios caracterizadores**. O Credenciamento, portanto, mesmo não expressamente determinado em lei, possui o seu elemento fundamental (*a inviabilidade de competição*) claramente consagrado pela legislação, sendo indiscutível, como se sabe, a sua possibilidade, desde que presente a impossibilidade de licitar.

7.16. Acerca do assunto já discorreu a Procuradoria Geral do Estado do Amazonas por meio do Parecer n.º 34/2009-PA/PGE:

"Registro que a hipótese de credenciamento não foi prevista na Lei n.º 8.666/93, não havendo qualquer dispositivo que aborde o assunto, regrando suas premissas. Todavia, a ausência de dispositivos normativos em torno das hipóteses de credenciamento não obsta lhes reconhecer a existência, bem como a inviabilidade de competição, o que acarreta a inexigibilidade.

Na verdade, o credenciamento é uma espécie de cadastro em que se inserem todos os interessados em prestar certos tipos de serviços, conforme regras de habilitação e remuneração, prefixadas pela própria Administração Pública. Todos os interessados/credenciados celebram, sob as mesmas condições contrato administrativo, haja vista que, pela natureza do serviço, não há relação de exclusão, isto é, o serviço a ser contratado não precisa ser prestado com exclusividade por um ou por outro, mas pode ser prestado por todos".

7.17. E, posteriormente, na mesma linha, conforme ilações extraídas do Parecer n.º 64/2014-PA/PGE:

"Em suma, o credenciamento, de acordo com a mais abalizada doutrina administrativa, constitui-se inviabilidade de competição pela contratação de todos e encontra amparo jurídico para sua realização. Cite-se JORGE ULISSES JACOBY FERNANDES:

Se a Administração convoca todos os profissionais de determinado setor, dispondo-se a contratar todos os que tiverem interesse e que satisfaçam os requisitos estabelecidos, fixando ela própria o valor que se dispõe a pagar, os possíveis licitantes não competirão, no estrito sentido da palavra, inviabilizando a competição, uma vez que a todos foi assegurada a contratação. É a figura do "credenciamento", que o Tribunal de Contas da União vem recomendando para a contratação de serviços médicos, jurídicos e de treinamento.

(...) há quatro aspectos fundamentais que definem a possibilidade de uso ou não da pré-qualificação do tipo credenciamento:

- a) todos os que satisfaçam às condições exigidas;*
- b) impessoalidade na definição da demanda, por contratado;*
- c) que o objeto satisfaça na forma definida no edital e*
- d) que o preço de mercado seja razoavelmente uniforme".*

7.18. A própria lei disciplinadora, no entanto, preconiza situações excepcionais de contratação direta. No caso em tela, vislumbra-se a possibilidade de contratação direta por meio de credenciamento, hipótese de inviabilidade de competição decorrente da possibilidade de a Administração contratar pessoas físicas ou jurídicas de um determinado setor em igualdade de condições. Embora a lei não preveja expressamente o instituto, a Doutrina e a Jurisprudência já se manifestaram,

de forma convergente, sobre o mesmo entendimento, no sentido de que ele é possível, com fundamento no *caput* do art. 25 da Lei n.º 8.666/93.

7.19. **Tendo em vista ser uma hipótese de exceção à licitação, mostra-se acertada.** Sobre isso, destaca-se o seguinte pronunciamento do TJDFT:

"3.1. O credenciamento trata-se de um mecanismo para se efetivar uma contratação em que a licitação seria inexigível, conforme se depreende do art. 25 da Lei 8.666/93, ou seja, em casos em que houver inviabilidade de competição" (TJDFT-AGRAVO: 1.137.847, Relator: Vera Andriighi, Data de julgamento: 14/11/2018, 6ª Turma Cível).

Outra hipótese de inexistência de licitação pública, que é cada vez mais frequente, relaciona-se ao denominado credenciamento, porquanto todos os interessados em contratar com a Administração Pública são efetivamente contratados, sem que haja relação de exclusão. Como todos os interessados são contratados, não há que se competir por nada, forçando-se reconhecer, por educação, a inviabilidade de competição e a inexigibilidade de Licitação Pública.

Trata-se de situação oposta ao previsto no inciso I do art. 25 da Lei n.º 8.666/93, pertinente a contratação do fornecedor exclusivo. Nela, só umas pessoas dispõem do bem que a Administração Pública pretende, que acaba compelida a contratá-la diretamente, inviabilizando a competição. Agora com o credenciamento, todos aqueles que pretendem contratar com a Administração são contratados (...). Em resumo: a inexigibilidade consagrada no inciso I do art. 25 fundamenta-se de que só uma pessoa pode ser contratada; já a inexigibilidade que ocorre com o credenciamento pressupõe que todos os interessados sejam contratados. (...)”, ensina Joel de Menezes Niebuhr.

Ainda segundo Menezes "O credenciamento pressupõe a contratação, com igualdade de condições, de todos os interessados hábeis a prestarem a utilidade reclamada pela Administração Pública. Logo, para realizar o credenciamento, é necessário que a Administração Pública elabore documentos que relatem quais as atividades a serem prestadas pelo credenciado, quais as condições para o credenciamento, qual o regime de execução do contrato e quanto ela se compromete a pagar a título de contraprestação. Assim, todos os interessados que atendam as condições do credenciamento podem ser contratados, sob as mesmas condições, tais quais prescritas no aludido regulamento".

7.20. Nesse sentido, o Credenciamento é uma forma de contratação direta adotada pela Administração Pública, que prevê a possibilidade de contratação sem licitação prévia, nos casos em que exista inviabilidade de competição.

7.21. Ou seja, o credenciamento constitui instrumento historicamente identificado como apto a abarcar aquelas situações em que, para o adequado atendimento da demanda, a Administração precisa contar com **todos os fornecedores/prestadores do serviço** que manifestarem interesse e atenderem os requisitos fixados no Regulamento.

7.22. A necessidade de contar com **todos aqueles** que se mostrarem aptos (Acórdão nº 351/2010 – Plenário), especialmente, **a ausência de interesse da Administração em restringir o número de contratados** (Acórdão nº 3567/2014 – Plenário), tem sido apontada ao longo dos últimos anos como fator determinante da **inviabilidade de competição**, característica da **inexistência** (art. 25, *caput*, da Lei nº 8.666/93).

7.23. O credenciamento é sistema por meio do qual a Administração Pública convoca todos os interessados em prestar serviços ou fornecer bens, para que, preenchendo os requisitos necessários, credenciem-se junto ao órgão ou entidade para executar o objeto quando convocados.

7.24. Essa sistemática pressupõe a pluralidade de interessados e a indeterminação do número exato de prestadores suficientes para a adequada prestação do serviço e adequado atendimento do interesse público, de forma que quanto mais particulares tiverem interesse na execução do objeto, melhor será atendido o interesse público.

7.25. Assim, se não é possível limitar o número exato de contratados necessários, mas há a necessidade de contratar todos os interessados, não é possível estabelecer competição entre os interessados em contratar com a Administração Pública.

7.26. A licitação, portanto, é inexigível. A inviabilidade de competição elimina a possibilidade de promover processo de licitação pública. Ora, um dos elementos indispensáveis para a imposição do dever de licitar é justamente a competitividade.

7.27. Logo, somente será legítimo promover chamamento público para credenciamento quando restar comprovada a inviabilidade de competição para a contratação do objeto pretendido. Assim, confirmado que a demanda será melhor atendida pela contratação do maior número de interessados possível, será legítima a instauração do credenciamento.

7.28. Para tanto, deverá ser publicado edital de chamamento público o qual definirá o objeto a ser executado, os requisitos de habilitação e especificações técnicas indispensáveis a serem analisados, fixará o preço e estabelecerá os critérios para convocação dos credenciados. Salienta-se, no entanto, que apesar de se tratar de hipótese de inexistência de licitação, é requisito de validade do credenciamento a *“garantia da igualdade de condições entre todos os interessados hábeis a contratar com a Administração, pelo preço por ela definido”*.

7.29. Outro ponto fundamental a ser considerado para a formação de um credenciamento é a possibilidade de fixar critério objetivo e que garanta a impessoalidade para a convocação dos credenciados para contratar, tais como o sorteio ou a escolha pelo usuário.

7.30. Em rasas palavras, pode-se dizer que a todos os credenciados deve ser garantida a igualdade de oportunidade para contratar por meio de critério impessoal de escolha da empresa/profissional.

7.31. Verifica-se, portanto, que a escolha efetiva do fornecedor do objeto deverá recair sobre o usuário, não devendo ser uma imputação da própria Administração, sob risco de violação do requisito em estudo. Essa adequada compreensão encontra sustentação em decisão do TCU, assim descrita:

7.32. "[...] Considerando as reiteradas decisões do TCU no sentido de que o credenciamento deve ser utilizado para a contratação de serviços médicos, jurídicos e de treinamento, desde que a Administração fixe critérios objetivos, e ainda que sejam observados quatro aspectos fundamentais quando da análise da adequação do uso do credenciamento, quais sejam: **contratação de todos os selecionados, mesmo que demandados em quantidade não uniforme; impessoalidade/objetividade na definição da demanda por contratado** (TCU-CONS: 1.150, Relator: Aroldo Cedraz, Data de julgamento: 15/5/2013, Plenário).

7.33. A inviabilidade, no presente caso, resulta da possibilidade de contratação de todos os interessados do ramo do objeto pretendido, e que atendam às condições mínimas estabelecidas no regulamento. Ou seja, não há possibilidade de competição, pois **todos podem e deverão ser contratados pela Administração**. Esse critério diz respeito à objetividade quanto a escolha dos credenciados no momento da prestação dos serviços, quando o objeto pretendido não permitir contratações imediatas e simultâneas.

7.34. O Acórdão 1.215/2013 – Tribunal de Contas da União (TCU) avaliou as peculiaridades dos serviços de saúde no âmbito do SUS, onde normalmente a demanda é superior à oferta, daí o interesse da administração de contratar prestadores privados, de forma complementar, que se enquadrem nas condições definidas pelo poder público, caracterizando uma situação de inexistência de licitação, permitindo o uso do credenciamento. Entretanto, o TCU ressalta a ausência de regulamentação específica a respeito, e o conceito e regras aplicáveis ao Credenciamento, enquadrando-o como um procedimento auxiliar de contratação, fixando as hipóteses e regras fundamentais que norteiam sua utilização, **conferindo maior segurança jurídica a Administração Pública ao adotar esse modelo de contratação;**

7.35. Sobre este ponto específico, a expectativa é que a norma regulamentadora traga maior compreensão sobre o **formato de contratação extraída a partir da convocação do particular para a execução do serviço ou fornecimento pretendido**, delineado, a partir de sua natureza e características, de maneira mais clara os direitos e obrigações deles derivados.

7.36. Daí o referido Acórdão 1.215/2013/TCU, determinar ao Ministério da Saúde a **edição de regulamentação, disciplinando o credenciamento de prestadores de serviços de saúde privados em complementação ao SUS, a ser utilizado por estados e municípios nos casos em que a oferta de serviços de saúde seja menor do que a demanda**, sempre em estrita observância ao ordenamento jurídico.

7.37. O Ministério da Saúde, à época com fundamento no inciso XIV do art. 16 da Lei n.º 8.080/1990, normatizou por meio da Portaria GM/MS n.º 2.567, de 25 de novembro de 2016, a participação complementar da iniciativa privada na execução de ações e de serviços de saúde e o credenciamento de prestadores de serviços de saúde no SUS. Em seu Art 2º, considera o:

I - **chamamento público:** ato de chamar, publicamente, prestadores de serviços assistenciais de interesse do SUS, com a possibilidade de credenciá-los;

II - **credenciamento:** procedimento de licitação por meio do qual a administração pública, após chamamento público para um determinado objeto, celebra contrato de prestação de serviços com todos aqueles considerados aptos, nos termos do art. 25, "caput" da Lei nº 8.666, de 1993;

7.38. Disciplinou ainda no Art. 3, § 6º que **"Para efeito de remuneração, os serviços contratados deverão utilizar como referência a Tabela de Procedimentos do SUS."**

7.39. Apesar de definir a **Tabela de Procedimentos do SUS como referência de preços** nas contratações, posteriormente o Manual de orientações para contratação de serviços de saúde do Ministério da Saúde - 2017, **trás a possibilidade de fixar valores de referência de remuneração dos serviços assistenciais de**

saúde e outros critérios como de reajustamento, condições e prazos para o pagamento dos serviços faturados;

7.40. Isto posto, considerando que os exames objeto desta contratação, em sua maioria, **não constam na Tabela de Procedimentos do SUS, não havendo dessa forma valores de referência naquela Tabela**, se a opção pela contratação for por Credenciamento de Empresa(s) através do Chamamento Público, se faz necessário a **realização de cotejamento de preços de mercado através de prestadores assim como bancos públicos de preços para fixar valores de referência para a contratação**.

7.41. Diante de tudo que ponderamos, **quanto a definição sobre qual das opções seria mais vantajosa para a administração**, considerando a necessidade de fixação de valores através de cotejamento de preços de mercado em ambas as opções - seja por inexigibilidade ou por licitação na modalidade pregão eletrônico, entendo que **tal escolha seja discricionária do Ordenador de Despesas**, qual seja:

a) se os serviços a serem contratados deverão ser prestado com exclusividade por um particular, devendo ser viabilizada a ampla concorrência através de licitação na modalidade pregão eletrônico ou;

b) se serão contratado todos aqueles que forem considerados aptos, sendo neste caso inexigível a licitação **promovendo-se o credenciamento dos interessados**. Se a opção for pelo credenciamento, **deverá ser definido o critério de distribuição da demanda existente de maneira equânime entre os credenciados**.

7.42. Desta forma, justifica-se o Credenciamento Empresas especializadas que atuem na prestação e fornecimento de serviços laboratoriais para realização de exames na Área de Patologia Clínica, de forma complementar aos procedimentos já existentes, com seus respectivos laudos objetivando atender a Secretária de Estado da Saúde de Rondônia, **de forma continuada**, por um período de 12 (doze) meses.

8. DA DESPESA COM A EXECUÇÃO DOS SERVIÇOS

8.1. As despesas com a execução dos serviços correrão neste exercício por conta da seguinte programação orçamentária, em conformidade com a Lei 4.647, de 18 de novembro de 2019 - Plano Plurianual 2020 - 2023, a despesa ora informada foi planejada para ser executada conforme descrito na programação abaixo:

| DESCRIÇÃO DA DESPESA | |
|-------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|----------------------|
| Contratação de empresa (as) especializada (as) na prestação de serviços laboratoriais quanto a realização de exames laboratoriais não realizados na Rede de Patologia Clínica do Estado de Rondônia, atendendo, assim, suas necessidades de forma contínua, por um período de 12 (doze) meses.. | |
| Resposta ao: | Despacho 0032338255. |

| PROGRAMA DE TRABALHO | UNIDADE ATENDIDA | FONTE DE RECURSO | NATUREZA DA DESPESA |
|------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|--------------------------------------------------------------|-----------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|-----------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|
| 17.012.10.302.2034.4009 - ASSEGURAR ATENDIMENTO EM SAÚDE NAS UNIDADES HOSPITALARES 17.012.10.302.2034.4011 - MANTER SERVIÇOS DE SAÚDE ESPECIALIZADOS 17.012.10.301.2084.4005 - ATENDER USUÁRIOS DO SUS EM SITUAÇÕES EXCEPCIONAIS | Hospital e Pronto Socorro João Paulo II - JPII | 0100 - Recursos do Tesouro - Exercício Corrente (Recursos Ordinários) | 3.3.90.39 - Outros Serviços de Terceiros - PJ 3.3.90.30 - Material de consumo 3.3.90.91 - Sentenças Judiciais |
| | Hospital Infantil Cosme e Damião - HICD | 0110 - Recursos do Tesouro - Exercício Corrente (Recursos para Apoio das Ações e Serviços de Saúde) | |
| | Centro de Medicina Tropical do Estado de Rondônia - CEMETRON | 0300 - Recursos do Tesouro - Exercícios Anteriores (Recursos Ordinários) | |
| | Hospital de Campanha - HC | 0310 - Recursos do Tesouro - Exercícios Anteriores (Recursos para Apoio das Ações e Serviços de Saúde) | |
| | Hospital Regional de Extrema - HRE | 0213 - Recursos de Outras Fontes - Exercício Corrente (Cota-parte da Compensação Financeira dos Recursos Hídricos) | |
| | Complexo Hospitalar Regional de Cacoal - COHREC | 0613 - Recursos de Outras Fontes - Exercícios Anteriores (Cota-parte da Compensação Financeira dos Recursos Hídricos) | |
| | Hospital regional de Buritis - HRB | 0209 - Recursos de Outras Fontes - Exercício Corrente (Recursos do Sistema Único de Saúde) | |
| | Hospital regional de São Francisco do Guaporé - HRF | 0609 - Recursos de Outras Fontes - Exercícios Anteriores (Recursos do Sistema Único de Saúde - SUS) | |
| | Hospital de Base Ary Pinheiro - HBAP | | |
| | Policlínica Osvaldo Cruz - POC | | |
| | Núcleo de Mandados Judiciais - NMJ | | |
| | Núcleo de Apoio e Conciliação - NAC | | |

*Informação nº 3160/2022/SESAU-NPPS (0032361811)

9. DA NECESSIDADE DA CONTRATAÇÃO/CREDENCIAMENTO

9.1. Considerando o término do Contrato Nº **290/PGE-2019 (ID: 0017627883)** tendo em vista manifestação da não continuidade por parte da CONTRATADA conforme Ofício nº 0025/2022 (0028646265);

9.2. Considerando o grande número de ações judiciais para a obtenção do direito à realização de exames complementares não cobertos pelo SUS Estadual, onerando sobremaneira os cofres públicos com a contratação individual de procedimentos em detrimento a uma compra programada em quantidade, onde de acordo com um relatório sobre a judicialização na saúde aponta crescimento de aproximadamente 130% nas demandas de primeira instância entre 2008 e 2017. *(Conselho Nacional de Justiça (CNJ) e Poder Judiciário)*

9.3. Essa crescente judicialização do acesso ao Sistema Único de Saúde (SUS) tem promovido grande impacto no limite orçamentário dos estados que gastam muito mais com a compra de medicamentos e procedimentos/exames individuais para obedecer a decisões do Poder Judiciário do que se fossem adquiridos em quantidade, com valores negociados para todos que dele necessitam. Além disso, como não é possível prever o montante do orçamento que será destinado ao atendimento de ações judiciais, os gestores públicos enfrentam maiores desafios em manter um serviço de saúde funcional e eficiente para a população, já que alguns recursos precisam ser realocados.

9.4. Considerando que os Exames Laboratoriais são necessários em apoio ao diagnóstico de inúmeras patologias.

9.5. Considerando que o LEPAC/RO, apesar de ser um laboratório de média e alta complexidade e de ter em seu *roll* de exames aproximadamente mais de 480 diferentes tipos de exames laboratoriais, resta prejudicado em não atender aos usuários com exames solicitados pelo corpo clínico estadual com exames das mais diversas metodologias do tipo "**SEQUENCIAMENTO GENÉTICO; qRT PCR; MLPA; FISH; HLA; ELETROFORESES; dentre tantos outros**", dentre tantas outras metodologias de altíssima tecnologia, considerando a dificuldade em se estabelecer um *roll* de exames necessários a cobertura diagnóstica das mais variadas especialidades disponíveis no SUS Estadual;

9.6. Isto posto, é imprescindível o CREDENCIAMENTO para a contratação de Laboratórios de Apoio quanto a realização de exames não contemplados pela rede SUS Estadual, sendo indispensável enquanto instrumento complementar a assistência médico-ambulatorial realizada nas Unidades de Saúde do Estado e na rede Hospitalar Estadual, pois, o diagnóstico por exames laboratoriais é de fundamental importância em complementação ao diagnóstico clínico convencional fornecendo aporte para confirmação das evidências clínicas inicialmente detectadas.

9.7. Neste diapasão, justifica-se o Credenciamento Empresas especializadas que atuem na prestação e fornecimento de serviços laboratoriais para realização de exames na Área de Patologia Clínica, de forma complementar aos procedimentos já existentes, com seus respectivos laudos objetivando atender a Secretária de Estado da Saúde de Rondônia, **de forma continuada**, por um período de 12 (doze) meses.

10. DO INTERESSE PÚBLICO NA DESPESA

10.1. A organização dos serviços de patologia clínica é orientada pela diretriz de hierarquização das ações, de forma coerente e articulada com os demais serviços do SUS estadual.

10.2. De fato, **a saúde é direito de todo cidadão e dever do Estado**, como prevê a legislação brasileira na Constituição Federal:

Art. 196 - A saúde é direito de todos e dever do Estado, garantido mediante políticas sociais e econômicas que visem à redução do risco de doença e de outros agravos e do acesso universal e igualitário às ações e serviços para sua promoção, proteção e recuperação;

Art. 5º - Todos são iguais perante a lei, sem distinção de qualquer natureza, garantindo-se aos brasileiros e aos estrangeiros residentes no País a inviolabilidade do direito à vida...

Art. 6º - São direitos sociais (...) a saúde...

10.3. Tal preceito é complementado pela lei 8.080/90, em seu artigo 2º:

"A saúde é um direito fundamental do ser humano, devendo o Estado prover as condições indispensáveis ao seu pleno exercício". (grifos nossos)

10.4. Uma vez que a saúde se tipifica como um bem jurídico indissociável do direito à vida, é certo que o Estado tem o dever de tutelá-la. Consoante André da Silva Ordacgy (2007):

"A Saúde encontra-se entre os bens intangíveis mais preciosos do ser humano, digna de receber a tutela protetiva estatal, porque se consubstancia em característica indissociável do direito à vida. Dessa forma, a atenção à Saúde constitui um direito de todo cidadão e um dever do Estado, devendo estar plenamente integrada às políticas públicas governamentais".

11. DA BUSCA PELA EFICIÊNCIA NA ADMINISTRAÇÃO DOS RECURSOS DISPONÍVEIS

11.1. A Constituição Federal de 1988, no caput de seu art. 37, torna explícito alguns princípios que devem nortear o funcionamento da administração pública brasileira:

"Art. 37. A administração pública direta e indireta de qualquer dos Poderes da União, dos Estados, do Distrito Federal e dos Municípios obedecerá aos princípios de legalidade, impessoalidade, moralidade, publicidade e eficiência (...)" (Brasil, 1988)

...

XXI - ressalvados os casos especificados na legislação, as obras, serviços, compras e alienações serão contratados mediante processo de licitação pública que assegure igualdade de condições a todos os concorrentes, com cláusulas que estabeleçam obrigações de pagamento, mantidas as condições efetivas da proposta, nos termos da lei, o qual somente permitirá as exigências de qualificação técnica e econômica indispensáveis à garantia do cumprimento das obrigações. (grifou-se)

11.2. O princípio da eficiência – último entre os princípios que regem a administração pública, conforme caput do artigo 37 da CF/88 – que foi acrescentado à Carta Magna pela Emenda Constitucional nº 19/1998 é aquele que impõe à administração pública direta e indireta e a seus agentes a persecução do bem comum, por meio do exercício de suas competências de forma imparcial, neutra, transparente, participativa, eficaz, sem burocracia e sempre em busca da qualidade, primando pela adoção dos critérios legais e morais necessários para a melhor utilização possível dos recursos públicos, de maneira a evitar-se desperdícios e garantir-se uma maior rentabilidade social.

12. QUADRO DE FORMULAÇÃO DE PREÇOS

12.1. A pesquisa de preços será realizada dentro dos parâmetros da Portaria nº 238/2019/SUPEL-CI, que estabelece normas para a realização das cotações de preços de mercado no âmbito da Gerência de Pesquisas e Análise de Preços – GEPEAP, da Superintendência Estadual de Compras e Licitações – SUPEL, a qual resolve no Art. 2º:

Portaria nº 238/2019/SUPEL-CI

"Art. 2º A pesquisa de preços será realizada em observância às orientações contidas no Anexo I desta Portaria e mediante a utilização dos seguintes parâmetros:

...

II – Banco de preços eletrônicos

...

V - pesquisa com os fornecedores, desde que as datas das pesquisas não se diferenciem em mais de cento e oitenta dias."

Art. 3º Para a obtenção do preço de referência, serão utilizados como metodologia, a média, a mediana ou o menor dos preços obtidos na pesquisa de preços, desde que o cálculo incida sobre um conjunto de três ou mais preços, oriundos de um ou mais parâmetros previstos no art. 2º, desta Portaria, desconsiderados os preços inexequíveis e os excessivamente elevados.

Parágrafo único. Excepcionalmente, mediante justificativa e autorização da autoridade competente da unidade requisitante responsável pela pesquisa, serão admitidas outras metodologias para a obtenção do preço de referência distintas daquelas previstas no caput, assim como pesquisas com menos de três preços.

13. DA CLASSIFICAÇÃO DO BEM OU SERVIÇO

13.1. **Todos os itens/exames/procedimentos solicitados e definidos neste ETP e TR, utilizam especificações usuais no mercado atual.**

13.2. **Para tanto transcrevemos precedente do TCU que versa sobre o tema:**

Bem ou serviço comum é aquele que **pode ter seus padrões de desempenho e qualidade objetivamente definidos pelo edital, por meio de especificações usuais no mercado.** O conceito de serviço comum não está necessariamente ligado a sua complexidade."

Acórdão 1287/2008 Plenário (Sumário)

13.3. A caracterização de um bem ou serviço como comum **não se confunde com a complexidade do objeto.** O que deve ser verificada é a **possibilidade de os seus padrões de desempenho e qualidade serem definidos objetivamente em especificações usualmente adotadas no mercado, o que fica evidente no presente instrumento convocatório.**

13.4. O bem ou o serviço não envolve técnicas desconhecidas no mercado ou que requerem inovação tecnológica para a sua execução.

13.5. Ou seja o BEM ou o serviço É COMUM, pois é possível estabelecer, por intermédio de especificações utilizadas no mercado, padrões de qualidade e desempenho peculiares ao objeto, de modo que é possível a decisão entre os serviços ofertados pelos participantes com base no menor preço.

14. VIABILIDADE E RESULTADOS PRETENDIDOS

14.1. Atualmente, a Administração Pública tem buscado meios mais eficientes e eficazes para atender as demandas crescentes da sociedade. Com a administração gerencial, novas ações têm sido desenvolvidas para melhor satisfazer as necessidades coletivas como segurança, saúde, educação e cultura. Além de agir de forma ética e transparente, estar revestido de boa capacidade técnica para agir com o objetivo de otimizar e expandir os serviços públicos com ênfase na eficiência, na qualidade e no efetivo desenvolvimento da democracia. Ou seja, deve estar preparado para oferecer bens e serviços com qualidade, com os menores custos possíveis e sempre visando o bem comum da sociedade.

14.2. Dessa forma, não há como oferecer bens e serviços com eficiência e qualidade sem que se proceda a um bom planejamento para garantir melhor alinhamento de toda a organização, gerir seus recursos disponíveis, alcançar resultados mais eficazes e desenvolver meios para mensurar esses resultados. Assim, é em uma fase de planejamento da contratação, conhecida também como fase interna da licitação, que se analisa a viabilidade das soluções que se pretende adquirir para atendimento das demandas sociais pela Administração Pública, identificando e definindo claramente a necessidade a ser satisfeita, verificando as reais possibilidades de atendê-la, identificando os riscos potenciais que porventura possam afetar a contratação e garantindo que os resultados esperados sejam vantajosos economicamente para a Administração.

14.3. A viabilidade e resultados pretendidos com este certame visa, atender a esta necessidade da população, uma vez que o Estado deve estabelecer um conjunto de ações que vão desde a prevenção à assistência curativa, nos diversos níveis de complexidade. Neste contexto, a atenção integral se tornou uma das diretrizes do SUS.

14.4. Os exames objeto da contratação pretendida será o CREDENCIAMENTO DE LABORATORIOS ESPECIALIZADOS para a realização de exames complementares aos procedimentos já existentes na rede SUS estadual, ou seja aqueles que não são realizados pela Rede de Patologia Clínica estadual;

14.5. Considerando como um dos princípios do SUS, a integralidade está presente tanto nas discussões quanto nas práticas na área da saúde e está relacionada à condição integral, e não parcial, de compreensão do ser humano. Ou seja: o sistema de saúde deve estar preparado para ouvir o usuário, entendê-lo inserido em seu contexto social e, a partir daí, atender às demandas e necessidades desta pessoa.

14.6. Pela perspectiva dos usuários, a ação integral em saúde tem sido frequentemente associada ao tratamento *respeitoso, digno, com qualidade e acolhimento*. Por isso, este valor paira como uma orientação geral nos serviços de saúde, já que o Estado tem o dever de oferecer um “*atendimento integral, com prioridade para as atividades preventivas, sem prejuízo dos serviços assistenciais*”, como oficializou a Constituição Federal de 1988.

14.7. Neste diapasão, os exames laboratoriais estão inseridos no contexto de “*integralidade de assistência*” sendo necessários enquanto apoio para diagnóstico de inúmeras patologias. Assim sendo, a contratação de Laboratórios para a prestação de serviços de Análises Clínicas não contemplados pela Rede de Patologia Estadual são indispensáveis, como instrumento para complementar a assistência médico-ambulatorial realizada nas Unidades de Saúde da Secretaria de Estado da Saúde, bem como nos Hospitais da rede estadual.

14.8. A literatura médica cita que 70% das decisões médicas se baseiam em resultados de exames laboratoriais, procedimentos considerados minimamente invasivos, que podem ser considerados como sendo a ferramenta de elevada relação custo/efetividade para se obter informações sobre o estado de saúde do paciente.

14.9. Os resultados de exames laboratoriais fornecem informações que podem ser utilizadas para fins diagnóstico e prognóstico, prevenção e estabelecimento de riscos para inúmeras doenças, definição de tratamentos personalizados, assim como evitar a necessidade de procedimentos complementares mais complexos e invasivos e onerosos, quando os exames são bem indicados e os resultados corretamente interpretados.

14.10. Isto posto, é imprescindível o credenciamento e a contratação de Laboratórios de Apoio para a realização de exames não contemplados pela rede SUS Estadual, sendo indispensável enquanto instrumento para complementar a assistência médico-ambulatorial realizada nas Unidades de Saúde do Estado, bem como na rede Hospitalar Estadual;

14.11. Considerando que os exames ora capitulados **não são realizados por nenhuma empresa sediada no estado de Rondônia** e que estas empresas subcontratam laboratórios de apoio fora do estado para a sua realização, **para atender as necessidades do Sistema de Saúde Estadual, de forma complementar aos procedimentos já existentes;**

14.12. O credenciamento OU SEJA a contratação de empresa especializada para realização do presente serviço se faz necessária, pois, o diagnóstico por exames laboratoriais é de fundamental importância em complementação ao diagnóstico clínico convencional fornecendo aporte para confirmação das evidências clínicas inicialmente detectadas.

14.13. Em conformidade com a legislação vigente, o Credenciamento será precedido de cotejamento de preços junto a empresas especializadas na realização de exames laboratoriais, demonstrando que os preços a serem praticados são consentâneos aos de mercado, restando demonstrado a viabilidade técnica e econômica da futura contratação em tela.

14.14. Enfatizamos a importância e necessidade da efetivação de novas aquisições afim de que não haja solução de continuidade nos serviços de análises clínicas dos hospitais estaduais.

14.15. Considerando que os serviços pretendidos não devem sofrer solução de descontinuidade, assim como a necessidade de otimização do fluxo de trabalho realizado pela Rede de Saúde estadual, tendo em vista o grande fluxo de usuários que são atendidos;

15. DAS QUANTIDADES

15.1. ESTIMATIVO DOS PROCEDIMENTOS

15.1.1. Para definição e quantitativo que irão compor o Termo de Referência, utilizou-se as informações elaborados pelas unidades a serem atendidas pelo referido credenciamento, através dos documentos:

Hospital Infantil Cosme e Damião - HICD (0029076480), Centro de Medicina Tropical - CEMETRON (0029277303; 0029741141), Hospital Regional de Extrema (0029282027); Hospital Regional de Burity (0029475050); Complexo Hospitalar Regional de Cacoal - COHREC (0029486256); Hospital e Pronto Socorro João Paulo II (0029359455); Hospital de Base Dr. Ary Pinheiro - HBAP (0029161906); Policlínica Oswaldo Cruz - POC (0029985248), Núcleo de Mandados Judiciais - NMJ e Núcleo de Apoio e Conciliação - NAC (0029641605; 0029886818; 0029979608),

15.2. Assim como dados extraídos do último processo licitatório o qual teve o término do Contrato Nº **290/PGE-2019 (ID: 0017627883)** tendo em vista manifestação da não continuidade por parte da CONTRATADA conforme Ofício nº 0025/2022 (0028646265);

15.2.1. Outrossim informamos que o quantitativo solicitado é suficiente para atendimento deste certame baseado nas informações dadas pelas unidades de saúde elencados em anexo, para efetuar a contratação, não havendo indicação ou referência a marcas, o bem a ser adquirido pode ser enquadrado como bem e serviço comuns, para fins de utilização.

| CEMETRON | HOSP. BASE | HOSP. CAMPANHA | HICD | HOSP. JPII | POC | HRE | HRB | COHREC | NMJ/NAC |
|------------------------------|--------------|-------------------------------------------------|--------------|--------------|--------------|--------------|--------------|--------------|------------------------------|
| (0029277303) (0029741141) | (0029161906) | Relatório producao HC 2020-2021 (0022129428) | (0029076480) | (0029359455) | (0029985248) | (0029282027) | (0029475050) | (0029486256) | (0029641605) (0029886818) |

15.3. Assim como em processo anterior foi solicitado as quantidades dos procedimentos foram estimadas conforme documentos encaminhados a este LEPAC/RO através do processo 0036.103583/2019-31, (CEMETRON-NLSX (5110891), Memorando 39 (5206074), Despacho HB-DG (5547102), Memorando 7 (5268292), Memorando 3 (5279117), Despacho HRB-GAD (5410982) e Despacho HRSF-ASTEC (5679443), e agora **novamente com o documento do Hosp. de Base Dr. ary Pinheiro Memorando 52 (7928204) - Relação (7958165)**, pelos quais as unidades relatam suas necessidades e demandas mensais.

15.4. O quantitativo estimado para o consumo do objeto, além de ser obrigatório, deve ser justificado com base na realidade da demanda esperada, ainda que incerta. Se houvesse apenas a indicação de uma **expectativa de consumo inicial**, de modo que a solicitação dos quantitativos esteja condicionada à análise de sua necessidade e de sua viabilidade por parte da Administração, sem qualquer fixação de quantidade mínima, pode-se entender que as cláusulas do edital conduziam à compreensão de que a quantidade indicada para a primeira contratação constituía mera referência de consumo.

15.5. Sob esse enfoque, ainda que a consequência da adoção do sistema registro de preços seja a inexistência de obrigatoriedade quanto à contratação do total licitado, o fato é que a estimativa de consumo se relaciona diretamente com **a margem de negociação e vantagem passível de ser verificada na licitação.**

15.6. Desse modo, se o edital estabelece um quantitativo mínimo para a primeira contratação, a solicitação de quantidade inferior representa ofensa aos princípios da vinculação ao instrumento convocatório, da boa-fé objetiva e da preservação do equilíbrio econômico-financeiro, tornando-se neste caso, indispensável a concordância do beneficiário da ata para redução do quantitativo.

15.7. Isto posto, ratificamos que a cotação seja realizada com **base nos quantitativos máximos da tabela;**

15.8. **QUADRO DE DISTRIBUIÇÃO**

15.8.1. A distribuição dos exames será realizada em forma de cotas iguais, em tantas quantos forem o número de empresas credenciadas, as quais somadas totalizam a quantidade estimada do item da tabela do item 3 - **I - RELAÇÃO DOS EXAMES/PROCEDIMENTOS;**

16. DO INSTRUMENTO CONTRATUAL OU EQUIVALENTE

16.1. Os contratos originados deste CREDENCIAMENTO terão vigência de 12 meses, podendo ser prorrogados por sucessivos e iguais períodos, até o limite de 60 meses, nos termos do art. 57 da Lei Federal 8.666/93.

16.2. Assim, havendo a formalização do instrumento contratual, **este poderá sofrer as alterações previstas no art. 65 da Lei Geral de Licitações, ou seja, poderá ocorrer acréscimos ou supressões.**

16.3. O(s) contrato(s) decorrente deste CREDENCIAMENTO deverá(ão) ser assinado(s) no prazo de validade do certame.

16.4. A Administração convocará o beneficiário para assinatura do termo de contrato, o qual deverá aceitar ou retirar o instrumento equivalente, em até 05(cinco) dias úteis, sob pena de decair o direito à contratação, sem prejuízo das sanções previstas na Lei 8.666/1993.

16.5. O prazo de convocação poderá ser prorrogado uma vez, por igual período, quando solicitado pela parte durante o seu transcurso e desde que ocorra motivo justificado aceito pela administração.

16.6. É facultado à administração, quando o convocado não assinar o termo de contrato ou não aceitar ou retirar o instrumento equivalente no prazo e condições estabelecidos, convocar os licitantes remanescentes, na ordem de classificação, para fazê-lo em igual prazo e nas mesmas condições propostas pelo

primeiro classificado, inclusive quanto aos preços atualizados de conformidade com o ato convocatório, ou revogar a licitação independentemente da cominação prevista da Lei 8.666/1993.

17. DO REAJUSTE DO CONTRATO

17.1. Só será admitida a correção monetária ou reajuste nos contratos de prazo de duração igual ou superior a um ano.

17.2. É vedado qualquer estipulação de reajuste ou correção monetária de periodicidade inferior a um ano.

17.3. Na hipótese do item I, será utilizado o índice IGPM como referência.

17.4. Na hipótese de assinatura do termo de contrato após 60 (sessenta) dias da data de apresentação da proposta ou da data da licitação, precluirá o direito ao reajuste contratual, passando a ser contado o interregno mínimo para concessão de reajuste a partir da data da assinatura do contrato.

17.5. Considerando o Decreto nº 25.829/2021 de 11 de fevereiro de 2021, art. 4º, 5º e 6º e seus incisos onde:

Art. 4º O reajuste em sentido estrito, espécie de reajuste nos contratos de obra, fornecimento ou **serviço continuado sem dedicação exclusiva de mão de obra**, consiste na aplicação de índice de correção monetária estabelecido no contrato, que retratará a variação efetiva do custo de produção, admitida a adoção de índices específicos ou setoriais.

§ 1º É nula de pleno direito qualquer estipulação de reajuste com periodicidade inferior a 1 (um) ano.

§ 2º A periodicidade anual nos contratos de que trata o § 1º será contada a partir da data limite para apresentação da proposta ou do orçamento a que essa se referir.

§ 3º Nas hipóteses em que o valor dos contratos de serviços continuados seja preponderantemente formado pelos custos dos insumos, poderá ser adotado o reajuste de que trata este artigo.

Art. 5º Para fins de adoção de índices pré-fixados de reajuste, os gestores observarão o critério da especialidade e da setorialidade, analisando se para o objeto contratual há índice específico de reajuste.

§ 1º Na falta de índice de reajuste específico para o objeto, poderá ser utilizado os índices oficiais que estabelecem a inflação.

§ 2º Para itens de contrato que necessitem ser reajustados por mais de um índice, as parcelas que compõem esses itens deverão ser desmembradas, passando cada parcela a ser corrigida pelo seu respectivo índice.

§ 3º Em caso de paralisação ou aditamento de prazo em obras públicas, que venha a ultrapassar o prazo previsto em contrato para a execução, ter-se-á que as parcelas contratuais excedentes ao prazo original serão reajustadas pelo índice previsto no instrumento convocatório, desde que devidamente justificado pela contratante e que o contratado não tenha dado causa ao atraso na execução, respeitando a periodicidade anual prevista no art. 4º.

Art. 6º O pedido de reajuste do contrato deverá ser instruído, observado o art. 15, com os seguintes documentos:

I - requerimento da contratada devidamente assinado pelo seu responsável;

II - planilha de custos demonstrando a equação inicial do contrato; e

III - planilha de custos demonstrando a equação atual do contrato, a qual deverá demonstrar a variação do preço, levando em consideração o índice de reajuste pré-fixado no instrumento convocatório e no contrato.

§ 1º O reajuste poderá ser formalizado por meio de apostilamento, exceto quando coincidirem com a prorrogação contratual, em que deverá ser formalizado por termo aditivo.

§ 2º Os reajustes a que o contratado fizer jus e que não forem solicitadas durante a vigência do contrato serão objeto de preclusão com a assinatura da prorrogação contratual ou com o encerramento do contrato, salvo se, no caso de prorrogação contratual, constar cláusula específica resguardando o direito do contratado.

18. DA GARANTIA DO CONTRATO

18.1. No ato da assinatura do Instrumento Contratual, a contratada deverá apresentar garantia contratual, que se limita em 5% (cinco por cento) do valor total do contrato a ser assinado. As garantias podem ser apresentadas sob 3 (três) formas conforme art. 56 da Lei 8.666/93:

- **Caução em Dinheiro ou títulos da dívida pública;**
- **Seguro Garantia;**
- **Fiança Bancária.**

Art. 56. A critério da autoridade competente, em cada caso, e desde que prevista no instrumento convocatório, poderá ser exigida prestação de garantia nas contratações de obras, serviços e compras.

§ 1º Caberá ao contratado optar por uma das seguintes modalidades de garantia:

I - caução em dinheiro ou em títulos da dívida pública, devendo estes ter sido emitidos sob a forma escritural, mediante registro em sistema centralizado de liquidação e de custódia autorizado pelo Banco Central do Brasil e avaliados pelos seus valores econômicos, conforme definido pelo Ministério da Fazenda;

II - seguro-garantia;

III - fiança bancária.

§ 2º A garantia a que se refere o caput deste artigo não excederá a cinco por cento do valor do contrato e terá seu valor atualizado nas mesmas condições daquele, ressalvado o previsto no parágrafo 3º deste artigo. § 3º Para obras, serviços e fornecimentos de grande vulto envolvendo alta complexidade técnica e riscos financeiros consideráveis, demonstrados através de parecer tecnicamente aprovado pela autoridade competente, o limite de garantia previsto no parágrafo anterior poderá ser elevado para até dez por cento do valor do contrato.

§ 4º A garantia prestada pelo contratado será liberada ou restituída após a execução do contrato e, quando em dinheiro, atualizada monetariamente.

§ 5º Nos casos de contratos que importem na entrega de bens pela Administração, dos quais o contratado ficará depositário, ao valor da garantia deverá ser acrescido o valor desses bens

19. DO GERENCIAMENTO DO CONTRATO

19.1. A SUPEL/RO intermediará quanto ao processo no quesito de recebimento de documentos, e análise de documentação de habilitação dos interessados.

19.2. A Secretaria de Estado da Saúde- SESA/RO atuará como gerenciador do CREDENCIAMENTO através de CHAMAMENTO PÚBLICO, e poderá, ante a especificidade técnica do objeto, delegar o gerenciamento ao LEPAC/RO.

20. DO ACOMPANHAMENTO E FISCALIZAÇÃO

20.1. Não obstante a contratada seja a única e exclusiva responsável pela execução de todos os serviços, a Administração reserva-se o direito de, sem que de qualquer forma restrinja a plenitude dessa responsabilidade, exercer a mais ampla e completa fiscalização sobre os serviços;

20.2. Acompanhar ou avaliar a qualidade dos serviços realizados;

20.3. O Fiscal do Contrato juntamente com a Comissão anotar em registro próprio todas as ocorrências relacionadas com a execução dos serviços contratados, determinando o que for necessário à regularização das faltas ou defeitos observados;

20.4. As decisões e providências, que ultrapassem a competência do Fiscal do Contrato, deverá ser solicitadas à Diretoria Administrativa da Secretaria, em tempo hábil, para a adoção das medidas convenientes;

20.5. A CONTRATANTE nomeará uma Comissão de no mínimo 3 (três) servidores efetivos e ainda um Fiscal de Contrato por Unidade de Saúde quando for executada nas dependências da contratante e ainda nas Regionais de Saúde compatíveis com as Regiões de Saúde contempladas em Termo de Referência quando os serviços forem executados pela CONTRATADA, que fiscalizarão a execução do serviço contratado e verificarão o cumprimento das especificações solicitadas, no todo ou em parte, no sentido de corresponderem ao desejado ou especificado;

20.6. A fiscalização pela CONTRATANTE, não desobriga a CONTRATADA de sua responsabilidade quanto à perfeita execução do objeto deste instrumento;

20.7. A ausência de comunicação por parte da CONTRATANTE referente a irregularidades ou falhas, não exime a CONTRATADA das responsabilidades determinadas no Contrato;

20.8. A CONTRATANTE realizará avaliação da qualidade do atendimento, dos resultados concretos dos esforços sugeridos pela CONTRATADA e dos benefícios decorrentes da política de preços por ela praticada;

20.9. A avaliação será considerada pela CONTRATANTE para aquilatar a necessidade de solicitar à CONTRATADA que melhore a qualidade dos serviços prestados, para decidir sobre a conveniência de renovar ou, qualquer tempo, rescindir o presente Contrato.

21. DO PAGAMENTO

21.1. As notas fiscais/faturas deverão ser emitidas em 02 (duas) vias e apresentadas à CONTRATADA/DETENTORA para atestação, devendo conter no seu corpo a descrição do objeto, o número do contrato/empenho, da conta bancária da CONTRATADA/DETENTORA, para efetivação do pagamento, o qual deverá ser realizado no prazo de até 30 (trinta) dias após o adimplemento da despesa, quando do recebimento definitivo.

21.2. Não será permitido pagamento antecipado, parcial ou total, relativo a parcelas contratuais vinculadas ao fornecimento de bens, à execução de obras ou à prestação de serviços.

21.3. Na hipótese da apresentação de mais de uma nota fiscal/fatura, e, se alguma delas apresentarem erros ou dúvidas quanto à exatidão ou documentação, a CONTRATANTE poderá pagar apenas àquela que se encontra correta, no prazo fixado para pagamento, ressalvado o direito da CONTRATADA de reapresentar, para cobrança àquelas inexatas devidamente corrigidas, com as justificativas necessárias (nestes casos também a CONTRATANTE terá o prazo de até 30 (trinta) dias, a partir do recebimento, para efetuar uma análise e o pagamento). A(s) Nota(s) Fiscal (is)/Fatura (s) deverá (ao) vir acompanhada (s) das certidões de tributos Federais, Estaduais, Municipais, FGTS e INSS.

21.4. A Nota Fiscal ou Fatura deverá ser obrigatoriamente acompanhada das seguintes comprovações:

a) do pagamento da remuneração e das contribuições sociais (Fundo de Garantia do Tempo de Serviço e Previdência Social), correspondentes ao mês da última nota fiscal ou fatura vencida, compatível com os empregados vinculados à execução contratual, nominalmente identificados, na forma do § 4º do Art. 31 da nº 9.032, de 28 de abril de 1995, quando se tratar de mão-de-obra diretamente envolvida na execução dos serviços na contratação de serviços continuados;

b) da regularidade fiscal, mediante consulta aos sítios eletrônicos oficiais;

c) do cumprimento das obrigações trabalhistas, correspondentes à última nota fiscal ou fatura que tenha sido paga pela Administração

21.5. Descumprimento das obrigações trabalhistas, previdenciárias e as relativas ao FGTS ensejará o pagamento em juízo dos valores em débito, sem prejuízo das sanções cabíveis.

21.6. O prazo para pagamento das notas Fiscais/Faturas/NFSe, devidamente atestada pela Administração, será não superior a trinta dias, contado a partir da data final do período de adimplemento de cada parcela.

21.7. Quando da ocorrência de eventuais atrasos de pagamento provocados exclusivamente pela Administração, o valor devido deverá ser acrescido de atualização financeira, e sua apuração se fará desde a data de seu vencimento até a data do efetivo pagamento, em que os juros de mora serão calculados à taxa de 0,5% (meio por cento) ao mês, ou 6% (seis por cento) ao ano, mediante aplicação das seguintes fórmulas:

$$I = \frac{(TX \times 100)}{e} \times 365$$
$$EM = I \times N \times VP$$

onde:

I = Índice de atualização financeira;

TX = Percentual da taxa de juros de mora anual;

EM = Encargos moratórios;

N = Número de dias entre a data prevista para o pagamento e a do efetivo pagamento;

VP = Valor da parcela em atraso.

21.8. Ocorrendo erro no documento da cobrança, este será devolvido e o pagamento será susinado para que a Contratada tome as medidas necessárias, passando o prazo para o pagamento a ser contado a partir de data da reapresentação do mesmo.

21.9. Caso conste erro ou irregularidade na Nota Fiscal, a ADMINISTRAÇÃO, a critério, poderá devolvê-la, para as devidas correções, ou aceitá-las, com a glosa da parte que considerar indevida.

21.10. Na hipótese de devolução, a Nota Fiscal será considerada como não apresentada, para fins de atendimento das condições contratuais.

21.11. A administração não pagará, sem que tenha autorização prévia e formalmente, nenhum compromisso que lhe venha a ser cobrado diretamente por terceiros, seja ou não instituições financeiras, à exceção de determinações judiciais, devidamente protocoladas no órgão.

21.12. Os eventuais encargos financeiros, processuais e outros, decorrentes da inobservância, pela licitante, de prazo de pagamento, serão de sua exclusiva responsabilidade.

21.13. A ADMINISTRAÇÃO efetuará retenção, na fonte, dos tributos e contribuições sobre todos os pagamentos à CONTRATADA.

21.14. É condição para o pagamento do valor constante de cada nota Fiscal/Fatura/NFSe, a apresentação de Prova de Regularidade com o **Fundo de Garantia por Tempo de Serviço (FGTS)**, com o **Instituto Nacional do Seguro Social (INSS)**, e **Certidão Negativa da Receita Estadual – SEFIN, Certidão Negativa Municipal e Certidão Negativa Federal, Certidão Negativa de Débitos Trabalhistas – CNDT**, admitida comprovação também por meio de “certidão positiva com efeito de negativo”, podendo ser verificadas nos sítios eletrônicos.

21.15. **Critérios de avaliação de produção e pagamento**

a) A credenciada deverá apresentar mensalmente até o (3º dia útil) sua produção ao estabelecimento de saúde, para fins de processamento e apresentar a produção ambulatorial e hospitalar mensalmente até o (5º dia útil) para a equipe de controle e avaliação, conforme calendário estabelecido pelo DATASUS, a qual será submetida a análise sendo necessário tempo hábil para processamento das informações nos Sistemas de Informações do Ministério da Saúde;

a.1) O faturamento estará condicionado à produção consolidada dos procedimentos autorizados pela CONTRATANTE, sendo que se o procedimento acontecendo em finais de semana e/ou feriado, a autorização deverá ser no próximo dia útil. É obrigação da empresa contratada, realizar o processo de consolidação junto a CONTRATANTE dos procedimentos posteriormente executados;

b) Apresentar à Coordenadoria de Regulação, Controle dos Serviços de Saúde - CRECSS, ofício com identificação da empresa prestadora de serviço, apresentando quantidade e valor dos procedimentos, separados de acordo com mês de realização, devidamente assinada pelo representante legal da empresa, ressalta-se a necessidade que todas as folhas devem constar a assinatura do responsável. Frisa-se, que deve estar demonstrado a modalidade de atendimento do paciente: tanto na modalidade ambulatorial quanto na modalidade hospitalar junto aos laudos de GUIA DE AUTORIZAÇÃO; Caso na produção tenham as modalidades Ambulatorial e Hospitalar que sejam feitos 02 (dois) ofícios com quantidade e valor dos procedimentos, separados de acordo com mês de realização, sendo um para cada modalidade de atendimento.

c) Apresentar os documentos de comprovação de toda a produção informada no arquivo magnético para fins de avaliação e análise, conforme o Termo de Referência, Manuais Técnico Operacionais do Ministério da Saúde, Sistema de Informações Ambulatoriais e Hospitalar, Manual de Glosas do Sistema Nacional de Auditoria e demais disposições legais e regulamentares aplicáveis à espécie (quando couber), sendo assim é necessário o envio dos itens:

I - Ofício de apresentação da produção;

II - Boletim de Produção;

III - A Programação Orçamentária, com as informações da empresa contratada, impressa em duas vias, devidamente carimbada pelo representante legal da empresa. Caso tenha ocorrido atendimentos em meses anteriores à competência em questão, essa programação deverá ser feita separada por mês de atendimento e por contrato;

IV - Solicitações médicas contendo a logomarca do SUS para a realização dos procedimentos devidamente preenchidas e carimbadas pelo profissional solicitante;

V - Os procedimentos cujo instrumento de registro é a GUIA DE AUTORIZAÇÃO, deverão obrigatoriamente passar por autorização prévia do LEPAC/RO advindo da Região de Saúde onde o procedimento foi solicitado;

VI - Laudo dos pacientes individuais para cada procedimento realizado, devidamente preenchido com letra legível, assinada e carimbada pelo médico responsável;

VII - GUIA DE AUTORIZAÇÃO do procedimento emitido pelo LEPAC/RO. Ressalta-se que a codificação do LEPAC/RO deve ser equivalente com o procedimento solicitado pelo profissional, sendo referenciados pelos códigos da Tabela do item 3.3 I - **RELAÇÃO DOS EXAMES/PROCEDIMENTOS deste certame**. Nos casos de inconsistência do código regulado com o procedimento solicitado, a EMPRESA deverá entrar em contato com o LEPAC/RO, no intuito de corrigir a codificação, sendo que deve prevalecer o procedimento solicitado pelo profissional.

VIII - Listagem nominal (planilha) dos procedimentos ambulatoriais enumerada contendo: nome do paciente, Número da GUIA DE AUTORIZAÇÃO, código do procedimento, cartão do SUS, telefone, quantidade de procedimento realizado, devidamente assinada pelo representante legal da empresa, para o e-mail: controleavaliacao.crecss@sesau.ro.gov.br;

IX - Listagem nominal (planilha) dos procedimentos hospitalares enumerada contendo: nome do paciente, Número da GUIA DE AUTORIZAÇÃO, código, valor e quantidade do procedimento, data do nascimento do recém nascido, data da realização do procedimento, sendo a relação entregue devidamente assinada pelo representante legal da empresa e do estabelecimento de saúde onde o serviço fora prestado, para o e-mail: controleavaliacao.crecss@sesau.ro.gov.br;

d) A Unidade contemplada, deverá realizar a informação dos exames realizados em regime hospitalar e ambulatorial através da GUIA DE AUTORIZAÇÃO. Para fins de controle a CRECSS terá até 03 competências após a realização do procedimento para averiguar a conformidade entre o informado pela prestadora de serviço e a unidade hospitalar. Havendo divergências a Comissão de Fiscalização de Contratos deverá proceder com informações complementares que se fizerem pertinentes;

e) A produção com as informações para fins de processamento no, deverá ser encaminhada a CRECSS através de mídia digital até o 5º dia útil de cada mês. Os procedimentos realizados em regime ambulatorial e hospitalar deverão ser informados no instrumento de registro adequado;

f) Em relação ao arquivo magnético apresentado (registro eletrônico dos serviços executados) será submetido a verificação junto ao sistema de informação para levantamento de possíveis críticas. Cabe esclarecer que, entende-se por críticas os relatórios de confirmação do cruzamento dos dados referentes às diversas tabelas utilizadas para o processamento da informação, visando à identificação de inconsistências e fazendo a revisão da informação, antes do encaminhamento dos dados ao Ministério da Saúde (MS);

I - As produções em arquivo magnético deverão ser por mês de processamento, com atendimentos realizados até 03 (três) meses anteriores (resíduos da produção), em um só arquivo, separadas por instrumento de registro;

g) Após processamento das informações o CRECSS viabiliza os relatórios (Ministério da Saúde) a unidade executante para conclusão do relatório do controle e avaliação;

h) A emissão dos Relatórios de Controle e Avaliação deverá ser realizada por profissional designado e devidamente capacitado pela CRECSS;

i) Fica terminantemente proibida a cobrança de quaisquer procedimentos, exames ou avaliações aos usuários do Sistema Único de Saúde;

j) No caso de inconformidades detectadas na produção, a contratada terá um prazo de 05 (cinco) dias úteis, a contar do recebimento do relatório de produção, para apresentar suas justificativas e/ou impugnações das eventuais não conformidades, com as devidas documentações comprobatórias ao recurso impetrado. Salientando a necessidade de apresentação de documentação complementar, que esclareça o fato/procedimento que foi considerado objeto de glosa;

k) Nos casos onde a produção mensal apresentada estiver acima do teto, o prestador deverá encaminhar um ofício ao Gestor da Pasta, comunicando que ultrapassou o teto físico - financeiro solicitando autorização para apresentar a produção extra com a devida justificativa;

l) Os serviços contratados deverão estar submetidos à política de Regulação do seu gestor;

m) É obrigatório a credenciada manter atualizado o registro no Sistema de Cadastro Nacional de Estabelecimentos de Saúde (SCNES), conforme estabelece Portaria de Consolidação Nº 01, de 28 de Setembro de 2017, tendo em vista a possibilidade de rejeição total da produção no caso de falta de atualização do referido cadastro;

n) A Avaliação do Controle de Qualidade poderá ser realizada em ação conjunta da Vigilância Sanitária e a CRECSS/SESAU;

o) Os procedimentos realizados devem ser equivalentes a solicitação e a autorização, sendo referenciados pelos códigos da Tabela do item 3.3 I - **RELAÇÃO DOS EXAMES/PROCEDIMENTOS deste certame**.

p) Fica a critério desta Secretaria que realizará o Controle e Avaliação do Serviço, em caso de necessidade, a fim de esclarecer possíveis inconformidades solicitar novos instrumentos e/ou documentos para análise, bem como implementar e/ou modificar o processo de Controle e Avaliação com base nas Portarias ministeriais e normativas internas;

q) A Coordenadoria de Regulação e Controle dos Serviços de Saúde – CRECSS e equipe da comissão de fiscalização da Unidade Hospitalar, acompanharão a avaliação da qualidade do atendimento, controle e monitoramento dos serviços realizados, de acordo com a legislação vigente, com acesso a todos os documentos que se fizerem necessário;

r) Após a finalização dos trâmites administrativos na Unidade de Saúde, e conclusão do Relatório de Controle e Avaliação, o mesmo será encaminhado para os fiscais de contratos que darão prosseguimento ao fluxo processual, para fins de pagamento junto ao Setor de Contratos- SC e/ou Gerência Administrativa-GAD;

s) A empresa executante deverá realizar os procedimentos dentro do Teto Mensal, mantendo cautela para não extrapolar o Saldo Global, evitando assim, futuros imbrólios como exemplo: *reconhecimento de dívida*.

t) Todas as unidades de saúde devem considerar a Resolução do Conselho Federal de Medicina/CFM nº 1.821/2007, que estabelece, no seu artigo 8º, o prazo mínimo de 20 (vinte) anos para preservação do prontuário em suporte de papel que não tenha sido digitalizado, e em relação à guarda do prontuário digitalizado esta deve ser permanente, conforme estabelece o artigo 7º da mesma Resolução;

Observação: Os serviços contratados deverão garantir aos usuários do SUS: redução das filas e o tempo de espera para atendimento; acesso com atendimento acolhedor e resolutivo baseado em critérios de risco; nome dos profissionais que cuidam de sua saúde e são responsáveis por eles; acesso às informações; presença de acompanhante; bem como os demais direitos dos usuários do SUS.

21.16. Apresentação de justificativas/Recurso de Glosa:

a) A contratada terá um prazo de 05 (cinco) dias úteis, a contar do recebimento da notificação de indicação de glosa, para apresentar suas justificativas e/ou impugnações das eventuais não conformidades, com as devidas documentações comprobatórias, visto que deverá comprovar a execução do serviço considerado objeto de glosa, ou seja apresentação de fatos novos.

b) A empresa deverá se comprometer a indicar no prazo de 5 (cinco) dias úteis endereço válido de e-mail para receber notificações da contratante, sendo de inteira responsabilidade da contratada acompanhar as comunicações ali constantes, em caso de omissão na indicação, considerar-se-á para esse fim o e-mail cadastrado no sistema SEI em nome da contratada.

c) Caso a contratada não dê recebido das notificações, considerar-se-á a contratada automaticamente notificada após o transcurso de cinco dias corridos a contar do envio da notificação.

d) Salientamos que caso a contratada não comprove execução do serviço no prazo estabelecido na Notificação de indicação de Glosa, clarificamos que o mesmo será objeto de Glosa.

A contratante fica autorizada a reter do montante devido à contratada, qualquer valor cobrado indevidamente de familiar ou acompanhante, para fins de ressarcimento do usuário do SUS, por via administrativa;

22. DA SUBCONTRATAÇÃO, CESSÃO E/OU TRANSFERÊNCIA

22.1. Desde que parcial, a subcontratação é admissível, se houver motivação e interesse da Administração. Assim está previsto no art. 72 da Lei 8.666/93, subcontratar partes da obra, serviço ou fornecimento, até o limite admitido, em cada caso, pela Administração.

Art. 72. O contratado, na execução do contrato, sem prejuízo das responsabilidades contratuais e legais, poderá subcontratar partes da obra, serviço ou fornecimento, até

o limite admitido, em cada caso, pela Administração.

22.2. Considerando que, pelas características do objeto da contratação em tela - *alta complexidade dos procedimentos e a impossibilidade de sua realização no Estado de Rondônia por falta de tecnologias disponíveis* - conforme justificativas expressas no Termo de Referência, não existe nenhum laboratório sediado no estado de Rondônia capaz de executá-los, fazendo com que as amostras sejam encaminhadas pelos laboratórios locais para os Laboratórios de Apoio de referência nacional, quase que em sua totalidade, ficando a cargo do laboratório local a coleta, cadastro, preparo, e toda a logística necessária ao envio desse material aos laboratórios de apoio, prática esta que acontece de maneira pragmática, visto que os laboratórios de referência nacional não prestam esse serviço diretamente ao cliente final/paciente, sendo sua clientela os laboratórios locais estabelecidos em todo o Brasil. Essa prática ocorre em todo o país.

22.3. Os laboratórios de apoio a nível nacional, são estabelecimentos de ajuda a laboratórios locais na demanda de exames que não são realizados *in loco*. Os laboratórios de apoio recebem as amostras dos laboratórios locais, os quais têm infraestrutura preparada para receber de centenas a milhares de coletas (amostras) diariamente, uma vez que estes oferecem uma *gama* de exames das mais variadas vertentes. As amostras são realizadas em equipamentos de altíssimas tecnologias e analisadas por profissionais capacitados, que diagnosticam e liberam o laudo de forma rápida, na prática funciona da seguinte forma:

- I - *O laboratório local realiza a coleta da amostra (sangue, urina, tecidos, etc.)*
- II - *Esta amostra é encaminhada para o laboratório de apoio, onde será realizada a análise dessa amostra e, em seguida emitido um laudo;*
- III - *O laudo é enviado ao laboratório local, que será responsável por entregar o resultado ao paciente.*

22.4. A RESOLUÇÃO DA DIRETORIA COLEGIADA - RDC Nº 302, DE 13 DE OUTUBRO DE 2005 da Agência Nacional de Vigilância Sanitária – ANVISA do Ministério da Saúde - MS, ao qual dispõe sobre o Regulamento Técnico para funcionamento de Laboratórios Clínicos em seu Anexo no item 4.27 traz a definição do laboratório de apoio.

RESOLUÇÃO DA DIRETORIA COLEGIADA - RDC Nº 302, DE 13 DE OUTUBRO DE 2005

4.27 Laboratório de apoio: Laboratório clínico que realiza análises em amostras enviadas por outros laboratórios clínicos ...

6.2.8.1 O laboratório de apoio deve seguir o estabelecido neste regulamento técnico. ...

6.3.5 O laboratório clínico e o posto de coleta laboratorial que optarem pela transcrição do laudo emitido pelo laboratório de apoio, devem garantir a fidedignidade do mesmo, sem alterações que possam comprometer a interpretação clínica...

6.3.6 O responsável pela liberação do laudo pode adicionar comentários de interpretação ao texto do laboratório de apoio, considerando o estado do paciente e o contexto global dos exames do mesmo".

22.5. Nos termos do Art. 72 da lei nº 8.666/93, **SERÁ PERMITIDA A SUBCONTRATAÇÃO, CESSÃO E/OU TRANSFERÊNCIA** dos compromissos assumidos no instrumento contratual e constantes deste termo de referência, edital e seus anexos, **onde os laboratórios locais atuarão como postos de coletas, cadastramento, preparo, logística de transporte e envio aos laboratórios de apoio.**

23. DA PARTICIPAÇÃO DE EMPRESAS REUNIDAS SOB A FORMA DE CONSÓRCIO

23.1. A vedação à participação de empresas interessadas que se apresentem constituídas sob a forma de consórcio se justifica na medida em que nas contratações de serviços e nas aquisições de pequenos vultos, não se torna interessante a participação de grandes empresas, sendo comum a participação de empresas de pequeno e médio porte, as quais, em sua maioria, apresentam o mínimo exigido no tocante à qualificação técnica e econômico-financeira, condições suficientes para a execução de contratos dessa natureza.

23.2. Tendo em vista que é prerrogativa do Poder Público, na condição de contratante, a escolha da participação, ou não, de empresas constituídas sob a forma de consórcio, com as devidas justificativas, conforme se depreende da literalidade do texto da Lei Federal nº 8.666/93, art. 33 e ainda o entendimento do Acórdão TCU nº 1316/2010, que atribui à Administração a prerrogativa de admissão de consórcios em licitações por ela promovidas, pelos motivos já expostos, conclui-se que a vedação de constituição de empresas em consórcio, neste certame, é o que melhor atende o interesse público, por prestigiar os princípios da competitividade, economicidade e moralidade.

23.3. Diante do exposto **NÃO SERÁ PERMITIDA** a participação de empresas reunidas sob a forma de consórcio.

24. DA HABILITAÇÃO

24.1. Conforme dispõe o Art. 27 da Lei 8.666/93, *in verbis*:

Art. 27. Para a habilitação nas licitações exigir-se-á dos interessados, exclusivamente, documentação relativa a:

I - habilitação jurídica;

II - qualificação técnica;

III - qualificação econômico-financeira;

IV - regularidade fiscal e trabalhista;

V - cumprimento do disposto no [inciso XXXIII do art. 7º da Constituição Federal](#).

24.2. RELATIVOS À HABILITAÇÃO JURÍDICA/FISCAL/TRABALHISTA

- I - A inscrição no Cadastro de Pessoas Físicas (CPF) ou no Cadastro Nacional da Pessoa Jurídica (CNPJ);
- II - A inscrição no cadastro de contribuintes estadual e/ou municipal, se houver, relativo ao domicílio ou sede do licitante, pertinente ao seu ramo de atividade e compatível com o objeto contratual;
- III - A regularidade perante a Fazenda federal, estadual e/ou municipal do domicílio ou sede do licitante, ou outra equivalente, na forma da lei;
- IV - A regularidade relativa à Seguridade Social e ao FGTS, que demonstre cumprimento dos encargos sociais instituídos por lei;
- V - A regularidade perante a Justiça do Trabalho;
- VI - O cumprimento do disposto no [inciso XXXIII do art. 7º da Constituição Federal](#).

24.2.1. Os documentos referidos nos itens poderão ser substituídos ou supridos, no todo ou em parte, por outros meios hábeis a comprovar a regularidade do licitante, inclusive por meio eletrônico.

24.2.2. A comprovação de atendimento do disposto nos itens III, IV e V deverá ser feita na forma da legislação específica.

24.3. RELATIVOS À QUALIFICAÇÃO ECONÔMICO-FINANCEIRA:

- I - Balanço patrimonial, demonstração de resultado de exercício e demais demonstrações contábeis do último exercício social;
 - a) **Balanço Patrimonial**, referente ao último exercício social, ou o Balanço de Abertura, caso a licitante tenha sido constituída em menos de um ano, devidamente autenticado ou registrado na Junta Comercial do Estado, para que o(a) Pregoeiro(a) possa aferir se esta possui Patrimônio Líquido (licitantes constituídas há mais de um ano) ou Capital Social (licitantes constituídas há menos de um ano), **de 5% (cinco) por cento** do valor estimado do item que o licitante estiver participando.
- II - Certidão negativa de feitos sobre falência expedida pelo distribuidor da sede do licitante.
 - a) **Certidão Negativa de Recuperação Judicial** – [Lei nº. 11.101/05](#) (**recuperação judicial, extrajudicial e falência**) emitida pelo órgão competente, **expedida nos últimos 90 (noventa) dias** caso não conste o prazo de validade.
 - a.1) Na hipótese de apresentação de Certidão Positiva de recuperação judicial, o (a) Pregoeiro verificará se a licitante teve seu plano de recuperação judicial homologado pelo juízo, conforme determina o art.58 da Lei 11.101/2005.
 - a.2) Caso a empresa licitante não obteve acolhimento judicial do seu plano de recuperação judicial, a licitante será inabilitada, uma vez que não há demonstração de viabilidade econômica.

24.3.1. Será exigido declaração, assinada por profissional habilitado da área contábil, que ateste o atendimento pelo licitante dos índices econômicos previstos no edital.

24.4. Qualificação Técnica

24.4.1. O(s) Interessado(s) no CREDENCIAMENTO deverão apresentar como documentos para avaliação técnica, conforme consubstanciado no art. 30 da Lei 8.666/93:

- I - Comprovante de Inscrição de Pessoa Jurídica do estabelecimento bem como de profissional responsável técnico, devidamente no conselho profissional competente (BIOMEDICINA, FARMÁCIA, MEDICINA);
- II - Alvará Sanitário;
- III - Certidão ou atestado de capacidade técnica que demonstre que o credenciante tenha executado serviços similares ao objeto deste chamamento - Serviço de Natureza Laboratorial, com quantidades de, no mínimo, **25% (vinte e cinco por cento)** do quantitativo do item a que ele ofertar a proposta, vedadas limitações de locais específicos relativas aos atestados, em períodos sucessivos ou não, por um prazo mínimo, que não poderá ser superior a 3 (três) anos.

25. DA VIGÊNCIA DO CREDENCIAMENTO

- 25.1. O CREDENCIAMENTO terá validade de 12 (doze) meses, contados a partir de sua publicação no Diário Oficial do Estado.
- 25.2. Os contratos originados deste CREDENCIAMENTO terão vigência de 12 meses, podendo ser prorrogados por sucessivos e iguais períodos, respeitada a vigência máxima de 60 meses, nos termos do art. 57 e seus incisos, da Lei Federal 8.666/93.

26. DAS OBRIGAÇÕES

26.1. Da Contratante

- 26.1.1. Exercer a fiscalização dos serviços por servidores especialmente designados, na forma prevista na Lei nº 8.666/93;
- 26.1.2. Indicar, formalmente, o gestor e/ou o fiscal para acompanhamento da execução contratual;
- 26.1.3. Encaminhar a liberação de pagamento das notas fiscais da prestação de serviços aprovadas;
- 26.1.4. A CREDENCIANTE, através da Comissão de Recebimento de Serviços Prestados, apresentará a credenciada, todos os procedimentos e rotinas administrativas e técnicas, necessárias ao registro, por escrito, dos atendimentos efetuados pela equipe de profissionais do Contratado;
- 26.1.5. Controle estatístico dos serviços realizados;
- 26.1.6. Desenvolver manuais técnicos e de rotinas de trabalho;
- 26.1.7. Estabelecer e implantar formas e métodos de controle de qualidade, de acordo com a legislação vigente;
- 26.1.8. Efetuar os pagamentos devidos dentro do prazo estipulado, após o recebimento do serviço.
- 26.1.9. Prestar as informações necessárias para que a credenciada possa cumprir com suas obrigações.
- 26.1.10. Aplicar à credenciada as penalidades regulamentares e contratuais cabíveis caso seja necessário.
- 26.1.11. Zelar pela boa qualidade do serviço, receber, apurar e solucionar queixas e reclamações dos usuários;

26.2. Da Contratada/Fornecedor

- 26.2.1. Além daquelas exigidas pela Lei 8.666/93/2021, deverá:
- 26.2.2. Cumprir fielmente o presente Termo, de forma que os materiais adquiridos sejam entregues em perfeito estado e condições, executando-os sob sua inteira e exclusiva responsabilidade;
- 26.2.3. Fornecer os serviços rigorosamente de acordo com as especificações constantes no Termo de Referência e na sua proposta, obedecidos aos critérios e padrões de qualidade predeterminados. Deverá ser observado o critério definido pela Secretaria de Estado da Saúde para a entrega do objeto;
- 26.2.4. Reparar, corrigir, remover ou substituir às suas expensas no todo ou em parte, os materiais em que se encontrarem vícios, defeitos ou incorreções resultantes da execução, transporte mesmo após ter sido recebido definitivamente;
- 26.2.5. Responsabilizar-se civil e penalmente por todo e quaisquer dano que venha causar a CONTRATANTE ou a terceiros, por ação ou omissão, em decorrência do fornecimento, não sendo a CONTRATANTE, em nenhuma hipótese, responsável por danos indiretos ou lucros cessantes;
- 26.2.6. Arcar com todas as despesas relativas ao fornecimento e todos os tributos incidentes, devendo efetuar os respectivos pagamentos na forma e nos prazos previstos em Lei;
- 26.2.7. Nos preços ofertados deverão estar incluso todos os impostos, taxas, fretes e demais custos provenientes da entrega e instalação dos equipamentos.
- 26.2.8. Visando à economia da manutenção e operacionalização da edificação, à redução do consumo de energia elétrica e água, à utilização de tecnologias e materiais que reduzam o impacto ambiental, e para a contratação de bens e serviços a CONTRATADA deverá cumprir no que lhe couber os requisitos do Decreto Estadual Nº 21.264/2016 que dispõe sobre a aplicação do Princípio do Desenvolvimento Estadual Sustentável no âmbito do Estado de Rondônia, assim como disposto na INSTRUÇÃO NORMATIVA Nº 5, DE 26 DE MAIO DE 2017 que dispõe sobre as regras e diretrizes do procedimento de contratação de serviços sob o regime de execução indireta no âmbito da Administração Pública federal direta, autárquica e fundacional.

Decreto Estadual Nº 21.264/2016

DOS BENS E SERVIÇOS

Art. 6º Quando da aquisição de bens poder-se-á exigir os seguintes critérios de sustentabilidade ambiental:

- I - que os bens sejam constituídos, no todo ou em parte, por material reciclado, atóxico ou biodegradável;
- II - que os bens devam ser, preferencialmente, acondicionados em embalagem individual adequada, com o menor volume possível, e que utilize material reciclado de forma a garantir a máxima proteção durante o transporte e o armazenamento; e
- III - que os bens não contenham substâncias perigosas em concentração acima da recomendada.

§ 1º A comprovação do disposto neste artigo poderá ser feita mediante a apresentação de certificação emitida por Instituição Pública Oficial ou Instituição Credenciada, ou por qualquer outro meio de prova que ateste que o bem fornecido cumpre com as exigências do Edital.

§ 2º O Edital poderá estabelecer que, selecionada a proposta, antes da assinatura do Contrato, em caso de inexistência de certificação que ateste a adequação, o Órgão ou Entidade contratante poderá realizar diligências a fim de verificar a adequação do produto às exigências do ato convocatório, correndo as despesas por conta da licitante selecionada. O Edital deve, ainda, prever que, caso não se confirme a adequação do produto, a proposta selecionada será desclassificada.

Art. 7º Os Editais para a contratação de serviços deverão prever, quando couber, que as empresas contratadas adotem as seguintes práticas de sustentabilidade na execução dos serviços:

- I - usem produtos de limpeza e conservação de superfícies e objetos inanimados seguros e atóxicos;
- II - evitem o uso de equipamentos de limpeza que gerem ruído no seu funcionamento;
- III - realizem um programa interno de treinamento de seus empregados, nos 3 (três) primeiros meses de execução contratual, para a redução de consumo de energia elétrica, de água e de produção de resíduos sólidos, observadas as normas ambientais vigentes;
- IV - realizem a separação dos resíduos recicláveis descartados pelos Órgãos e Entidades da Administração Pública Federal Direta, Autárquica e Fundacional, na fonte geradora, e a sua destinação às Associações e Cooperativas dos Catadores de Materiais Recicláveis que será procedida pela coleta seletiva do papel para reciclagem, quando couber; e
- V - prevejam a destinação ambiental adequada das pilhas e baterias usadas ou inservíveis.

Parágrafo único. O disposto neste artigo não impede que os Órgãos ou Entidades contratantes estabeleçam nos Editais e Contratos a exigência de observância de outras práticas de sustentabilidade ambiental.

- 26.2.9. Para fins de comprovação do cumprimento ao disposto no Art. 7º inciso III do Decreto Estadual Nº 21.264/2016, deverá apresentar cópia do certificado de participação de seus empregados/colaboradores no treinamento até o 4º mês de execução do Contrato junto aos documentos de liquidação da despesa.

- 26.2.10. A Contratada obriga-se a manter, durante toda a execução do contrato, em compatibilidade com as obrigações por ele assumidas, todas as condições de habilitação e qualificação exigidas na licitação, de acordo com o art. 55, XIII da Lei nº 8.666/93;

- 26.2.11. Que não utiliza a mão de obra direta ou indireta de menores de 18 (dezoito) anos para a realização de trabalhos noturnos, perigosos ou insalubres, bem como não utiliza, para qualquer trabalho, mão de obra direta ou indireta de menores de 16 (dezesesseis) anos, exceto na condição de aprendiz a partir de 14 (quatorze) anos, conforme determina o art. 7º, inc. XXXIII, da Constituição Federal.
- 26.2.12. Que não incide em nenhuma das situações impeditivas à contratação, indicadas na Constituição do Estado e legislações esparsas, que veda o nepotismo nos órgãos e entidades estaduais nas contratações celebradas pela Administração Pública do Estado de Rondônia.
- 26.2.13. Que atesta o atendimento à Política Pública Ambiental de licitação sustentável, em especial, que se responsabiliza integralmente com a logística reversa dos produtos, embalagens e serviços pós-consumo no limite da proporção que fornecerem ao Poder Público, assumindo a responsabilidade pela destinação final ambientalmente adequada.
- 26.2.14. A credenciada deverá dispor de recursos humanos qualificados, com habilitação técnica e legal, possuidores de título ou certificado da especialidade, e em quantitativo suficiente à execução dos serviços a serem prestados;
- 26.2.15. Executar os serviços objeto deste Termo de Referência mediante a atuação de profissionais especializados e manter quadro de pessoal suficiente para execução dos serviços, sem interrupção, os quais não deverão ter nenhum vínculo empregatício com o Estado de Rondônia, sendo de sua exclusiva responsabilidade as despesas com todos os encargos e obrigações sociais, trabalhistas e fiscais decorrentes dos serviços executados;
- 26.2.16. A Administração se eximirá de qualquer responsabilidade civil ou criminal, em caso de erro médico, culposo ou doloso, durante a vigência do contrato;
- 26.2.17. A ausência de comunicação por parte da credenciante referente a irregularidades ou falhas não exime a(s) credenciada (S) das responsabilidades determinadas no contrato.
- 26.2.18. A credenciada responsabilizar-se-á integralmente pelo serviço a ser prestado nos termos da legislação vigente, observado o estabelecido nos itens a seguir:
- 26.2.19. A credenciada deverá possuir o Procedimento Operacional Padrão (POP) e Normas e Rotinas pertinentes aos serviços prestados, corroborando com as diretrizes institucionais e legislação vigente, se houver;
- 26.2.20. Atender os pacientes com dignidade e respeito de modo universal e igualitário, mantendo-se sempre a qualidade na prestação de serviços;
- 26.2.21. A credenciada fica responsável pela entrega do relatório de produção dos serviços prestados para a Unidade contemplada neste Termo de Referência, de acordo com a data prevista na normatização vigente do Ministério da Saúde e demais documentos probantes junto a credenciante para procedimentos de controle, avaliação e validação do serviço, bem como os documentos alusivos para pagamento.
- 26.2.22. Designar, por escrito, no ato de recebimento da autorização de serviços, preposto para tomar as decisões compatíveis com os compromissos assumidos e com poderes para resolução de possíveis ocorrências durante a execução do contrato;
- 26.2.23. Apresentar à credenciante, quando exigidos, comprovante de pagamentos de salários, quitação de suas obrigações trabalhistas e previdenciárias relativas aos empregados que estejam ou tenham estado a serviço da credenciante, por força deste contrato;
- 26.2.24. Manter disciplina nos locais dos serviços, afastando imediatamente após notificação formal, qualquer empregado considerado com conduta que afete a memória institucional e contrarie a normalidade ou rotina de atendimento;
- 26.2.25. Responsabilizar-se única, integral e exclusivamente pela boa qualidade da prestação de serviços respondendo perante a Administração da credenciante, inclusive órgão do poder público, por ocorrência de procedimentos inadequados para os fins previstos no presente contrato;
- 26.2.26. Corrigir de pronto os problemas apresentados pela fiscalização da credenciante sob pena de aplicação de multas e demais penalidades previstas no edital, os casos não previstos considerados imprescindíveis para a perfeita execução do contrato, deverão ser resolvidos entre a credenciante e a credenciada.
- 26.2.27. Manter, durante toda a execução do contrato, em compatibilidade com as obrigações assumidas, todas as condições que culminaram em sua habilitação e qualificação na fase da licitação;
- 26.2.28. Responsabilizar-se por eventuais paralisações do serviço, por parte de seus empregados, garantindo a continuidade dos serviços contratados, sem repasse de qualquer ônus à credenciante;
- 26.2.29. A fiscalização pela credenciante não desobriga a credenciada de sua responsabilidade quanto à perfeita execução do objeto deste instrumento;
- 26.2.30. A credenciada permitirá e oferecerá condições para a mais ampla e completa fiscalização, durante a vigência do contrato, fornecendo informações, propiciando o acesso à documentação pertinente e atendendo às observações e exigências apresentadas pela fiscalização.
- 26.2.31. Se necessário, os serviços poderão ser realizados nas dependências da empresa credenciada, quando autorizado pela credenciante.
- 26.2.32. Responsabilizar-se por todos os custos referentes a frete, impostos, taxas, transporte, depreciação, emolumentos e quaisquer outros custos que, direta ou indiretamente venha ocorrer resultantes da execução do objeto contratado.
- 26.2.33. A credenciada deverá indicar o(s) nome(s) do(s) Preposto(s) e o(s) telefone(s) e/ou celular(es) para os chamados extraordinários (Urgência e emergência), num prazo máximo de 24 (vinte e quatro) horas após a assinatura do contrato, devendo tal linha ser mantida disponível em funcionamento ininterrupto durante o período de Vigência Contratual, coincidindo com os horários de funcionamento das Unidades Hospitalares, ou seja, o(s) telefone(s) e/ou celular(es) e o(s) Preposto(s) deverão estar disponíveis 24 (vinte e quatro) horas por dia de segunda a domingo inclusive feriado, a fim de que não seja interrompida a prestação de serviços de caráter emergencial.
- 26.2.34. O prestador de serviços se submeterá às normas definidas pela Secretaria Estadual de Saúde quanto ao fluxo de atendimento, sua comprovação, e outros procedimentos necessários ao ágil relacionamento com o prestador e a satisfação do usuário do SUS/RO.
- 26.2.35. A eventual mudança de endereço do estabelecimento do prestador de serviços de saúde contratado deverá ser imediatamente comunicada a SESAUSUS/RO.
- 26.2.36. Manter sempre atualizado o Cadastro Nacional dos Estabelecimentos de Saúde - CNES.
- 26.2.37. A mudança do Responsável Técnico pelos serviços avançados, também deverá ser comunicada a CRECSS/SESAUSUS/RO, procedendo a devida alteração cadastral no CNES (Cadastro Nacional dos Estabelecimentos de Saúde).
- 26.2.38. Os serviços operacionalizados pelo prestador de serviço de saúde contratado deverão atender às necessidades da SESAUSUS/RO, órgão encarregado pelo encaminhamento dos usuários do SUS.
- 26.2.39. Os credenciados serão submetidos às avaliações sistemáticas pela Gestão do SUS.
- 26.2.40. Submeter-se à regulação instituída pelo gestor.
- 26.2.41. Obrigar-se a apresentar, sempre que solicitado, relatórios de atividade que demonstrem, quantitativa e qualitativamente, o atendimento do objeto pactuado com o ente federativo credenciante.
- 26.2.42. Submeter-se ao Sistema Nacional de Auditoria (SNA) e seus componentes, no âmbito do SUS, apresentando toda documentação necessária, quando solicitado.
- 26.2.43. Assegurar a veracidade das informações prestadas ao SUS.
- 26.2.44. Preencher os campos referentes ao contrato no Sistema de Cadastro Nacional de Estabelecimentos de Saúde (SCNES)
- 26.2.45. A credenciada deverá afixar aviso de sua condição de integrante do SUS e da gratuidade dos serviços nessa condição, em local visível e de grande circulação e esclarecer ao beneficiário do SUS sobre a gratuidade e outros assuntos pertinentes aos serviços ofertados, e informar o número de telefone 0800 647-7071 da Ouvidoria do SUS para que o usuário possa fazer sugestões, reclamações, denúncias, etc sobre o serviço prestado.
- 26.2.46. A credenciada não deverá divulgar, sob nenhuma forma, os cadastros e arquivos referentes às unidades de saúde, aos profissionais de saúde e aos usuários do SUS que vierem a ter acesso;

- 26.2.47. Manter registros contábeis específicos para fins de acompanhamento e avaliação dos recursos obtidos com o credenciamento;
- 26.2.48. A empresa credenciada deverá manter cadastro dos usuários, assim como prontuários que permitam o acompanhamento, o controle e a supervisão dos serviços;
- 26.2.49. A empresa credenciada deverá utilizar o Sistema Cartão Nacional de Saúde –Cartão SUS e prestarem informações aos gestores do SUS nos padrões definidos pelas normas e regulamentos instituídos pelo Ministério da Saúde;

27. SANÇÕES

27.1. Pela inexecução total ou parcial do contrato a Administração poderá, garantida a prévia defesa, aplicar ao contratado as seguintes sanções, nos termos do art. 87 da Lei 8.666/93:

- I - advertência;
- II - multa, na forma prevista no sub-item 28.2;
- III - suspensão temporária de participação em licitação e impedimento de contratar com a Administração, por prazo não superior a 2 (dois) anos;
- IV - declaração de inidoneidade para licitar ou contratar com a Administração Pública enquanto perdurarem os motivos determinantes da punição ou até que seja promovida a reabilitação perante a própria autoridade que aplicou a penalidade, que será concedida sempre que o contratado ressarcir a Administração pelos prejuízos resultantes e após decorrido o prazo da sanção aplicada com base no inciso anterior.

27.2. Para efeito de aplicação de multas, às infrações são atribuídos graus, com percentuais de multa conforme a tabela a seguir, que elenca apenas as principais situações previstas, não eximindo de outras equivalentes que surgirem, conforme o caso:

| ITEM | DESCRIÇÃO DA INFRAÇÃO | GRAU | MULTA* |
|-------------------------------------------|------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|------|--------------|
| 1 | Permitir situação que crie a possibilidade ou cause dano físico, lesão corporal ou consequências letais; por ocorrência. | 06 | 4,0% por dia |
| 2 | Usar indevidamente informações sigilosas a que teve acesso; por ocorrência. | 06 | 4,0% por dia |
| 3 | Suspender ou interromper, salvo por motivo de força maior ou caso fortuito, os serviços contratuais por dia e por unidade de atendimento; | 05 | 3,2% por dia |
| 4 | Destruir ou danificar documentos por culpa ou dolo de seus agentes; por ocorrência. | 05 | 3,2% por dia |
| 5 | Recusar-se a executar serviço determinado pela FISCALIZAÇÃO, sem motivo justificado; por ocorrência; | 04 | 1,6% por dia |
| 6 | Executar serviço incompleto, paliativo substitutivo como por caráter permanente, ou deixar de providenciar recomposição complementar; por ocorrência. | 02 | 0,4% por dia |
| 7 | Fornecer informação pérfida de serviço ou substituição de Cartão/ equipamento/software; por ocorrência. | 02 | 0,4% por dia |
| 8 | Manter credenciamento ou descredenciamento de estabelecimento sem a anuência prévia do Gestor do Contrato, por ocorrência(s); | 01 | 0,2% por dia |
| 9 | Tratar de maneira diferenciada os estabelecimentos credenciados por si, dos motivados por conta própria ou encaminhados pelo Gestor do Contrato, por ocorrência(s) e por estabelecimento; | 01 | 0,2% por dia |
| Para os itens a seguir, deixar de: | | | |
| 10 | Efetuar o pagamento da rede contratada no prazo estipulado; por dia e por ocorrência. | 06 | 4,0% por dia |
| 11 | Efetuar o pagamento de seguros, encargos fiscais e sociais, assim como quaisquer despesas diretas e/ou indiretas relacionadas à execução deste contrato; por dia e por ocorrência; | 05 | 3,2% por dia |
| 12 | Efetuar a restauração do sistema e reposição de equipamentos danificados, por motivo e por dia; | 04 | 1,6% por dia |
| 13 | Cumprir quaisquer dos itens do Edital e seus anexos, mesmo que não previstos nesta tabela de multas, após reincidência formalmente notificada pela FISCALIZAÇÃO; por ocorrência. | 03 | 0,8% por dia |
| 14 | Cumprir determinação formal ou instrução complementar da FISCALIZAÇÃO, por ocorrência; | 03 | 0,8% por dia |
| 15 | Iniciar execução de serviço nos prazos estabelecidos, observados os limites mínimos estabelecidos por este Contrato; por serviço, por ocorrência. | 02 | 0,4% por dia |
| 16 | Disponibilizar os equipamentos, sistema, estabelecimentos credenciados, em numero mínimo, treinamento, suporte e demais necessários à realização dos serviços do escopo do contrato; por ocorrência. | 02 | 0,4% por dia |
| 17 | Ressarcir o órgão por eventuais danos causados por sua culpa, em veículos, equipamentos, dados, etc. | 02 | 0,4% por dia |
| 18 | Fornecer as senhas e relatórios exigidos para o objeto, por tipo e por ocorrência; | 02 | 0,4% por dia |
| 19 | Fiscalizar e controlar, diariamente, a atuação da rede contratada, por estabelecimento e por dia; | 01 | 0,2% por dia |
| 20 | Credenciar estabelecimento por proposta própria ou encaminhada pelo Gestor do Contrato, por ocorrência e por dia; | 01 | 0,2% por dia |
| 21 | Manter a documentação de habilitação atualizada; por item, por ocorrência. | 01 | 0,2% por dia |
| 22 | Substituir funcionário que se conduza de modo inconveniente ou não atenda às necessidades do Órgão, por funcionário e por dia; | 01 | 0,2% por dia |
| 23 | Fornecer suporte técnico à Contratante e à rede contratada, por ocorrência e por dia. | 01 | 0,2% por dia |

* Incidente sobre o valor da parte inadimplida do contrato.

- 27.3. As sanções aqui previstas poderão ser aplicadas concomitantemente, facultada a defesa prévia do interessado, no respectivo processo, no prazo de 05 (cinco) dias úteis.
- 27.4. Após 30 (trinta) dias da falta de execução do objeto, será considerada inexecução total do contrato, o que ensejará a rescisão contratual.
- 27.5. As sanções de natureza pecuniária serão diretamente descontadas de créditos que eventualmente detenha a CONTRATADA ou efetuada a sua cobrança na forma prevista em lei.
- 27.6. As sanções previstas não poderão ser relevadas, salvo ficar comprovada a ocorrência de situações que se enquadrem no conceito jurídico de força maior ou casos fortuitos, devidos e formalmente justificados e comprovados, e sempre a critério da autoridade competente, conforme prejuízo auferido.
- 27.7. A autoridade competente, na aplicação das sanções, levará em consideração a gravidade da conduta do infrator, o caráter educativo da pena, bem como o dano causado à Administração, observado o princípio da proporcionalidade.
- 27.8. A sanção será obrigatoriamente registrada no Sistema de Cadastramento Unificado de Fornecedores – SICAF, bem como em sistemas Estaduais.
- 27.9. Também ficam sujeitas às penalidades de suspensão de licitar e impedimento de contratar com o órgão licitante e de declaração de inidoneidade, previstas no subitem anterior, as empresas ou profissionais que, em razão do contrato decorrente desta licitação:

- a) Tenham sofrido condenações definitivas por praticarem, por meio dolosos, fraude fiscal no recolhimento de tributos;
- b) Tenham praticado atos ilícitos visando a frustrar os objetivos da licitação;
- c) Demonstrem não possuir idoneidade para contratar com a Administração em virtude de atos ilícitos praticados.

28. ESTIMATIVA DA DESPESA:

28.1. No que tange o valor a ser estimado para a despesa, será realizada cotejamento de preço mercadológico com empresas especializadas na realização de exames laboratoriais assim como pesquisa em bancos públicos de preços, conforme Quadro Comparativo 0042019790.

28.2. DO PREÇO:

28.3. Considerando que os exames objeto deste CREDENCIAMENTO, em sua maioria, **não constam na Tabela de Procedimentos do SUS, não havendo dessa forma valores de referência naquela Tabela**, a contratação em tela será subsidiada através da **realização de cotejamento de preços de mercado através de prestadores assim como bancos públicos de preços para fixar valores da mesma.**

28.3.1. Os parâmetros que serão usados para fixar o preço dos serviços serão os previstos **com base na MÉDIA do cotejamento de preço mercadológico das empresas especializadas na realização de exames laboratoriais assim como pesquisa em bancos públicos de preços.**

Portaria nº 238/2019/SUPEL-CI

“Art. 2º A pesquisa de preços será realizada em observância às orientações contidas no Anexo I desta Portaria e mediante a utilização dos seguintes parâmetros:

...

II – Banco de preços eletrônicos

...

V - pesquisa com os fornecedores, desde que as datas das pesquisas não se diferenciem em mais de cento e oitenta dias.”

Art. 3º Para a obtenção do preço de referência, serão utilizados como metodologia, a média, a mediana ou o menor dos preços obtidos na pesquisa de preços, desde que o cálculo incida sobre um conjunto de três ou mais preços, oriundos de um ou mais parâmetros previstos no art. 2º, desta Portaria, desconsiderados os preços inexequíveis e os excessivamente elevados.

Parágrafo único. Excepcionalmente, mediante justificativa e autorização da autoridade competente da unidade requisitante responsável pela pesquisa, serão admitidas outras metodologias para a obtenção do preço de referência distintas daquelas previstas no caput, assim como pesquisas com menos de três preços.

28.3.2. O valor estimado para os contratos provenientes deste Termo de Referência, não implicará nenhuma previsão de crédito em favor do Prestador que somente fará jus aos valores correspondentes aos serviços previamente encaminhados, autorizados pela Secretaria Estadual de Saúde e efetivamente prestados pelo prestador.

28.3.3. *Ficará vedado o pagamento de qualquer sobretaxa em relação à realização dos exames constantes e adotada neste termo de referência, ou do cometimento a terceiros da atribuição de proceder ao credenciamento e/ou intermediação do pagamento dos serviços prestados.*

29. DO GERENCIAMENTO DO CREDENCIAMENTO

29.1. A SUPEL/RO intermediará quanto ao processo no quesito de recebimento de documentos, e análise de documentação de habilitação dos interessados

29.2. A Secretaria de Estado da Saúde- SESA/RO atuará como gerenciador do CREDENCIAMENTO através de CHAMAMENTO PÚBLICO, e poderá, ante a especificidade técnica do objeto.

30. DAS CONDIÇÕES PARA O CREDENCIAMENTO

30.1. Das Condições de Participação

30.1.1. Poderão participar do credenciamento as pessoas jurídicas e/ou entidades sem fins lucrativos de todo o território nacional, legalmente constituídas, com capacidade técnica, idoneidade econômico-financeira, regularidade jurídico-fiscal, que não tenham sofrido penalidade de suspensão ou declaração de inidoneidade por parte do Poder Público, que preencham as condições de credenciamento, e que tenham interesse em prestar os serviços pelos preços e condições estipulados neste instrumento.

30.1.2. Não poderão participar deste credenciamento as empresa que:

a) Estiverem em processo de intervenção judicial ou extrajudicial, falência, insolvência ou liquidação.

b) Tenha sido punida com suspensão do direito de licitar e/ou contratar com a Administração Pública, ou declarada inidônea para licitar ou contratar com qualquer órgão da Administração Pública, de qualquer Poder ou esfera de governo.

c) Que estejam cumprindo a sanção prevista no inciso IV do art. 87 da lei nº 8.666/93, que tenham sido declaradas inidôneas por esta autarquia e/ou estejam cadastradas nos impedidos de licitar no site do tribunal de contas do Estado de Rondônia.

d) Não preencherem as condições de credenciamento estipuladas no Edital e no Termo de Referência.

30.1.3. A participação no certame implica em aceitação de todas as condições estabelecidas no Termo de Referência, no Edital e seus respectivos anexos. Caso contrário, poderá ocorrer imediatamente o descredenciamento da empresa.

30.1.4. Não será admitido a participação de interessados distinto através de um único representante, ou que indiquem como responsável técnico ou qualquer outro componente de equipe técnica, profissional comum entre os interessados participantes do chamamento; e ainda, que seja servidor público, assim entendido quem exerça cargo, emprego ou função em entidade paraestatal, consideradas para tal, além das fundações, empresas públicas e sociedade de economia mista, as demais entidades sob controle, direto ou indireto, no âmbito da esfera estadual, qual seja o vínculo, de caráter transitório ou sem remuneração, cargo, função ou emprego público.

30.2. Prazos para o Credenciamento

30.2.1. Os interessados em realizar a prestação de serviços, de forma complementar, **poderão se credenciar a partir do primeiro dia útil subsequente a data de publicação** do edital de credenciamento, em local e horários indicados no referido instrumento convocatório, **até a revogação do credenciamento por parte da Administração.**

30.2.2. O credenciamento poderá ser realizado a qualquer tempo, dessa forma, os interessados que encaminharem os envelopes de documentações posteriormente à data marcada para abertura dos envelopes, dentro da vigência deste Chamamento Público, serão recebidos, abertos, analisados, conferidos, verificando as exigências do Edital.

30.2.3. Os interessados deverão entregar toda a documentação pertinente num único ato, não sendo permitida a entrega fracionada, exceto nos casos previstos no próprio Edital.

30.3. Da Proposta de Credenciamento

30.3.1. Os interessados em participar do presente credenciamento ao objeto descritos neste Termo de Referência, tendo como forma de remuneração pelos serviços prestados a partir da média dos valores estabelecidos no item 28.2 e seus sub-itens do Termo de Referência, deverão, no prazo estabelecido no subitem 6.2, apresentar o **requerimento de credenciamento (0032780520)** juntamente com os demais documentos de habilitação previstos no edital.

30.4. Da Análise dos Documentos para o Credenciamento

30.4.1. A documentação exigida para fins de credenciamento (qualificação técnica) será examinada por uma Comissão Especial da SESA/RO, quanto ao atendimento das condições estabelecidas neste Termo de Referência e o seu respectivo Edital, no prazo máximo de 03 (três) dias, que será nomeada por meio de Portaria pelo Excelentíssimo senhor Secretário de Estado da Saúde, sendo composta por técnicos da ASTEC e CRECSS/SESAU/RO.

30.5. Visita in Loco

30.5.1. Caso necessário, a Comissão de Credenciamento agendará e realizará visita in loco às participantes, com o objetivo de identificar e avaliar a capacidade física e operacional e a qualidade das ações e dos serviços a serem prestados, com a emissão de parecer circunstanciado, que fundamentará a decisão acerca da

habilitação da entidade (art. 2º, VII, Portaria nº 2.567/2016);

30.5.2. A recusa, por parte da entidade, em receber a Comissão para fins de vistoria, após duas tentativas, será considerada desistência, excluindo a entidade do pleito.

30.6. **Da Publicidade do Credenciamento e do Extrato do Contrato**

30.6.1. A lista de credenciamento será homologada pelo Secretário de Estado da Saúde do Estado de Rondônia – SESA/RO, e publicada no Diário Oficial do Estado, bem como também será publicado o extrato do contrato a ser firmado com o credenciado.

30.7. **Da Formalização do Credenciamento**

30.7.1. A formalização do credenciamento se dará através de contrato administrativo específico cuja minuta estará estabelecida anexa ao Edital. *(Checklist MODELO DE MINUTA CONTRATO CREDENCIAMENTO (0033832971))*

30.7.2. Oficialmente convocada pela Administração com vistas à celebração do Termo Contratual, é dado à credenciada **o prazo de 05 (cinco) dias**, contado da data da ciência ao chamamento, pela Secretaria de Estado da Saúde, para no local indicado, firmar o instrumento de Contrato munido da documentação devidamente exigida.

30.7.3. Não serão aceitos protocolos de prorrogação de prazo para apresentação da documentação, bem como não serão aceitos protocolos de entrada de documentação, fatos estes que ocasionarão a desclassificação da empresa credenciada, sem prejuízo da sanções cabíveis.

30.8. **Critério de Cadastramento**

30.8.1. Efetuada a assinatura dos Termos de Credenciamento, com as devidas publicações, a Secretaria de Estado da Saúde de Rondônia – SESA/RO, no último dia útil do mês, realizará sorteio para definir o ordenamento a ser observado no BANCO DE CREDENCIADOS.

30.8.2. Deve ser dada preferência às entidades filantrópicas e sem fins lucrativos e somente no caso de persistir a necessidade quantitativa dos serviços demandados, o ente público poderá recorrer às entidades com fins lucrativos (§2º, art. 3º, Portaria nº 2.567/2016).

30.8.3. As entidades filantrópicas e sem fins lucrativos deverão satisfazer para a celebração de instrumento contratual, os requisitos básicos contidos na Lei nº 8.666/93, e no art. 3º da Lei nº 12.101, independentemente das condições técnicas, operacionais e outros requisitos ou exigências fixadas pelos gestores do SUS (§5º, art. 3º, Portaria nº 2.567/2016).

30.9. **Do Gerenciamento dos Serviços a serem Prestados pela Credenciada** □

30.9.1. Após a homologação da relação de credenciados serão organizados a distribuição dos serviços.

30.9.2. A distribuição ocorrerá de acordo com a necessidade dos serviços.

30.9.3. A distribuição dos serviços ocorrerá com os número de credenciados inscritos, e terão vigência de 12 (doze) meses.

30.10. **Dos Casos de Descrédenciamento**

30.10.1. **Pela Credenciante, sem prévio aviso, quando:**

a) A credenciada deixar de cumprir qualquer das cláusulas e condições do contrato, Edital e/ou termo de referência.

a.1) Na hipótese de descumprimento das obrigações pelo credenciado, este estará sujeito às sanções previstas no artigo 87 da Lei nº 8.666/93.

b) A credenciada praticar atos fraudulentos no intuito de auferir para si ou para outrem vantagem ilícita.

b.1) Fica assegurado ao credenciado o direito ao contraditório, sendo avaliadas suas razões pela Comissão Especial de Credenciamento, que opinará em 05 (cinco) dias úteis e a submeterá ao Gestor da SESA/RO para decisão final.

c) Ficar evidenciada a incapacidade da credenciada de cumprir as obrigações assumidas devidamente caracterizadas em relatório circunstanciado de inspeção.

d) Mudança da capacidade operativa do estabelecimento de saúde, sem acordo prévio;

e) Paralisação da prestação dos serviços sem justa causa e prévia comunicação à Administração;

f) Não atendimento de determinações regulares da autoridade designada para acompanhar e fiscalizar a execução do contrato, bem assim como as dos superiores.

g) Por razões de interesse público de alta relevância, mediante despacho motivado e justificado da SESA/RO.

h) Em razão de caso fortuito ou força maior.

i) Desinteresse da Administração.

j) E naquilo que couber conforme disposto nas outras hipóteses prevista da Lei 8.666/93.

i) Para os casos anteriores é facultado ao gestor optar pela rescisão unilateral, observado o interesse da Administração Pública, restando a via amigável que poderá ser a melhor solução, a qual deve ser reduzida a termo no processo da contratação, desde que haja conveniência para a Administração.

30.10.2. **Pelo Credenciado:**

a) O credenciado poderá realizar denúncia do ajuste a qualquer tempo, mediante solicitação escrita à SESA/RO, com antecedência mínima de 30 (trinta) dias.

b) O não repasse dos recursos financeiros definidos no instrumento contratual pelo gestor da saúde, além do prazo permitido (90 dias).

31. **DA ANÁLISE E GESTÃO DE RISCO**

31.1. A compreensão geral de risco refere-se a uma grande probabilidade de ocorrência de um determinado evento em uma determinada situação; sendo associado a perigo e a um conceito negativo, onde muitos relacionam o risco a um presságio sobre algo de ruim que possa vir a ocorrer. No ambiente organizacional, os riscos se relacionam a um grande problema que possa atrapalhar o processo produtivo ou o produto final, além das atividades desenvolvidas no ambiente organizacional. Na concepção de Cocurullo (2002, p. 50), os riscos podem ser definidos por:

Risco é a variação potencial nos resultados, estando presente em quase tudo o que se faz. Quando o risco está presente, o resultado não pode ser precisamente previsto. Além disso, o risco não significa, necessariamente, possibilidade de perda. Assim, ao se determinar o risco, avaliá-lo adequadamente e bem administrá-lo, soluções cautelares apropriadas podem ser previstas, o que, consequentemente, pode gerar resultados benéficos. É o ponto de vista de se enxergar o risco como possibilidade de sucesso e não de fracasso.

Quando um risco é identificado, a administração avalia qual a significância, a probabilidade de ocorrência, e como este risco pode ser gerenciado. A administração, com base nessas informações, inicia um plano, programas ou ações para direcionar, especificamente, o risco e possivelmente decidir aceitá-lo em virtude do custo e das considerações de benefícios.

31.2. Do conceito colacionado, é possível concluir que risco é **toda ocorrência que possa interferir nos objetivos almejados**, sendo mensurado a partir da probabilidade *versus* impacto. Toda atividade traz em si um risco, em maior ou menor grau. As licitações e contratos, por seu turno, estão inseridos num ambiente repleto de riscos que, se não gerenciados de maneira adequada, podem comprometer substancialmente os objetivos definidos. Com efeito, cada decisão tomada (ou mesmo eventual omissão) altera consideravelmente a probabilidade da ocorrência de eventos futuros e incertos e, por consequência, reduz ou amplia os riscos a que a entidade se expõe. Tudo depende do apetite de risco, ou seja, “*nível de risco que uma organização está disposta a aceitar*”.

31.3. Nesse contexto, a análise de riscos “consiste em um conjunto de atividades coordenadas para identificar, analisar, avaliar, tratar e monitorar riscos. É o processo que visa conferir razoável segurança quanto ao alcance dos objetivos”.

31.4. Tendo em vista que toda contratação se divide em três etapas – planejamento, seleção do fornecedor e gestão contratual – a análise de riscos deve ser capaz de identificar os riscos em cada uma dessas fases, mensurar a probabilidade de sua ocorrência e respectivos impactos e definir ações mitigadoras e as

responsabilidades das partes envolvidas nesse processo.

31.5. Os indicadores de risco estão formulados de maneira a:

- 1) caracterizarem uma ou mais dimensões de risco;
- 2) serem obtidos mediante utilização direta ou por meio de combinação das variáveis disponíveis nas bases citadas; e
- 3) na medida do possível, estarem relacionados às teorias econômicas que analisam o comportamento estratégico de agentes racionais;

31.6. Para cada dimensão de risco, os indicadores estão separados em dois tipos: centrais e acessórios. Os indicadores centrais buscam resumir a questão central da dimensão de risco em uma única métrica. Os indicadores acessórios trazem informações subsidiárias sobre a dimensão servindo para complementar o entendimento do indicador central.

31.7. A análise de risco foi realizada no item 34 do Estudo Técnico Preliminar 0039379232;

32. CASOS OMISSOS

32.1. Fica estabelecido, caso venha ocorrer algum fato não previsto neste termo de referência e seus anexos, os chamados casos omissos, estes serão dirimidos respeitado o objeto dessa licitação, por meio de aplicação da legislação e demais normas reguladoras da matéria, em especial a lei nº 8.666/93, aplicando-se paralelamente, quando for o caso, supletivamente, os princípios da teoria geral dos contratos estabelecidos na legislação civil brasileira e as disposições de direito privado.

33. DAS CONDIÇÕES GERAIS

33.1. A qualquer tempo, poderá a comissão, se necessário, modificar este instrumento, hipótese em que deverá proceder à divulgação, reabrindo-se o prazo inicialmente estabelecido, exceto quando, inquestionavelmente, a alteração não afetar a formulação das propostas.

33.2. A Administração utilizar-se-á da aplicação de juízo arbitral para dirimir conflitos relativos a direitos patrimoniais disponíveis, conforme disposto na Lei Estadual 407 e Lei n. 9.307, de 1996, alterada pela Lei Federal n. 13.129, de 2015. Tal medida visa o cumprimento ao Art. 11, do referido diploma legal.

33.3. Conforme o art. 2º da Lei Estadual nº 4.007/2017, a administração estadual direta e indireta **poderá** optar pela adoção do juízo arbitral, *in verbis*:

Art. 2º. O Estado de Rondônia e os órgãos e as entidades da administração estadual direta e indireta poderão optar pela adoção do juízo arbitral para a resolução dos conflitos relativos a direito patrimonial disponível.

33.4. É facultado à comissão ou autoridade superior, em qualquer fase do procedimento licitatório, promover diligência destinada a esclarecer ou complementar instrução do processo

33.5. Os erros materiais irrelevantes serão objeto de saneamento, mediante ato motivado da comissão.

33.6. O produto ofertado pela CONTRATADA deverá atender às exigências de qualidade, observados os padrões e normas preconizados pelos órgãos competentes de controle de qualidade industrial – ABTN, INMETRO, e outros pertinente ao mercado especializado em fornecimento de materiais de consumo e permanentes laboratoriais, e etc; atentando-se o proponente, principalmente para as prescrições contidas no art. 39, VIII, da Lei nº 8.078/90 (Código de Defesa do Consumidor).

33.7. Qualquer tolerância da Administração Pública quanto a eventuais infrações não implicará renúncia a direitos e não pode ser entendida como aceitação, novação ou precedente;

33.8. Esse Termo de Referência, encontra-se em harmonia com o Decreto nº 21.264 de 20 de setembro de 2016 que dispõe sobre a aplicação do Princípio do Desenvolvimento Estadual Sustentável no âmbito do Estado de Rondônia, motivo pelo qual as propostas devem estar balizadas por este regulamento em todas suas etapas de execução.

33.9. Cumprir e fazer cumprir em caráter contratual todas as diretrizes, normas, regulamentos impostas por este Termo de Referência, independente de firmamento contratual, motivo pelo qual a apresentação de proposta está condicionada à aceitação de seus termos.

33.10. Rege-se este instrumento pelas normas e diretrizes estabelecidas na Lei Federal nº 8.666/93 outros preceitos de direito público.

33.11. A Contratada deverá manter durante toda a execução do contrato as mesmas condições estabelecidas na licitação.

34. CONCLUSÃO

34.1. Por todo o exposto, considerando a oportunidade de manter o adequado funcionamento de toda a Rede de Patologia Clínica assim como a de se evitar judicializações futuras, e como a garantia deste não sofrer solução de continuidade por intermédio da contratação de bens e serviços com a vantagem técnica e econômica aqui demonstrada, consideramos **VIÁVEL O CREDENCIAMENTO DE EMPRESAS ESPECIALIZADAS PARA REALIZAÇÃO DE EXAMES NA ÁREA DE PATOLOGIA CLÍNICA, DE FORMA COMPLEMENTAR AOS PROCEDIMENTOS JÁ EXISTENTES**, com seus respectivos laudos objetivando atender a Secretária de Estado da Saúde de Rondônia, de forma continuada, por um período de 12 (doze) meses,

35. ANEXOS

- Memorando nº 126/2022/LEPAC-ASTEC (0031615503)
- Informação 3160 (0032361811)
- Documento de Oficialização de Demanda (0031050933)
- Atestado DE CAPACIDADE TÉCNICA - MODELO (0032780427)
- Checklist MODELO REQUERIMENTO DE CREDENCIAMENTO (0032780520)
- Portaria 2894 - Comissão de recebimento e Fiscalização LEPAC (0040496738)
- Levantamento da necessidade das unidades hospitalares estaduais:

| CEMETRON | HOSP. BASE | HOSP. CAMPANHA | HICD | HOSP. JPII | POC | HRE | HRB | COHREC | NMJ/NAC |
|------------------------------|--------------|-------------------------------------------------|--------------|--------------|--------------|--------------|--------------|--------------|------------------------------|
| (0029277303) (0029741141) | (0029161906) | Relatório producao HC 2020-2021 (0022129428) | (0029076480) | (0029359455) | (0029985248) | (0029282027) | (0029475050) | (0029486256) | (0029641605) (0029886818) |

36. ASSINATURA RESPONSÁVEIS PELA ELABORAÇÃO, REVISÃO, APROVAÇÃO E AUTORIZO DO GESTOR DA PASTA

APROVO o presente, e seus anexos.

(Assinado Eletronicamente)

Elaborado por: Gleense Cartonilho

Cargo/Órgão: Biomédico/ASTEC/LEPAC/SESAU/RO

Matrícula: 300060857

Revisado por: João Gabriel da Silva Portela

Cargo: Agente Atividades Administrativas/LEPAC/SESAU/RO

Aprovado por: **Paulo José Girolodi**

Cargo/Órgão: *Farmacêutico Bioquímico/Diretor/LEPAC/SESAU/RO*

Matrícula: 300062449

(Assinado eletronicamente)
Secretário de Estado da Saúde de Rondônia



Documento assinado eletronicamente por **GLEENSE DOS SANTOS CARTONILHO, Analista**, em 21/02/2024, às 17:17, conforme horário oficial de Brasília, com fundamento no artigo 18 caput e seus §§ 1º e 2º, do [Decreto nº 21.794, de 5 Abril de 2017.](#)



Documento assinado eletronicamente por **João Gabriel Da Silva Portela, Técnico**, em 22/02/2024, às 08:54, conforme horário oficial de Brasília, com fundamento no artigo 18 caput e seus §§ 1º e 2º, do [Decreto nº 21.794, de 5 Abril de 2017.](#)



Documento assinado eletronicamente por **Paulo Jose Girolodi, Diretor(a)**, em 22/02/2024, às 09:31, conforme horário oficial de Brasília, com fundamento no artigo 18 caput e seus §§ 1º e 2º, do [Decreto nº 21.794, de 5 Abril de 2017.](#)



Documento assinado eletronicamente por **Adriano Flores Messias da Silva, Secretário(a) Executivo(a)**, em 23/02/2024, às 09:00, conforme horário oficial de Brasília, com fundamento no artigo 18 caput e seus §§ 1º e 2º, do [Decreto nº 21.794, de 5 Abril de 2017.](#)



A autenticidade deste documento pode ser conferida no site [portal do SEI](#), informando o código verificador **0046048290** e o código CRC **9AE4EBF4**.

Defesa, e Cidadania - SESDEC (SESDEC, Polícia Militar, Polícia Civil, Corpo de Bombeiro Militar e POLITEC), em todo o Estado de Rondônia, a pedido da Secretaria de Estado da Segurança, Defesa e Cidadania - SESDEC. **Valor Estimado:** R\$ 108.325.361,70. **Data de Abertura: 13 de outubro de 2022, às 10h00min. (HORÁRIO DE BRASÍLIA - DF).** Endereço Eletrônico: <https://www.comprasgovernamentais.gov.br>. DISPONIBILIDADE DO EDITAL: Instrumento Convocatório e todos os elementos integrantes encontram-se disponíveis na íntegra para consulta e retirada no endereço eletrônico acima mencionado, e, ainda, no site www.supel.ro.gov.br. Maiores informações e esclarecimentos sobre o certame serão prestados pela Pregoeira e Equipe de Apoio, na Superintendência Estadual Licitações, pelo telefone (69) 3212-9268, ou no endereço sito a Av. Farquar, S/N, Bairro: Pedrinhas, Complexo Rio Madeira, Ed. Pacaás Novos, 2º Andar, em Porto Velho/RO - CEP: 76.903-036. Porto Velho/RO, 28 de setembro de 2022.

GRAZIELA GENOVEVA KETES

Pregoeira BETA/SUPEL-RO

Protocolo 0032456601

Portaria nº 147 de 29 de setembro de 2022

Altera dispositivos da Portaria nº 91 de 05 de agosto de 2022, que designa servidores para compor a Comissão Especial de Licitação - CEL da Superintendência Estadual de Compras e Licitações - SUPEL/RO.

O SUPERINTENDENTE DE COMPRAS E LICITAÇÕES DO ESTADO DE RONDÔNIA, no uso das atribuições legais e regimentais previstas nos termos do art. 17, inciso VIII, do Decreto nº 8978, de 31 de janeiro de 2000 e do art. 43 da Lei Complementar n. 965, de 20 de dezembro de 2017,

RESOLVE:

Art. 1º Alterar a alínea "a" do inciso I, alínea "a" do inciso II, e § 1º do art. 1º da Portaria nº 91 de 05 de agosto de 2022 (id 0031042466), publicada no DOE n.º 149, pp. 45-46, de 05 de agosto de 2022, que designa servidores para compor a **Comissão Especial de Licitação - CEL**, da Superintendência de Compras e Licitações do Estado de Rondônia - SUPEL/RO, passando a vigorar nos seguintes termos:

"Art. 1º

.....

I -

.....

a) Bruna Gonçalves Apolinário, matrícula n.º 300141033.

II -

.....

a) Roberta Arroio, matrícula nº 300178701;

.....

§ 1º Fica designado à função de Presidente Substituto o servidor indicado na alínea "b" do inciso II, que desempenhará as atividades de estilo nas ausências e impedimentos do titular."

Art. 2º Esta portaria entra em vigor na data de sua publicação, com efeitos retroativos a 29 de setembro de 2022.

Dê-se ciência. Publique-se. Cumpra-se.

Amanda Talita de Sousa Galina

Diretora-Executiva - SUPEL/RO

Protocolo 0032536711

AVISO

RESULTADO FINAL DE LICITAÇÃO.

Pregão Eletrônico N° 401/2022/ALFA/SUPEL/RO

Processo: 0021.471055/2021-95

Objeto: Registro de Preços para futura e eventual AQUISIÇÃO DE UNIFORMES E MATERIAIS ESPORTIVOS, PEDAGÓGICOS E DE EXPEDIENTE para atender as necessidades do Coordenadoria de Atividades Sociais do Programa Educacional de Resistência às Drogas - CAS/PROERD da PMRO.

A SUPEL torna público, para conhecimento dos interessados, que o objeto deste pregão foi adjudicado às empresas:

Autenticidade pode ser verificada em: <https://ppe.sistemas.ro.gov.br/Diof/Pdf/13206>

Diário assinado eletronicamente por GILSON BARBOSA - Diretor, em 30/09/2022, às 13:12



GOVERNO DO ESTADO DE RONDÔNIA
Superintendência Estadual de Compras e Licitações - SUPEL

INSTRUMENTO CONVOCATÓRIO

CHAMAMENTO PÚBLICO Nº: 008/2023/CEL/SUPEL/RO

AVISO DE LICITAÇÃO

A **Superintendência Estadual de Licitações - SUPEL**, por meio da Comissão Especial de Licitação, nomeada por força das disposições contidas na **Portaria nº 147/2022 de 30 de setembro de 2022**, torna público que se encontra autorizada, a realização da licitação na modalidade **CHAMAMENTO PÚBLICO**, sob o Nº. **008/2023/CEL/SUPEL/RO**, tendo por finalidade a prestação de serviços laboratoriais para realização de exames na Área de Patologia Clínica, de forma complementar aos procedimentos já existentes, com seus respectivos laudos objetivando atender a Secretária de Estado da Saúde de Rondônia, **de forma continuada**, por um período de 12 (doze) meses. Os contratos originados deste credenciamento poderão ter a sua duração prorrogada por iguais e sucessivos períodos com vistas à obtenção de preços e condições mais vantajosas para a administração, limitada a sessenta meses, nos termos do art. 57 da Lei 8.666/93.

**PROCESSO
ADMINISTRATIVO Nº**

0062.067604/2022-25

OBJETO:

Contratação através de CREDENCIAMENTO DE EMPRESAS ESPECIALIZADAS que atuem na prestação de serviços laboratoriais para realização de exames na Área de Patologia Clínica, de forma complementar aos procedimentos já existentes, com seus respectivos laudos objetivando atender a Secretária de Estado da Saúde de Rondônia, **de forma continuada**, por um período de 12 (doze) meses. Os contratos originados deste credenciamento poderão ter a sua duração prorrogada por iguais e sucessivos períodos com vistas à obtenção de preços e condições mais vantajosas para a administração, limitada a sessenta meses, nos termos do art. 57 da Lei 8.666/93.

PROGRAMA DE TRABALHO:

17.012.10.302.2034.4009 - ASSEGURAR ATENDIMENTO EM SAÚDE NAS UNIDADES HOSPITALARES.
17.012.10.302.2034.4011 - MANTER SERVIÇOS DE SAÚDE ESPECIALIZADOS.
17.012.10.301.2084.4005 - ATENDER USUÁRIOS DO SUS EM SITUAÇÕES EXCEPCIONAIS.

NATUREZA DE DESPESA:

3.3.90.39 - Outros Serviços de Terceiros - PJ
3.3.90.30 - Material de consumo
3.3.90.91 - Sentenças Judiciais

| | |
|--------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|
| FONTE DE RECURSO: | 0100 - Recursos do Tesouro - Exercício Corrente (Recursos Ordinários) 0110 - Recursos do Tesouro - Exercício Corrente (Recursos para Apoio das Ações e Serviços de Saúde) 0300 - Recursos do Tesouro - Exercícios Anteriores (Recursos Ordinários) 0310 - Recursos do Tesouro - Exercícios Anteriores (Recursos para Apoio das Ações e Serviços de Saúde) 0213 - Recursos de Outras Fontes - Exercício Corrente (Cota-parte da Compensação Financeira dos Recursos Hídricos) 0613 - Recursos de Outras Fontes - Exercícios Anteriores (Cota-parte da Compensação Financeira dos Recursos Hídricos) 0209 - Recursos de Outras Fontes - Exercício Corrente (Recursos do Sistema Único de Saúde) 0609 - Recursos de Outras Fontes - Exercícios Anteriores (Recursos do Sistema Único de Saúde - SUS) |
| DATA DE ABERTURA DOS PRIMEIROS ENVELOPES APRESENTADOS: | 28 de dezembro de 2023 às 09h00m (HORÁRIO DE RONDONIA – RO) |
| OBSERVAÇÃO: | Os Licitantes que desejarem participar da sessão de abertura, deverão estar na recepção do edifício sede da SUPEL a partir das 08h30min, para fins de credenciamento. |
| | A apresentação da referida documentação poderá ocorrer também por meio eletrônico, de forma e/ou de forma digitalizada em formato PDF via e-mail: celsupelchamamentos@gmail.com, seguindo orientação do item 5.1, 5.2, 5.3 e 5.4 do Edital. |
| LOCAL: O Chamamento Público será realizado na Sala de Licitações situada na Superintendência Estadual Licitações, pelo telefone (69) 3212-9243 , ou no endereço sito a Av. Farquar, S/N, Bairro: Pedrinhas, Complexo Rio Madeira, Ed. Pacaás Novos, 2º Andar, em Porto Velho/RO - CEP: 76.903-036 | |
| EDITAL: O Instrumento Convocatório e todos os elementos integrantes encontram-se disponíveis para consulta e retirada no endereço eletrônico acima mencionado, e, ainda, no site. https://rondonia.ro.gov.br/supel/ Mais informações e esclarecimentos sobre o certame serão prestados pelo Pregoeiro e Equipe de Apoio designados, na Superintendência Estadual de Compras e Licitações – SUPEL/RO, sito a Av. Farquar, nº 2.986 - Bairro Pedrinhas (Palácio Rio Madeira - Ed. Rio Pacaás Novos - 2º Andar) Telefone (69) 3212-9243 – CEP: 76.801-470 – Porto Velho – RO. Não havendo expediente ou ocorrendo qualquer fato superveniente que impeça a abertura do certame na data marcada, a sessão será automaticamente transferida para o primeiro dia útil subsequente, no mesmo horário e locais estabelecidos no preâmbulo do Edital, desde que não haja comunicação do Pregoeiro em contrário. | |

1. DAS DISPOSIÇÕES GERAIS:

1.1. PREÂMBULO:

A Superintendência Estadual de Compras e Licitações - SUPEL, através da Comissão Especial de Licitação, designada por força das disposições contidas na **Portaria nº 147/2022 de 30 de setembro de 2022**, torna público aos interessados que se encontra autorizado e aberto, através do **processo no sistema eletrônico nº: 0062.067604/2022-25/LEPAC**, Contratação de Empresas Credenciadas que atuem na Prestação de Serviços Especializados na área de Saúde Auditiva, de forma contínua, para atender as necessidades dos usuários do Sistema único de Saúde - SUS no âmbito do Estado de Rondônia.

O Edital e seus anexos poderão ser retirados gratuitamente no endereço eletrônico www.rondonia.ro.gov.br/supel ou **das 07h:30min. às 13h:30min., de segunda a sexta-feira**, na Sede da SUPEL situada na Avenida Farquar, nº 2986, Palácio Rio Madeira, Edifício Rio Pacaás Novos, 2º andar, Bairro Pedrinhas, CEP. 76.801-976, Porto Velho/RO, mediante apresentação do comprovante de depósito bancário dos custos de reprodução no valor de **R\$ 30,00 (trinta reais)**, não reembolsável, a favor do GOVERNO DO ESTADO DE RONDÔNIA, **Conta nº. 10.000-5, Banco do BRASIL S.A., Agência 2757-X**, através da Guia de Recolhimento **DARE – Documento de Arrecadação Estadual**.

Os invólucros contendo os documentos de habilitação e qualificação técnica deverão ser entregues diretamente no Protocolo desta SUPEL ou via correios pela modalidade SEDEX, no endereço supracitado, até a data e horário estipulados na forma prevista neste Edital, quando se dará início a Sessão inaugural do procedimento licitatório, com a abertura dos respectivos envelopes.

DA ABERTURA DOS PRIMEIROS ENVELOPES APRESENTADOS: 28.12.2023 às 09h00min (HORÁRIO DE RONDÔNIA - RO), na sede da SUPEL sito: situada à Av. Farquar nº 2986, Palácio Rio Madeira, Edifício Rio Pacaás Novos, 2º andar, Bairro Pedrinhas, Cidade de Porto Velho.

OBSERVAÇÃO: Os Licitantes que desejarem participar da sessão de abertura, deverão estar na recepção do edifício sede da SUPEL a partir das 08h30min até as 13h00min, para fins de credenciamento.

A apresentação da referida documentação poderá ocorrer também por meio eletrônico, de forma e/ou de forma digitalizada em formato PDF via e-mail: celsupelchamamentos@gmail.com, seguindo orientação do item 5.1. 5.2. 5.3 e 5.4 do Edital.

2. DO OBJETO

2.1. Contratação através de CREDENCIAMENTO DE EMPRESAS ESPECIALIZADAS que atuem na prestação de serviços laboratoriais para realização de exames na Área de Patologia Clínica, de forma complementar aos procedimentos já existentes, com seus respectivos laudos objetivando atender a Secretária de Estado da Saúde de Rondônia, **de forma continuada**, por um período de 12 (doze) meses. Os contratos originados deste credenciamento poderão ter a sua duração prorrogada por iguais e sucessivos períodos com vistas à obtenção de preços e condições mais vantajosas para a administração, limitada a sessenta meses, nos termos do art. 57 da Lei 8.666/93.

3 . CONDIÇÕES DE EXECUÇÃO, RECEBIMENTO DOS SERVIÇOS E CONTROLE, MONITORAMENTO E AVALIAÇÃO:

3.1. **Especificação e Estimativo dos Procedimentos:** Ficam aquelas estabelecidas no subitem 4 do Anexo I – Termo de Referência, as quais foram devidamente aprovadas pelo ordenador de despesa do órgão requerente.

3.2. **Da Execução:** Ficam aquelas estabelecidas no subitem 5.2 do Anexo I – Termo de Referência, as quais foram devidamente aprovadas pelo ordenador de despesa do órgão requerente.

3.3. Dos Locais de Execução: Ficam aquelas estabelecidas [no subitem 5.2.1. do Anexo I – Termo de Referência](#), as quais foram devidamente aprovadas pelo ordenador de despesa do órgão requerente.

3.4. Do Prazo para Início da Execução dos Serviços: Ficam aquelas estabelecidas [no subitem 5.3 do Anexo I – Termo de Referência](#), as quais foram devidamente aprovadas pelo ordenador de despesa do órgão requerente.

3.5. Das Condições para o Credenciamento: Ficam aquelas estabelecidas [no subitem 30. do Anexo I – Termo de Referência](#), as quais foram devidamente aprovadas pelo ordenador de despesa do órgão requerente.

4. DOS PEDIDOS DE ESCLARECIMENTO E IMPUGNAÇÃO:

4.1. Até 05 (cinco) dias úteis antes da data fixada para a realização da sessão pública poderão ser solicitados esclarecimentos por escrito, cabendo a resposta à Comissão de Seleção que deverá prestar as informações também no prazo de até 03 dias úteis antes da data fixada para a realização da sessão pública. Os esclarecimentos poderão ser solicitados via e-mail (celsupelchamamentos@gmail.com) aos cuidados da Comissão de Seleção e/ou protocolados na Superintendência Estadual de Compras e Licitações – SUPEL, Palácio Rio Madeira, Edifício Rio Pacaás Novos, 2º andar, situado na Av. Farquar, nº 2.986, Bairro Pedrinhas, CEP 76.820-470, Porto Velho – RO, das 07h30min às 13h30min.

5. DA FORMA DE APRESENTAÇÃO DOS DOCUMENTOS:

5.1. A apresentação dos documentos de habilitação e do plano de trabalho que se dará em uma única etapa com entrega de 02 (dois) envelopes, opacos, lacrados e rotulados, sendo o “Envelope 01 – DOCUMENTAÇÃO DE HABILITAÇÃO” e “Envelope 02 – DOCUMENTAÇÃO DE QUALIFICAÇÃO TÉCNICA” diretamente no Protocolo da Superintendência Estadual de Compras e Licitação – SUPEL ou apresentar a comissão, situada à Av. Farquar nº 2986, Palácio Rio Madeira, Edifício Rio Pacaás Novos, 2º andar, Bairro Pedrinhas, Cidade de Porto Velho, ou via correios pela modalidade SEDEX encaminhado para o endereço acima citado, até 1 (uma) hora antes da Data de Primeira Abertura dos Envelopes nº 1 e nº 2 contendo Documentos de Habilitação e Documentos de Qualificação Técnica. Os envelopes deverão estar rotulados externamente com os seguintes informes:

ENVELOPE 01 – DOCUMENTAÇÃO DE HABILITAÇÃO

LABORATÓRIO ESTADUAL DE PATOLOGIA E ANÁLISES CLÍNICAS - LEPAC EDITAL DE CHAMADA PÚBLICA Nº 008/2023/CEL/SUPEL/RO – Contratação através de CREDENCIAMENTO DE EMPRESAS ESPECIALIZADAS que atuem na prestação de serviços laboratoriais para realização de exames na Área de Patologia Clínica, de forma complementar aos procedimentos já existentes, com seus respectivos laudos objetivando atender a Secretária de Estado da Saúde de Rondônia, **de forma continuada**, por um período de 12 (doze) meses. Os contratos originados deste credenciamento poderão ter a sua duração prorrogada por iguais e sucessivos períodos com vistas à obtenção de preços e condições mais vantajosas para a administração, limitada a sessenta meses, nos termos do art. 57 da Lei 8.666/93.

ENVELOPE 02 – DOCUMENTAÇÃO DE QUALIFICAÇÃO TÉCNICA

LABORATÓRIO ESTADUAL DE PATOLOGIA E ANÁLISES CLÍNICAS - LEPAC EDITAL DE CHAMADA PÚBLICA Nº 008/2023/CEL/SUPEL/RO – Contratação através de CREDENCIAMENTO DE EMPRESAS ESPECIALIZADAS que atuem na prestação de serviços laboratoriais para realização de exames na Área de Patologia Clínica, de forma complementar aos procedimentos já existentes, com seus respectivos laudos objetivando atender a Secretária de Estado da Saúde de Rondônia, **de forma continuada**, por um período de 12 (doze) meses. Os contratos originados deste credenciamento poderão ter a sua duração prorrogada por iguais e sucessivos períodos com vistas à obtenção de preços e condições mais vantajosas para a administração, limitada a sessenta meses, nos termos do art. 57 da Lei 8.666/93.

5.2. A apresentação da referida documentação poderá ocorrer também por meio eletrônico, de forma e/ou de forma digitalizada em formato PDF via e-mail.

5.3. O envio da documentação por meio eletrônico é uma alternativa que permite mais rapidez no recebimento e análise dos documentos e consequentemente no andamento do processo. Assim, serão respeitadas as limitações de mobilidade das pessoas impostas pela legislação local. No caso de envio por e-mail, a participante também deverá separar os documentos em dois arquivos (1. DOCUMENTAÇÃO DE HABILITAÇÃO e 2. DOCUMENTAÇÃO DE QUALIFICAÇÃO TÉCNICA).

5.4. No caso de envio da documentação DIGITALIZADA, os arquivos em PDF deverão ser encaminhados para o seguinte e-mail: celsupelchamamentos@gmail.com

5.5. O ENVELOPE 01 - DA DOCUMENTAÇÃO PARA HABILITAÇÃO - DEVERÁ CONTER OS SEGUINTE DOCUMENTOS

5.5.1 - DA HABILITAÇÃO JURÍDICA:

5.5.1.1. Conforme dispõe o Art. 27 da Lei 8.666/93, *in verbis*:

Art. 27. Para a habilitação nas licitações exigir-se-á dos interessados, exclusivamente, documentação relativa a:

I - habilitação jurídica;

II - qualificação técnica;

III - qualificação econômico-financeira;

IV – regularidade fiscal e trabalhista;

V – cumprimento do disposto no [inciso XXXIII do art. 7º da Constituição Federal](#).

5.5.1.2. RELATIVOS À HABILITAÇÃO JURÍDICA/FISCAL/TRABALHISTA

5.5.1.3. A inscrição no Cadastro de Pessoas Físicas (CPF) ou no Cadastro Nacional da Pessoa Jurídica (CNPJ);

5.5.1.4. A inscrição no cadastro de contribuintes estadual e/ou municipal, se houver, relativo ao domicílio ou sede do licitante, pertinente ao seu ramo de atividade e compatível com o objeto contratual;

5.5.1.5. A regularidade perante a Fazenda federal, estadual e/ou municipal do domicílio ou sede do licitante, ou outra equivalente, na forma da lei;

5.5.1.6. A regularidade relativa à Seguridade Social e ao FGTS, que demonstre cumprimento dos encargos sociais instituídos por lei;

5.5.1.7. A regularidade perante a Justiça do Trabalho;

5.5.1.8. O cumprimento do disposto no [inciso XXXIII do art. 7º da Constituição Federal](#).

5.5.1.9. Os documentos referidos nos itens poderão ser substituídos ou supridos, no todo ou em parte, por outros meios hábeis a comprovar a regularidade do licitante, inclusive por meio eletrônico.

5.5.1.10. A comprovação de atendimento do disposto nos itens III, IV e V deverá ser feita na forma da legislação específica.

5.5.6. RELATIVOS À QUALIFICAÇÃO ECONÔMICO-FINANCEIRA:

5.5.6.1. Balanço patrimonial, demonstração de resultado de exercício e demais demonstrações contábeis dos 2 (dois) últimos exercícios sociais;

5.5.6.2. Balanço Patrimonial, *referente ao último exercício social, ou o Balanço de Abertura, caso a licitante tenha sido constituída em menos de um ano, devidamente autenticado ou registrado na Junta Comercial do Estado, para que o(a) Pregoeiro(a) possa aferir se esta possui Patrimônio Líquido (licitantes constituídas há mais de um ano) ou Capital Social (licitantes constituídas há menos de um ano), de 5% (cinco) por cento do valor estimado do item que o licitante estiver participando.*

5.5.6.3. Certidão negativa de feitos sobre falência expedida pelo distribuidor da sede do licitante.

5.5.6.4. *Certidão Negativa de Recuperação Judicial – [Lei nº. 11.101/05](#) (recuperação judicial, extrajudicial e falência) emitida pelo órgão competente, **expedida nos últimos 90 (noventa) dias** caso não conste o prazo de validade.*

a.1). *Na hipótese de apresentação de Certidão Positiva de recuperação judicial, o (a) Pregoeiro verificará se a licitante teve seu plano de recuperação judicial homologado pelo juízo, conforme determina o art.58 da Lei 11.101/2005.*

a.2) *Caso a empresa licitante não obteve acolhimento judicial do seu plano de recuperação judicial, a licitante será inabilitada, uma vez que não há demonstração de viabilidade econômica.*

5.5.7. Será exigido declaração, assinada por profissional habilitado da área contábil, que ateste o atendimento pelo licitante dos índices econômicos previstos no edital.

5.5.8. *NÃO SERÃO ACEITOS PROTOCOLOS DE SOLICITAÇÃO DE CERTIDÕES OU LICENÇAS EM REPARTIÇÕES PÚBLICAS PARA SUBSTITUIR DOCUMENTOS AQUI EXIGIDOS.

5.5.9. No caso de Microempresa ou Empresa de Pequeno Porte, DEVERÃO APRESENTAR TODA A DOCUMENTAÇÃO EXIGIDA, todavia, nos termos do Art. 43 § 1º da Lei Complementar nº. 123/06, havendo alguma restrição na comprovação da regularidade fiscal e trabalhista, a Comissão de Credenciamento, concederá o prazo de 05 (cinco) dias úteis, cujo termo inicial corresponderá ao momento da declaração de classificação da Credenciada, para a regularização da documentação, pagamento ou parcelamento do débito, e emissão de eventuais certidões negativas ou positivas com efeito de certidão negativa.

5.5.10. Os documentos de habilitação serão analisados pela Comissão Especial de licitação, que após encaminhará o envelope 2 contendo a documentação referente a qualificação técnica da empresa e dos profissionais para análise e julgamento pela comissão permanente da SESAU.

5.5.11. A sessão de abertura dos primeiros envelopes é pública, podendo participar representantes das entidades que entregaram propostas ou procuradores devidamente identificados, bem como qualquer pessoa interessada no certame.

5.5.12. A abertura dos primeiros envelopes ocorrerá na data e horário estabelecido no aviso de abertura na sede da SUPEL sito: situada à Av. Farquar nº 2986, Palácio Rio Madeira, Edifício Rio Pacaás Novos, 2º andar, Bairro Pedrinhas, Cidade de Porto Velho.

5.5.13. A Superintendência Estadual de Compras e Licitações – SUPEL não se responsabilizará por envelopes de “Documentação de Habilitação” e “Documentos de Qualificação Técnica” que sejam apresentados, fora do prazo estabelecido, definidos neste Edital.

5.5.14. O não cumprimento dos prazos e formas estabelecidos neste Edital, bem como a ausência de quaisquer documentos nele solicitados acarretará na eliminação da entidade participante desta seleção.

5.5.15. Para fins de agilização da fase de habilitação do certame licitatório, todos os volumes poderão ser, encadernados (na forma como decidir o competidor), com todas as folhas rubricadas pelo(s) representante(s) legal(is) da empresa e numeradas em ordem crescente.

5.5.16. Nenhum dos documentos e propostas contidos nos envelopes 1 e 2, poderão conter rasuras ou entrelinhas, não sendo permitido o uso de palavras ou algarismos manuscritos. Para fins de julgamento considera-se:

a) RASURAS – qualquer tentativa de modificação do que foi originalmente escrito e que impossibilite ou dificulte a correta leitura, por dupla interpretação do texto, exclusive na numeração de folhas (desde que não altere o teor do documento), a qual a Comissão caso julgue necessário, poderá promover nova numeração, a fim de resguardar a integridade da documentação.

b) ENTRELINHAS – qualquer inclusão de texto na tentativa de complementar, modificar ou corrigir o que originalmente foi escrito.

5.5.17. Os documentos exigidos poderão ser apresentados em original ou por qualquer processo de cópia autenticada em cartório competente, ou autenticada por servidor da SUPEL/RO, sob pena de inabilitação.

5.5.18. Não serão considerados documentos e propostas que deixarem de atender as disposições deste Edital.

5.5.19. Não serão admitidas, sob quaisquer motivos ou hipóteses, modificações ou substituições das propostas ou de quaisquer documentos.

5.5.20. Não serão aceitos documentos e propostas transmitidos por fac-símile, telegrama ou outra forma de apresentação que descaracterize o sigilo de seu conteúdo.

5.5.21. Para efeito de remessa pelos Correios, os envelopes (distintos e individuais) de Documentação de Habilitação e Propostas técnica e comercial, poderão ser acondicionados em um único invólucro, desde que no sobrescrito venha expresso seu conteúdo, identificando a licitação a que se refere data e horário para abertura, sob inteira responsabilidade do licitante.

5.5.22. Os documentos de habilitação e propostas apresentados fora da data e horário previsto no preâmbulo deste Edital não serão recebidos.

5.5.23. A validade das certidões emitidas pela INTERNET, fica condicionada à confirmação no endereço eletrônico específico.

5.5.24. A documentação de habilitação da licitante poderá ser substituída pelo Sistema de Cadastramento de Fornecedores (SICAF) e pelo Certificado de Registro Cadastral (CRC/CAGEFOR/RO) expedido pela Superintendência Estadual de Compras e Licitações – SUPEL/RO, nos documentos por eles abrangidos.

5.5.25. Será realizada consulta ao Cadastro de Fornecedores Impedidos de Licitar e Contratar com a Administração Pública Estadual – CAGEFIMP, instituído pela Lei Estadual nº 2.414, de 18 de fevereiro de 2011, podendo resultar em efeitos de inabilitação a depender da natureza de sanção aplicada.

5.5.26. Serão consultados, ainda, para fins de habilitação¹ : I. O Cadastro Nacional de Empresas Inidôneas e Suspensas (CEIS), da Controladoria Geral da União – CGU, podendo resultar em efeitos de inabilitação a depender da natureza de sanção aplicada; II. O Cadastro Nacional de Condenações Cíveis por Ato de Improbidade Administrativa (CNIA), do Conselho Nacional de Justiça – CNJ, podendo resultar em efeitos de inabilitação a depender da natureza de sanção aplicada.

5.5.27. Considerando não se tratar de disputa licitatória, caso a Comissão Especial de Licitação verifique que a interessada apresentou documentação faltante ou com data de validade vencida poderá oportunizar o prazo de 05 (cinco) dias úteis para apresentação da documentação.

¹ A fim de evitar a contratação de empresas que tenham sido proibidas de licitar e contratar com a Administração Pública, por determinação do TCE/RO, conforme Decisão Monocrática nº

5.5.28. Os interessados poderão recorrer do resultado publicado em relação à avaliação da documentação, apresentando suas razões devidamente fundamentadas e por escrito, no prazo de até 05 (cinco) dias úteis contados do dia da sessão pública, ficando, nesse período, autorizada vista ao processo.

5.5.29. O recurso limitar-se-á a questões de habilitação, considerando, exclusivamente, a documentação apresentada no ato do credenciamento, não sendo considerado documento anexado em fase de recurso.

5.5.30. O recurso deverá ser protocolado ou enviado por via postal a Comissão Permanente de Licitação.

5.5.31. A Autoridade Superior poderá decidir pela reconsideração ou manutenção da decisão, devendo, neste caso, expedir decisão definitiva.

5.5.32. Somente o próprio interessado ou seu representante legalmente habilitado poderão interpor recurso.

5.5.33. Não serão aceitos recursos por fax ou correio eletrônico, nem fora dos padrões e prazos estabelecidos no Termo de Referência.

5.5.34. Serão conhecidos somente os pedidos de revisão tempestivos, motivados e não protelatórios.

5.5.35. Não serão admitidos mais de um recurso do interessado versando sobre o mesmo motivo de contestação.

5.5.36. Os resultados dos recursos interpostos serão comunicados diretamente aos recorrentes.

5.5.37. Havendo renúncia expressa de todos os participantes ao direito de interpor recurso contra o credenciamento no ato em que foi adotada a decisão, a Comissão realizará imediatamente o sorteio das credenciadas, de tudo lavrando-se Ata.

6. DA QUANTIDADE ESTIMADA A SER CONTRATADA:

6.1 Conforme item 15. do Termo de Referência.

7 . O ENVELOPE 02 – DA DOCUMENTAÇÃO RELATIVA À QUALIFICAÇÃO TÉCNICA:

7.1. deverá conter os seguintes documentos:

7.1.1. Qualificação Técnica

7.1.2. O(s) Interessado(s) no CREDENCIAMENTO deverão apresentar como documentos para avaliação técnica, conforme consubstanciado no art. 30 da Lei 8.666/93:

7.1.3. Comprovante de Inscrição de Pessoa Jurídica do estabelecimento bem como de profissional responsável técnico, devidamente no conselho profissional competente (BIOMEDICINA, FARMÁCIA. MEDICINA);

7.1.4. Alvará Sanitário;

7.1.5. Certidão ou atestado de capacidade técnica que demonstre que o credenciante tenha executado serviços similares ao objeto deste chamamento - Serviço de Natureza Laboratorial, com quantidades de, no mínimo, **25% (vinte e cinco por cento)** do quantitativo do item a que ele ofertar a proposta, vedadas limitações de locais específicos relativas aos atestados, em períodos sucessivos ou não, por um prazo mínimo, que não poderá ser superior a 3 (três) anos.

8. DAS CONDIÇÕES PARA O CREDENCIAMENTO:

8.1. DAS CONDIÇÕES DE PARTICIPAÇÃO:

8.1.1. Conforme item 30.1. e seus subitens do Termo de Referência.

8.2. PRAZOS PARA O CREDENCIAMENTO

8.2.1. Conforme item 30.2 e seus subitens do Termo de Referência.

8.3. DA PROPOSTA DE CREDENCIAMENTO

8.3.1. Conforme item 30.3. e seus subitens do Termo de Referência.

8.4. DA ANÁLISE DOS DOCUMENTOS PARA O CREDENCIAMENTO

8.4.1. Conforme item 30.4. e seus subitens do Termo de Referência.

8.5. DA VISITA IN LOCO

8.5.1. Conforme item 30.5. do Termo de Referência.

8.6. DA PUBLICIDADE DO CREDENCIAMENTO E DO EXTRATO DO CONTRATO

8.6.1. Conforme item 30.6. do Termo de Referência.

8.7. DA FORMALIZAÇÃO DO CREDENCIAMENTO:

8.7.1. Conforme item 30.7 e seus subitens do Termo de Referência.

8.8. DO CRITÉRIO DE CADASTRAMENTO:

8.8.1. Conforme item 30.8. e seus subitens do Termo de Referência.

8.9. GERENCIAMENTO DOS SERVIÇOS A SEREM PRESTADOS PELA CREDENCIADA:

8.9.1. Conforme item 30.9. e seus subitens do Termo de Referência.

9. DA DOTAÇÃO ORÇAMENTÁRIA

9.1. As despesas com a execução dos serviços correrão neste exercício por conta da seguinte programação orçamentária, em conformidade com a Lei 4.647, de 18 de novembro de 2019 - Plano Plurianual 2020 - 2023, a despesa ora informada foi planejada para ser executada conforme descrito na programação abaixo:

| DESCRIÇÃO DA DESPESA |
|-------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|
| Contratação de empresa (as) especializada (as) na prestação de serviços laboratoriais quanto a realização de exames laboratoriais não realizados na Rede de Patologia Clínica do Estado de Rondônia, atendendo, assim, suas necessidades de forma contínua, por um período de 12 (doze) meses.. |

Resposta ao:

Despacho 0032338255.

**PROGRAMA
TRABALHO**

DE

**UNIDADE
ATENDIDA**

FONTE DE RECURSO

**NATUREZA
DA
DESPESA**

| | | | |
|------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|--------------------------------------------------------------|-----------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|-----------------------------------------------|
| 17.012.10.302.2034.4009 - ASSEGURAR ATENDIMENTO EM SAÚDE NAS UNIDADES HOSPITALARES 17.012.10.302.2034.4011 - MANTER SERVIÇOS DE SAÚDE ESPECIALIZADOS 17.012.10.301.2084.4005 - ATENDER USUÁRIOS DO SUS EM SITUAÇÕES EXCEPCIONAIS | Hospital e Pronto Socorro João Paulo II - JPPII | | |
| | Hospital Infantil Cosme e Damião - HICD | 0100 - Recursos do Tesouro - Exercício Corrente (Recursos Ordinários) | |
| | Centro de Medicina Tropical do Estado de Rondônia - CEMETRON | 0110 - Recursos do Tesouro - Exercício Corrente (Recursos para Apoio das Ações e Serviços de Saúde) | |
| | Hospital de Campanha - HC | 0300 - Recursos do Tesouro - Exercícios Anteriores (Recursos Ordinários) | 3.3.90.39 - Outros Serviços de Terceiros - PJ |
| | Hospital Regional de Extrema - HRE | 0310 - Recursos do Tesouro - Exercícios Anteriores (Recursos para Apoio das Ações e Serviços de Saúde) | |
| | Complexo Hospitalar Regional de Cacoal - COHREC | 0213 - Recursos de Outras Fontes - Exercício Corrente (Cota-parte da Compensação Financeira dos Recursos Hídricos) | 3.3.90.30 - Material de consumo |
| | Hospital regional de Buritis - HRB | 0613 - Recursos de Outras Fontes - Exercícios Anteriores (Cota-parte da Compensação Financeira dos Recursos Hídricos) | 3.3.90.91 - Sentenças Judiciais |
| | Hospital regional de São Francisco do Guaporé - HRF | 0209 - Recursos de Outras Fontes - Exercício Corrente (Recursos do Sistema Único de Saúde) | |
| | Hospital de Base Ary Pinheiro - HBAP | 0609 - Recursos de Outras Fontes - Exercícios Anteriores (Recursos do Sistema Único de Saúde - SUS) | |
| | Policlínica Osvaldo Cruz - POC | | |
| | Núcleo de Mandados Judiciais - NMJ | | |
| | Núcleo de Apoio e Conciliação - NAC | | |

*Informação nº 3160/2022/SESAU-NPPS (0032361811)

10. DO PAGAMENTO:

10.1. Conforme disposto no **item 21 e seus subitens** do Termo de Referência.

11. DAS OBRIGAÇÕES E RESPONSABILIDADES:

11.1. DA CREDENCIADA:

11.1.1 Conforme **item 26.2 e seus subitens** do Termo de Referência.

11.2. DA CREDENCIANTE:

11.2.1. Conforme **item 26.1 e seus subitens** do Termo de Referência.

12. DA PARTICIPAÇÃO DE EMPRESAS REUNIDAS SOB A FORMA DE CONSÓRCIO:

12.1. Conforme **item 23 e seus subitens** do Termo de Referência.

13. DOS CASOS DE DESCRENCIAMENTO:

13.1. Conforme **item 30.10 e seus subitens** do Termo de Referência.

14. DO REAJUSTE DO CONTRATO:

14.1. As condições de Reajuste estão previstas no **item 17 e seus subitens** do Termo de Referência - Anexo I deste Edital.

15. DA VIGÊNCIA CONTRATUAL:

15.1 As condições de vigência contratual são aquelas previstas no **item 16.1. do Termo de Referência - Anexo I deste Edital.**

16. DA CESSÃO, SUBCONTRATAÇÃO E TRANSFERÊNCIA DO CONTRATO:

16.1. Conforme **item 22 e seus subitens** do Termo de Referência.

17. DAS SANÇÕES ADMINISTRATIVAS

17.1. Pela inexecução total ou parcial do contrato a Administração poderá, garantida a prévia defesa, aplicar ao contratado as seguintes sanções, nos termos do art. 87 da Lei 8.666/93:

I - advertência;

II - multa, na forma prevista no sub-item 28.2;

III - suspensão temporária de participação em licitação e impedimento de contratar com a Administração, por prazo não superior a 2 (dois) anos;

IV - declaração de inidoneidade para licitar ou contratar com a Administração Pública enquanto perdurarem os motivos determinantes da punição ou até que seja promovida a reabilitação perante a própria autoridade que aplicou a penalidade, que será concedida sempre que o contratado ressarcir a Administração pelos prejuízos resultantes e após decorrido o prazo da sanção aplicada com base no inciso anterior.

17.2. Para efeito de aplicação de multas, às infrações são atribuídos graus, com percentuais de multa conforme a tabela a seguir, que elenca apenas as principais situações previstas, não eximindo de outras equivalentes que surgirem, conforme o caso:

| ITEM | DESCRIÇÃO DA INFRAÇÃO | GRAU | MULTA* |
|-------------------------------------------|-------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|------|--------------|
| 1 | Permitir situação que crie a possibilidade ou cause dano físico, lesão corporal ou consequências letais; por ocorrência. | 06 | 4,0% por dia |
| 2 | Usar indevidamente informações sigilosas a que teve acesso; por ocorrência. | 06 | 4,0% por dia |
| 3 | Suspender ou interromper, salvo por motivo de força maior ou caso fortuito, os serviços contratuais por dia e por unidade de atendimento; | 05 | 3,2% por dia |
| 4 | Destruir ou danificar documentos por culpa ou dolo de seus agentes; por ocorrência. | 05 | 3,2% por dia |
| 5 | Recusar-se a executar serviço determinado pela FISCALIZAÇÃO, sem motivo justificado; por ocorrência; | 04 | 1,6% por dia |
| 6 | Executar serviço incompleto, paliativo substitutivo como por caráter permanente, ou deixar de providenciar recomposição complementar; por ocorrência. | 02 | 0,4% por dia |
| 7 | Fornecer informação pérdua de serviço ou substituição de Cartão/ equipamento/software; por ocorrência. | 02 | 0,4% por dia |
| 8 | Manter credenciamento ou descredenciamento de estabelecimento sem a anuência prévia do Gestor do Contrato, por ocorrência(s); | 01 | 0,2% por dia |
| 9 | Tratar de maneira diferenciada os estabelecimentos credenciados por si, dos motivados por conta própria ou encaminhados pelo Gestor do Contrato, por ocorrência(s) e por estabelecimento; | 01 | 0,2% por dia |
| Para os itens a seguir, deixar de: | | | |
| 10 | Efetuar o pagamento da rede contratada no prazo estipulado; por dia e por ocorrência. | 06 | 4,0% por dia |

| | | | |
|----|------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|----|--------------|
| 11 | Efetuar o pagamento de seguros, encargos fiscais e sociais, assim como quaisquer despesas diretas e/ou indiretas relacionadas à execução deste contrato; por dia e por ocorrência; | 05 | 3,2% por dia |
| 12 | Efetuar a restauração do sistema e reposição de equipamentos danificados, por motivo e por dia; | 04 | 1,6% por dia |
| 13 | Cumprir quaisquer dos itens do Edital e seus anexos, mesmo que não previstos nesta tabela de multas, após reincidência formalmente notificada pela FISCALIZAÇÃO; por ocorrência. | 03 | 0,8% por dia |
| 14 | Cumprir determinação formal ou instrução complementar da FISCALIZAÇÃO, por ocorrência; | 03 | 0,8% por dia |
| 15 | Iniciar execução de serviço nos prazos estabelecidos, observados os limites mínimos estabelecidos por este Contrato; por serviço, por ocorrência. | 02 | 0,4% por dia |
| 16 | Disponibilizar os equipamentos, sistema, estabelecimentos credenciados, em número mínimo, treinamento, suporte e demais necessários à realização dos serviços do escopo do contrato; por ocorrência. | 02 | 04% por dia |
| 17 | Ressarcir o órgão por eventuais danos causados por sua culpa, em veículos, equipamentos, dados, etc. | 02 | 0,4% por dia |
| 18 | Fornecer as senhas e relatórios exigidos para o objeto, por tipo e por ocorrência; | 02 | 0,4% por dia |
| 19 | Fiscalizar e controlar, diariamente, a atuação da rede contratada, por estabelecimento e por dia; | 01 | 0,2% por dia |
| 20 | Credenciar estabelecimento por proposta própria ou encaminhada pelo Gestor do Contrato, por ocorrência e por dia; | 01 | 0,2% por dia |
| 21 | Manter a documentação de habilitação atualizada; por item, por ocorrência. | 01 | 0,2% por dia |
| 22 | Substituir funcionário que se conduza de modo inconveniente ou não atenda às necessidades do Órgão, por funcionário e por dia; | 01 | 0,2% por dia |
| 23 | Fornecer suporte técnico à Contratante e à rede contratada, por ocorrência e por dia. | 01 | 0,2% por dia |

** Incidente sobre o valor da parte inadimplida do contrato.*

17.3. As sanções aqui previstas poderão ser aplicadas concomitantemente, facultada a defesa prévia do interessado, no respectivo processo, no prazo de 05 (cinco) dias úteis.

17.4. Após 30 (trinta) dias da falta de execução do objeto, será considerada inexecução total

do contrato, o que ensejará a rescisão contratual.

17.5. As sanções de natureza pecuniária serão diretamente descontadas de créditos que eventualmente detenha a CONTRATADA ou efetuada a sua cobrança na forma prevista em lei.

17.6. As sanções previstas não poderão ser relevadas, salvo ficar comprovada a ocorrência de situações que se enquadrem no conceito jurídico de força maior ou casos fortuitos, devidos e formalmente justificados e comprovados, e sempre a critério da autoridade competente, conforme prejuízo auferido.

17.7. A autoridade competente, na aplicação das sanções, levará em consideração a gravidade da conduta do infrator, o caráter educativo da pena, bem como o dano causado à Administração, observado o princípio da proporcionalidade.

17.8. A sanção será obrigatoriamente registrada no Sistema de Cadastramento Unificado de Fornecedores – SICAF, bem como em sistemas Estaduais.

17.9. Também ficam sujeitas às penalidades de suspensão de licitar e impedimento de contratar com o órgão licitante e de declaração de inidoneidade, previstas no subitem anterior, as empresas ou profissionais que, em razão do contrato decorrente desta licitação:

- a) Tenham sofrido condenações definitivas por praticarem, por meio dolosos, fraude fiscal no recolhimento de tributos;
- b) Tenham praticado atos ilícitos visando a frustrar os objetivos da licitação;
- c) Demonstrem não possuir idoneidade para contratar com a Administração em virtude de atos ilícitos praticados.

18. DO FORO:

18.1. As partes elegem o foro da comarca de Porto Velho-RO, para dirimir as questões que não puderem ser resolvidas pela via administrativa referentes a este EDITAL.

19. DAS CONDIÇÕES GERAIS:

19.1. A qualquer tempo, poderá a comissão, se necessário, modificar este instrumento, hipótese em que deverá proceder à divulgação, reabrindo-se o prazo inicialmente estabelecido, exceto quando, inquestionavelmente, a alteração não afetar a formulação das propostas.

19.2. A Administração utilizar-se-á da aplicação de juízo arbitral para dirimir conflitos relativos a direitos patrimoniais disponíveis, conforme disposto na Lei Estadual 407 e Lei n. 9.307, de 1996, alterada pela Lei Federal n. 13.129, de 2015. Tal medida visa o cumprimento ao Art. 11, do referido diploma legal.

19.3. Conforme o art. 2º da Lei Estadual nº 4.007/2017, a administração estadual direta e indireta **poderá** optar pela adoção do juízo arbitral, *in verbis*:

Art. 2º. O Estado de Rondônia e os órgãos e as entidades da administração estadual direta e indireta poderão optar pela adoção do juízo arbitral para a resolução dos conflitos relativos a direito patrimonial disponível.

19.4. É facultado à comissão ou autoridade superior, em qualquer fase do procedimento licitatório, promover diligência destinada a esclarecer ou complementar instrução do processo

19.5. Os erros materiais irrelevantes serão objeto de saneamento, mediante ato motivado da comissão.

19.6. O produto ofertado pela CONTRATADA deverá atender às exigências de qualidade, observados os padrões e normas preconizados pelos órgãos competentes de controle de qualidade industrial – ABTN, INMETRO, e outros pertinente ao mercado especializado em fornecimento de materiais de consumo e permanentes laboratoriais, e etc; atentando-se o proponente, principalmente para

as prescrições contidas no art. 39, VIII, da Lei nº 8.078/90 (Código de Defesa do Consumidor).

19.7. Qualquer tolerância da Administração Pública quanto a eventuais infrações não implicará renúncia a direitos e não pode ser entendida como aceitação, novação ou precedente;

19.8. O Termo de Referência, encontra-se em harmonia com o Decreto nº 21.264 de 20 de setembro de 2016 que dispõe sobre a aplicação do Princípio do Desenvolvimento Estadual Sustentável no âmbito do Estado de Rondônia, motivo pelo qual as propostas devem estar balizadas por este regulamento em todas suas etapas de execução.

19.9. Cumprir e fazer cumprir em caráter contratual todas as diretrizes, normas, regulamentos impostas pelo Termo de Referência, independente de firmamento contratual, motivo pelo qual a apresentação de proposta está condicionada à aceitação de seus termos.

19.10. Rege-se este instrumento pelas normas e diretrizes estabelecidas na Lei Federal nº 8.666/93 outros preceitos de direito público.

19.11. A Contratada deverá manter durante toda a execução do contrato as mesmas condições estabelecidas na licitação.

20. ANEXO DO EDITAL:

Anexo I: Termo de Referência e seus anexos (0043678872)

Anexo II: Modelo de Atestado de Capacidade Técnica (0032780427)

Anexo III: Modelo Minuta do Termo de Credenciamento (0033832971)

Anexo IV: Modelo Requerimento de Credenciamento (0032780520)

Porto Velho-RO, 12 de dezembro de 2023.

Bruna Gonçalves Apolinário
Presidente - CEL/SUPEL/RO



Documento assinado eletronicamente por **Bruna Gonçalves Apolinário**, **Pregoeiro(a)**, em 13/12/2023, às 11:29, conforme horário oficial de Brasília, com fundamento no artigo 18 caput e seus §§ 1º e 2º, do [Decreto nº 21.794, de 5 Abril de 2017](#).



A autenticidade deste documento pode ser conferida no site [portal do SEI](#), informando o código verificador **0044312579** e o código CRC **D398A50D**.



GOVERNO DO ESTADO DE RONDÔNIA
Laboratório Estadual de Patologia e Análises Clínicas - LEPAC

SAMS

SOLICITAÇÃO E AQUISIÇÃO DE MATERIAIS/SERVIÇOS - SAMS

| | | | | | |
|----------------------|------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|-----------------------|----------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|----------------------|---------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|
| Órgão Requiritante: | Secretaria de Estado da Saúde de Rondônia – SESAU/RO | | | Nº Processo: | 0062.067604/2022-25 |
| Fonte de Recurso: | 0100 - Recursos do Tesouro - Exercício Corrente (Recursos Ordinários) 0110 - Recursos do Tesouro - Exercício Corrente (Recursos para Apoio das Ações e Serviços de Saúde) 0300 - Recursos do Tesouro - Exercícios Anteriores (Recursos Ordinários) 0310 - Recursos do Tesouro - Exercícios Anteriores (Recursos para Apoio das Ações e Serviços de Saúde) 0213 - Recursos de Outras Fontes - Exercício Corrente (Cota-parte da Compensação Financeira dos Recursos Hídricos) 0613 - Recursos de Outras Fontes - Exercícios Anteriores (Cota-parte da Compensação Financeira dos Recursos Hídricos) 0209 - Recursos de Outras Fontes - Exercício Corrente (Recursos do Sistema Único de Saúde) 0609 - Recursos de Outras Fontes - Exercícios Anteriores (Recursos do Sistema Único de Saúde - SUS) | Programa de Trabalho: | 17.012.10.302.2034.4009 - ASSEGURAR ATENDIMENTO EM SAÚDE NAS UNIDADES HOSPITALARES 17.012.10.302.2034.4011 - MANTER SERVIÇOS DE SAÚDE ESPECIALIZADOS 17.012.10.301.2084.4005 - ATENDER USUÁRIOS DO SUS EM SITUAÇÕES EXCEPCIONAIS | ELEMENTO DE DESPESA: | 3.3.90.39 - Outros Serviços de Terceiros - PJ 3.3.90.30 - Material de consumo 3.3.90.91 - Sentenças Judiciais |
| Exposição de Motivo: | Contratação de Credenciados que atuem na prestação de serviços laboratoriais para realização de exames na Área de Patologia Clínica, de forma complementar aos procedimentos já existentes, com seus respectivos laudos, objetivando atender a Secretária de Estado da Saúde de Rondônia, de forma contínua, por um período de 12 (doze) meses, conforme condições, quantidades e exigências estabelecidas em Termo de Referência e seus anexos. | | | Referente Documento: | Memorando nº 126/2022/LEPAC-ASTEC (0031615503) |

I - RELAÇÃO DOS EXAMES/PROCEDIMENTOS

| ITEM | DESCRIÇÃO/EXAME | UND | HRF | TOTAL MENSAL | TOTAL ANUAL | VALOR UNITÁRIO | VALOR TOTAL |
|------|----------------------------------------------------------------------------------------------|-------|-----|--------------|-------------|----------------|-------------|
| 1 | Acondroplasia, estudo genético - gene FGFR3 | EXAME | 2 | 37 | 444 | | |
| 2 | ANALISE DA MUTAÇÃO NO GENE DA PROTROMBINA | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 3 | Análise da mutação pontual R506Q (G1691A) - Gene: Fator V da coagulação. | EXAME | 2 | 46 | 552 | | |
| 4 | ANALISE DA MUTAÇÃO NO GENE DA PROTROMBINA | EXAME | 2 | 56 | 672 | | |
| 5 | Análise molecular da sensibilidade a Varfarina | EXAME | 2 | 37 | 444 | | |
| 6 | ANATOMOPATOLÓGICO E IMUNOHISTOQUÍMICA - BIÓPSIA DE LINFONODOS | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 7 | ANATOMOPATOLÓGICO E IMUNOHISTOQUÍMICA - BIÓPSIA DE MEDULA ÓSSEA | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 8 | ANTI LKM-1 (MICROSSOMAL) | EXAME | 0 | 12 | 144 | | |
| 9 | anticorpo contra o receptor do N-metil-D-aspartato (NMDAR) | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 10 | ANTI-DNA DUPLA HÉLICE | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 11 | Apoliproteína E, estudo genético | EXAME | 2 | 37 | 444 | | |
| 12 | Ataxias espinocerebelares, painel | EXAME | 2 | 37 | 444 | | |
| 13 | Atrofia Dentatorubro Palidolusiana (DRPLA) - gene ATN1 | EXAME | 2 | 37 | 444 | | |
| 14 | Atrofia muscular espinhal, estudo molecular - Gene SMN1 | EXAME | 2 | 37 | 444 | | |
| 15 | AVALIAÇÃO DE COMPRIMENTO TELOMÉTRICO EM ANEMIA APLÁSICA - Teste para Medição dos Telômeros - | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 16 | CARIÓTIPO BANDEAMENTO G [LIQUIDO AMNIOTICO] | EXAME | 2 | 37 | 444 | | |
| 17 | CARIÓTIPO COM BANDA G - 100 CÉLULAS | EXAME | 0 | 79 | 948 | | |
| 18 | CARIÓTIPO COM BANDA G MEDULA | EXAME | 0 | 79 | 948 | | |
| 19 | CARIÓTIPO COM BANDA G SANGUE PERIFÉRICO - 100 CÉLULAS | EXAME | 0 | 58 | 696 | | |
| 20 | CARIÓTIPO COM BANDA G SANGUE PERIFÉRICO | EXAME | 0 | 59 | 708 | | |
| 21 | CARIÓTIPO COM PESQUISA DE QUEBRAS - DEB TESTE. SANGUE PERIFÉRICO. | EXAME | 0 | 30 | 360 | | |
| 22 | CARIÓTIPO DE MATERIAL DE ABORTAMENTO COM BANDA G | EXAME | 2 | 37 | 444 | | |
| 23 | CARIÓTIPO DE VILOSIDADE CORIONICA | EXAME | 2 | 37 | 444 | | |
| 24 | CARIÓTIPO FETAL COM BANDA G | EXAME | 2 | 37 | 444 | | |
| 25 | CGH-ARRAY PARA ANÁLISE DE ANOMALIAS CROMOSSÔMICAS | EXAME | 2 | 37 | 444 | | |
| 26 | CLORO NO SUOR | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 27 | Componente C1q do complemento - C1 Q | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 28 | CRIOGLOBULINAS (quantitativa e qualitativa) | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 29 | CTX - INTERLIGADORES C TERMINAIS - BETA-CROSS-LAPS | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 30 | CULTURA DE FUNGOS | EXAME | 2 | 116 | 1392 | | |
| 31 | CULTURA PARA ESTREPTOCOCO DO GRUPO B (GBS) | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 32 | CULTURA PARA ESTREPTOCOCO DO GRUPO B (GBS)- SWAB DA REGIÃO VAGINAL E ANAL | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 33 | CULTURA PARA MICOBACTÉRIAS | EXAME | 0 | 30 | 360 | | |
| 34 | CURVA DE FRAGILIDADE OSMÓTICA DAS HEMÁCIAS | EXAME | 0 | 65 | 780 | | |

| | | | | | | | |
|-----|-------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|-------|---|-----|------|--|--|
| 35 | DETERMINAÇÃO DA ATIVIDADE ANTI-TROMBINA III | EXAME | 2 | 64 | 768 | | |
| 36 | DETERMINAÇÃO DA ATIVIDADE DA BIOTINIDASE NO SANGUE | EXAME | 2 | 56 | 672 | | |
| 37 | DETERMINAÇÃO DA ATIVIDADE DA RENINA PLASMÁTICA | EXAME | 0 | 55 | 660 | | |
| 38 | DETERMINAÇÃO DA ATIVIDADE DE VON WILLEBRAND PELO COFATOR DA RISTOCETINA | EXAME | 2 | 43 | 516 | | |
| 39 | DETERMINAÇÃO DA MUTAÇÃO (c.1601G>A p.(R534Q)) DO FATOR V DE LEIDEN | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 40 | DETERMINAÇÃO DA MUTAÇÃO DA ANTI-TROMBINA III QUANDO ATIVIDADE REDUZIDA 40% | EXAME | 2 | 44 | 528 | | |
| 41 | DETERMINAÇÃO DA RESISTÊNCIA A PROTEÍNA C ATIVADA | EXAME | 2 | 55 | 660 | | |
| 42 | DETERMINAÇÃO DE ANTICORPOS ANTI-INSULINA | EXAME | 2 | 74 | 888 | | |
| 43 | DETERMINAÇÃO DE AUTO ANTICORPOS ANTI-GAD 65 | EXAME | 0 | 52 | 624 | | |
| 44 | DETERMINAÇÃO DE MUTAÇÕES JAK2 V617F, CALR e MPL EM DOENÇAS MIELOPROLIFERATIVAS | EXAME | 0 | 64 | 768 | | |
| 45 | DETERMINAÇÃO QUANTITATIVA DE AMINOÁCIDOS - SANGUE | EXAME | 0 | 58 | 696 | | |
| 46 | DETERMINAÇÃO QUANTITATIVA DE AMINOÁCIDOS - URINA | EXAME | 2 | 64 | 768 | | |
| 47 | DETERMINAÇÃO SÉRICA DA ENOLASE NEURONAL ESPECÍFICA - NSE | EXAME | 0 | 49 | 588 | | |
| 48 | Doença de Gaucher, diagnóstico molecular - Mutações no gene GBA | EXAME | 2 | 37 | 444 | | |
| 49 | Doença de Huntington, teste molecular - Gene HTT | EXAME | 2 | 37 | 444 | | |
| 50 | DOSAGEM COMPLEMENTO TOTAL (CH100) | EXAME | 2 | 101 | 1212 | | |
| 51 | DOSAGEM COMPLEMENTO TOTAL (CH50) | EXAME | 2 | 101 | 1212 | | |
| 52 | DOSAGEM CORTISOL SALIVAR | EXAME | 2 | 44 | 528 | | |
| 53 | DOSAGEM CORTISOL URINÁRIO | EXAME | 2 | 78 | 936 | | |
| 54 | DOSAGEM DA ECA - Enzima Conversora da Angiotensina | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 55 | DOSAGEM DE 17-ALFA HIDROXIPROGESTERONA | EXAME | 2 | 58 | 696 | | |
| 56 | DOSAGEM DE ADENOSINA DEAMINASE - ADA | EXAME | 0 | 82 | 984 | | |
| 57 | DOSAGEM DE ALDOSTERONA POSTURAL - S | EXAME | 0 | 65 | 780 | | |
| 58 | DOSAGEM DE ALFA1 ANTITRIPSINA | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 59 | DOSAGEM DE ALUMÍNIO | EXAME | 2 | 59 | 708 | | |
| 60 | DOSAGEM DE AMÔNIA | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 61 | DOSAGEM DE ANTICORPO - BLOQUEADOR DO RECEPTOR DE ACETILCOLINA | EXAME | 0 | 60 | 720 | | |
| 62 | DOSAGEM DE ANTICORPOS ANTIFOSFOLÍPIDES | EXAME | 2 | 78 | 936 | | |
| 63 | DOSAGEM DE ARSÊNIO NA URINA | EXAME | 0 | 43 | 516 | | |
| 64 | DOSAGEM DE CADEIAS LEVE LIVRES. SORO. | EXAME | 0 | 84 | 1008 | | |
| 65 | DOSAGEM DE CATECOLAMINAS - FRAÇÕES | EXAME | 2 | 66 | 792 | | |
| 66 | DOSAGEM DE CITRATO NA URINA | EXAME | 0 | 75 | 900 | | |
| 67 | DOSAGEM DE COBRE (SÉRICO E URINÁRIO) | EXAME | 0 | 43 | 516 | | |
| 68 | DOSAGEM DE FRUTOSE (ESPERMA) | EXAME | 0 | 19 | 228 | | |
| 69 | DOSAGEM DE GLICOSE 6-FOSFATO DEHIDROGENASE/G6PD | EXAME | 2 | 111 | 1332 | | |
| 70 | DOSAGEM DE IGG4 | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 71 | DOSAGEM DE LIPOPROTEÍNA - A | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 72 | DOSAGEM DE MACROPROLACTINA | EXAME | 2 | 60 | 720 | | |
| 73 | DOSAGEM DE OXALATO NA URINA | EXAME | 0 | 75 | 900 | | |
| 74 | DOSAGEM DE PEPTÍDEO INTESTINAL VASOATIVO [VIP] | EXAME | 2 | 55 | 660 | | |
| 75 | DOSAGEM DE PROTEÍNA "C" FUNCIONAL - TOTAL E LIVRE | EXAME | 2 | 65 | 780 | | |
| 76 | DOSAGEM DE PROTEÍNA "S" - TOTAL E LIVRE | EXAME | 2 | 70 | 840 | | |
| 77 | DOSAGEM DE SELÊNIO | EXAME | 0 | 34 | 408 | | |
| 78 | DOSAGEM DE VITAMINA A (RETINOL) | EXAME | 2 | 64 | 768 | | |
| 79 | DOSAGEM DE ZINCO | EXAME | 2 | 59 | 708 | | |
| 80 | DOSAGEM DE METANEFRIAS URINÁRIA - FRAÇÕES NORMETANEFRINA E METANEFRINA | EXAME | 0 | 37 | 444 | | |
| 81 | DOSAGEM DE PIRUVATOQUINASE ERYTROCITÁRIA | EXAME | 0 | 35 | 420 | | |
| 82 | DOSAGEM FATOR X DA COAGULAÇÃO | EXAME | 2 | 63 | 756 | | |
| 83 | DOSAGEM FATOR XIII COAGULAÇÃO | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 84 | DOSAGEM SÉRICA DE INTRACONAZOL | EXAME | 0 | 20 | 240 | | |
| 85 | ELETROFORESE DE HEMOGLOBINA | EXAME | 2 | 86 | 1032 | | |
| 86 | Eletroforese de Lipoproteína | EXAME | 0 | 50 | 600 | | |
| 87 | ELETROFORESE DE PROTEÍNAS SÉRICAS | EXAME | 3 | 94 | 1128 | | |
| 88 | EXAME DE ARRAY CGH + SNP | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 89 | EXAME DE SNP-CG4 | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 90 | EXAME SEQUENCIAMENTO DO EXOMA - (Mutações de ponto (substituições); Indels (pequenas deleções e duplicações); Análise de alteração do número de cópias (CNVs); mínimo de Genes analisados: Análise de aproximadamente ≥ 6 000 genes do genoma humano. (5969 genes nucleares + 37 genes mitocondriais) | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 91 | Exoma Clínico e o sequenciamento do genoma mitocondrial (Mutações de ponto (substituições); Indels (pequenas deleções e duplicações); CNVs (grandes deleções e duplicações); Análise de alteração do número de cópias (CNVs); Confirmação de variantes; Variantes Mitocondriais; Análise de achados incidentais; Análise de genes clinicamente mais relevantes) mínimo de Genes analisados: Análise de ≥ 22 mil genes do genoma humano. | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 92 | FISH BCR-ABL t(9;22) - FISH para translocação BCR/ABL | EXAME | 0 | 27 | 324 | | |
| 93 | FISH para deleção/amplificação Leucemia linfocítica crônica: del(17p); TP53; (17p13.1) | EXAME | 0 | 34 | 408 | | |
| 94 | FISH PARA PESQUISA DE HIPERMUTAÇÃO DA IgH (cadeia pesada da imunoglobulina) - SCREENING S | EXAME | 0 | 32 | 384 | | |
| 95 | HLA B27 | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 96 | HLA B51 | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 97 | IGE COCHONILHA | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 98 | IMUNOFENOTIPAGEM - PAINEL PROLIFERATIVO - S, MEDULA ÓSSEA | EXAME | 0 | 90 | 1080 | | |
| 99 | IMUNOFENOTIPAGEM - PAINEL PROLIFERATIVO - S, SANGUE PERIFÉRICO | EXAME | 0 | 60 | 720 | | |
| 100 | IMUNOFIXAÇÃO DE PROTEÍNAS SÉRICAS | EXAME | 0 | 60 | 720 | | |
| 101 | IMUNOFLUORESCÊNCIA DIRETA DE BIÓPSIA RENAL COM MICROSCOPIA ÓPTICA | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 102 | METANEFRIAS NO SANGUE | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |

| | | | | | | | |
|-----|-------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|-------|---|----|-----|--|--|
| 103 | Neuroexoma - (Mutações de ponto (substituições); Indels (pequenas deleções e duplicações); CNVs (grandes deleções e duplicações); Análise de alteração do número de cópias (CNVs); Confirmação de variantes; Variantes Mitocondriais; Análise de achados incidentais; Análise de genes clinicamente mais relevantes) mínimo de Genes analisados: Análise de aproximadamente ≥ 1.500 genes do genoma humano. (1410 genes nucleares + 37 genes mitocondriais) | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 104 | PAINEL DE IMUNODEFICIÊNCIAS PRIMÁRIAS COMPLETO Genes analisados (460) | EXAME | 0 | 27 | 324 | | |
| 105 | PAINEL DE MUTAÇÕES LINFÓIDES | EXAME | 0 | 25 | 300 | | |
| 106 | PAINEL DE MUTAÇÕES MIELOÍDES | EXAME | 0 | 25 | 300 | | |
| 107 | PCR ENTEROVÍRUS | EXAME | 0 | 30 | 360 | | |
| 108 | PCR HVS (HERPES) | EXAME | 0 | 30 | 360 | | |
| 109 | PEQUISA DE ANTICORPOS ANTI-ENDOMÍLIO IgA | EXAME | 2 | 53 | 636 | | |
| 110 | PEQUISA DE ANTICORPOS ANTI-ENDOMÍLIO IgG | EXAME | 2 | 53 | 636 | | |
| 111 | PEQUISA DE ANTICORPOS ANTI-ENDOMÍLIO IgM | EXAME | 2 | 53 | 636 | | |
| 112 | PESQUISA ANTICORPOS ANTI-ACTINA | EXAME | 2 | 35 | 420 | | |
| 113 | PESQUISA CROMOSSÔMICA/MOLECULAR DO X FRÁGIL | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 114 | Pesquisa de FISH PARA LEUCEMIA AGUDA TRANSLOCAÇÕES t(8;21), t(15;17), t(16;16), inv (16) | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 115 | Pesquisa de FISH PARA TRANSLOCAÇÃO MIELOMA MÚLTIPLO: t(4;14), t(11;14), t(14;16) t(14;18). IGH/MAF, | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 116 | Pesquisa de MLPA de APC (polipose adenomatosa familiar (PAF) - mínimo de Genes Analisados: APC | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 117 | Pesquisa de MLPA de BRCA1 (câncer de mama e ovário hereditário. Variantes patogênicas em heterozigose no gene BRCA1) - mínimo de Genes Analisados: BRCA1 | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 118 | Pesquisa de MLPA de BRCA2 (câncer de mama e ovário hereditário. Variantes patogênicas em heterozigose no gene BRCA2) - mínimo de Genes Analisados: BRCA2 | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 119 | Pesquisa de MLPA de BRIP1 (câncer de mama hereditário. Variantes patogênicas em heterozigose no gene BRIP1) - mínimo de Genes Analisados: BRIP1 | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 120 | Pesquisa de MLPA de CDH1 (câncer gástrico difuso hereditário (CDH1) - mínimo de Genes Analisados: CDH1 | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 121 | Pesquisa de MLPA de CDK4 (melanoma maligno cutâneo. Variantes patogênicas em heterozigose no gene CDK4) - mínimo de Genes Analisados: CDK4 | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 122 | Pesquisa de MLPA de CDKN2A (melanoma maligno cutâneo familiar. Variantes patogênicas em heterozigose no gene CDKN2A) - mínimo de Genes Analisados: CDKN2A | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 123 | Pesquisa de MLPA de CHEK2 (câncer de mama e próstata hereditário. Variantes patogênicas em heterozigose no gene CHEK2 (Checkpoint Kinase 2) - mínimo de Genes Analisados: CHEK2 | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 124 | Pesquisa de MLPA de MEN1 (neoplasia endócrina múltipla tipo 1. Variantes patogênicas em heterozigose no gene MEN1) - mínimo de Genes Analisados: MEN1 | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 125 | Pesquisa de MLPA de MET (carcinoma papilar das células renais com suspeita de câncer hereditário. Variantes patogênicas em heterozigose no gene MET) - mínimo de Genes Analisados: MET | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 126 | Pesquisa de MLPA de MLH1 (câncer colorretal não-polipóide hereditário (HNPCC) - suspeita de síndrome de Lynch e outros tipos de câncer hereditário. Variantes patogênicas em heterozigose no gene MLH1) - mínimo de Genes Analisados: MLH1 | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 127 | Pesquisa de MLPA de MSH2 (câncer colorretal não-polipóide hereditário (HNPCC) - suspeita de síndrome de Lynch e outros tipos de câncer hereditário. Variantes patogênicas em heterozigose no gene MSH2) - mínimo de Genes Analisados: MSH2 | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 128 | Pesquisa de MLPA de MSH6 (câncer colorretal não-polipóide hereditário (HNPCC) - suspeita de síndrome de Lynch e outros tipos de câncer hereditário. Variantes patogênicas em heterozigose no gene MSH6) - mínimo de Genes Analisados: MSH6 | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 129 | Pesquisa de MLPA de MUTYH (polipose adenomatosa familiar (PAF) trato gastrointestinal, principalmente no cólon. Variantes patogênicas em heterozigose no gene MUTYH) - mínimo de Genes Analisados: MUTYH | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 130 | Pesquisa de MLPA de PALB2 (câncer de mama e ovário hereditário. Variantes patogênicas em heterozigose no gene PALB2) - mínimo de Genes Analisados: PALB2 | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 131 | Pesquisa de MLPA de PMS2 (câncer colorretal não-polipóide hereditário (HNPCC) - suspeita de síndrome de Lynch e outros tipos de câncer hereditário. Variantes patogênicas em heterozigose no gene PMS2) - mínimo de Genes Analisados: PMS2 | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 132 | Pesquisa de MLPA de PTEN (síndrome de Cowden, síndrome de Bannayan-Riley-Ruvalcaba, síndrome autismo-macrocefalia, síndrome de Proteus, entre outras) Variantes patogênicas em heterozigose no gene PTEN) - mínimo de Genes Analisados: PTEN | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 133 | Pesquisa de MLPA de RB1 (Retinoblastoma hereditário. Variantes patogênicas em heterozigose no gene RB1) - mínimo de Genes Analisados: RB1 | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 134 | Pesquisa de MLPA de RET (neoplasia endócrina múltipla tipo 2 (MEN2), carcinoma medular de tireóide e feocromocitoma hereditários. Variantes detectadas somente no exame de sequenciamento do gene RET) - mínimo de Genes Analisados: RET | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 135 | Pesquisa de MLPA de SDHB (paraganglioma não-sindrômico, síndrome de Cowden, tumor estromal Gastrointestinal e outros cânceres relacionados .A Síndrome de Peutz-Jeghers (SPJ) ou outras formas de câncer hereditário. síndrome do paraganglioma-feocromocitoma hereditário (PGL/FEO) e outras doenças relacionadas ao SDHB. Variantes no gene SDHB estão associadas à PGL/FEO) - mínimo de Genes Analisados: SDHB | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 136 | Pesquisa de MLPA de STK11 (polipose gastrointestinal, pigmentação cutâneo-mucosa e predisposição ao câncerA Síndrome de Peutz-Jeghers (SPJ) ou outras formas de câncer hereditário. Variantes patogênicas em heterozigose no gene STK11) - mínimo de Genes Analisados: STK11 | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 137 | Pesquisa de MLPA de TP53 (carcinoma adrenocortical, câncer de mama, tumores do sistema nervoso central, osteosarcomas e sarcomas de tecidos moles - suspeita de síndrome de Li-Fraumeni ou outras formas de câncer hereditário. Variantes patogênicas em heterozigose no gene TP53) - mínimo de Genes Analisados: TP53 | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 138 | Pesquisa de MLPA de WT1 (tumor de Wilms e doenças relacionadas. Variantes patogênicas heterozigose no gene WT1 cursam com risco aumentado para tumor de Wilms e podem ainda cursar com as síndromes de Denys-Drash, de Frasier, de Meacham e síndrome nefrótica tipo 4) - mínimo de Genes Analisados: WT1 | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 139 | Pesquisa de Pannel de Câncer de Próstata Hereditário HRR (20 genes relacionados a câncer de próstata hereditário) - sequenciamento completo (êxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ATM BARD1 BRCA1 BRCA2 BRIP1 CDK12 CHEK1 CHEK2 EPCAM FANCL MLH1 MSH2 MSH6 PALB2 PMS2 RAD51B RAD51C RAD51D RAD54L TP53 | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |

| | | | | | | | |
|-----|-------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|-------|---|----|-----|--|--|
| 140 | <p>Pesquisa de Pannel de Câncer Hereditário (Completo) (265 genes relacionados a câncer hereditário, incluindo formas mais raras como melanoma hereditário, feocromocitoma, doença de Von Hippel Lindau, paraganglioma, cilindromatose, síndrome de Birt-Hogg-Dubé, complexo de Carney, xeroderma pigmentoso, tumor teratóide rabdoide, síndrome hereditária de leiomiomatose e câncer renal, osteocondromatose múltipla (exostose múltipla), entre outras) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ACD AIP AKT1 ALK ANKRD26 APC ARMC5 ASCL1 ASXL1 ATM ATP4A ATR AXIN2 BAP1 BARD1 BDNF BLM BMPR1A BPGM BRAF BRCA1 BRCA2 BRIP1 BUB1B CABLES1 CASP10 CASP9 CBL CD70 CDC73 CDH1 CDH23 CDK12 CDK4 CDKN1B CDKN1C CDKN2A CEBPA CEP57 CHEK1 CHEK2 CREBBP CSF3R CTC1 CTNNA1 CTNNB1 CTR9 CYLD DDB2 DDX41 DICER1 DIS3L2 DKC1 DLST DNAJC21 DNMT3B DOCK8 EDN3 EFL1 EGFR EGLN1 EGLN2 EPAS1 EPCAM ERCC2 ERCC3 ERCC4 ERCC5 ERCC6 ERCC6L2 ETV6 EXT1 EXT2 EZH2 FAN1 FANCA FANCB FANCC FANCD2 FANCF FANCG FANCI FANCL FANCM FAS FASLG FBXW7 FGFR1 FH FIBP FLCN FOXE1 G6PC1 GALNT12 GATA1 GATA2 GLMN GNAS GPC3 HCLSL1 HIF3A HNF1A HNF1B HOXB13 HRAS IPMK JAG1 JAK2 KDM1A KDM3B KIF1B KIT KLLN KRAS LAPTM5 LDAH LIG4 LZTR1 MAD2L2 MAGT1 MAP2K1 MAP2K2 MAP3K1 MAX MBD4 MCM4 MDH2 MEN1 MET MIF MLH1 MLH3 MMP1 MNX1 MRE11 MSH2 MSH3 MSH6 MSR1 MTAP MUTYH MYCN NBN NF1 NF2 NHP2 NME1 NOP10 NRAS NSD1 NTHL1 NTRK1 NYN1RIN OS9 PALB2 PARN PAX5 PBRM1 PDGFB PDGFRA PDGFRB PHOX2B PIK3CA PMS2 POLD1 POLE POLH POT1 PPP2R2A PPP2R3B PRF1 PRKARIA PSMC3IP PTCH1 PTCH2 PTEN PTPN11 RABL3 RAD50 RAD51 RAD51B RAD51C RAD51D RAD54L RAF1 RASA2 RASAL1 RB1 RBBP6 RECQL RECQL4 RET RFWD3 RHBDF2 RMI2 RNASEL RNF139 RNF43 RPS20 RRAS RSPO1 RTEL1 RUNX1 SAMD9 SAMD9L SASH1 SBDS SDHA SDHAF2 SDHB SDHC SDHD SEC23B SETBP1 SH2B1 SH2B2 SH2D1A SHOC2 SLC25A11 SLX4 SMAD4 SMARCA4 SMARCA1 SMARCB1 SMARCE1 SOS1 SPRN SRP54 SRP72 STAT3 STK11 SUFU TERC TERF2IP TERT TET2 TEX15 TGFBR2 THSD1 TINF2 TMC6 TMC8 TMEM127 TOP3A TP53 TPCN2 TRIM28 TRIP13 TSC1 TSC2 UBE2T USP8 VHL WAS WIPF1 WRAP53 WRN WT1 WWOX XIAP XPA XPC XRCC2 ZNF687</p> | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 141 | <p>Pesquisa de Pannel de Câncer Hereditário (Principais Genes) (genes relacionados às formas mais comuns de predisposição hereditária ao câncer, incluindo os cânceres de mama, ovário, endométrio, intestino/colorretal (formas polipóides e não-polipóides), próstata, gástrica, neoplasia endócrina múltipla (MEN1), pâncreas, Síndrome de Li-Fraumeni, entre outras) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: APC ATM BAP1 BARD1 BLM BMPR1A BRCA1 BRCA2 BRIP1 CDH1 CDK4 CDKN2A CHEK2 EGFR EPCAM FANCC FANCM MEN1 MET MLH1 MSH2 MSH3 MSH6 MUTYH NBN NTHL1 PALB2 PMS2 POLD1 POLE PTEN RAD51C RAD51D RECQL RET STK11 TP53</p> | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 142 | <p>Pesquisa de Pannel de Meningioma (genes mais importantes associados a susceptibilidade hereditária à Meningioma) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ARMC5 BAP1 LZTR1 PDGFB PTEN SMARCB1 SMARCE1 SUFU</p> | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 143 | <p>Pesquisa de Síndrome de Marfan (sequenciamento do gene FBN1) (identifica doença do tecido conectivo que causa alterações oculares, cardiovasculares e esqueléticas) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: FBN1</p> | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 144 | <p>Pesquisa de Síndrome de Rubinstein-Taybi-SRT (MLPA da região 16p13) (identifica deficiência de crescimento pós-natal, microcefalia, características faciais específicas, polegares e dedos do pé alargados, atraso do desenvolvimento, entre outros) - mínimo de Genes Analisados: CREBBP</p> | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 145 | <p>Pesquisa de Síndrome de Russell-Silver-SRS (metilação de 11p15) (identifica doença genética de restrição de crescimento intrauterino e pós-natal, resultante de alterações na regulação de genes que controlam o crescimento) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: IGF2</p> | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 146 | <p>Pesquisa de Síndrome de Smith-Magenis (MLPA da região 17p11) (identifica deficiência intelectual, características faciais distintas, distúrbios do sono e problemas comportamentais, entre outros) - mínimo de Genes Analisados: RAI1</p> | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 147 | <p>Pesquisa de Síndrome de Sotos (MLPA da região 5q35) (identifica diagnóstico de indivíduos com suspeita clínica de síndrome de Sotos - crescimento excessivo na infância, dismorfias crânio-faciais e atraso no desenvolvimento neuropsicomotor) - mínimo de Genes Analisados: NSD1</p> | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 148 | <p>Pesquisa de Síndrome de WAGR (MLPA da região 11p13) (identifica aumento de risco para desenvolvimento tumor de Wilms, aniridia (ausência de íris), anomalias gênito-urinárias e deficiência intelectual) - mínimo de Genes Analisados: PAX6 WT1</p> | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 149 | <p>Pesquisa de Síndrome de Williams (MLPA da região 7q11.23) (identifica deficiência intelectual, personalidade característica, problemas cardiovasculares, entre outros) - mínimo de Genes Analisados: CLIP2 ELN GTF2I GTF2IRD1 LIMK1</p> | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 150 | <p>Pesquisa de Síndrome de Wolf-Hirschhorn (MLPA da região 4p16) (identifica atraso no crescimento e no desenvolvimento, deficiência intelectual, convulsões e aparência facial típica) - mínimo de Genes Analisados: LETM1 MSX1</p> | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 151 | <p>Pesquisa de Teste da Bochechinha (identifica mais de 340 genes que podem causar doenças raras, de manifestação precoce entre elas: Erros Inatos do Metabolismo, Doenças Neurológicas, Imunológicas, Hematológicas, Endócrinas, Renais, Hepáticas, Gastrointestinais e Esqueléticas) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ABCB11 ABCB4 ABCC8 ABCD1 ABCD4 ABCG5 ABCG8 ACAD8 ACADM ACADVL ACAT1 ADA ADAMTS13 AGL AICDA AK2 AKR1D1 ALDH7A1 ALDOA ALDOB ALPL AMACR APOA5 APOC2 AQP2 ARG1 ARSA ARSB ASL ASS1 ATP6V0A4 ATP6V1B1 ATP7A ATP7B ATP8B1 AVPR2 BAAT BCKDHA BCKDHB BCKDK BCL10 BLNK BSND BTB BTK CAD CARD11 CASR CD247 CD320 CD3D CD3E CD3G CD40 CD40LG CD79A CD79B CDCA8 CFTR CIC CIITA CLCNKA CLCNKB CLDN16 CLDN19 COL1A1 COL1A2 CORO1A CPS1 CPT1A CPT2 CTNS CTPS1 CXCR2 CXCR4 CYBA CYBB CYBC1 CYP11B1 CYP11B2 CYP17A1 CYP27A1 CYP27B1 CYP2R1 CYP7A1 CYP7B1 DBT DCLRE1C DDC DGAT1 DHFR DLD DMD DNAJC12 DNAJC21 DOCK2 DUOX2 DUOX2A EFL1 ELANE ETFA ETFB ETFDH ETHE1 F8 F9 FAH FBPI FCHO1 FGA FLAD1 FOLR1 FOXE1 FOXN1 FOXP3 G6PC1 G6PC3 GAA GALE GALK1 GALT GALN3 GALT GAMT GATA2 GATM GBA GBE1 GBP1 GCDH GCH1 GCK GFII1 GGCCX GJB2 GJB6 GLIS3 GLRA1 GLRB GLUD1 GOT2 GPIHBP1 GUSB GYS1 GYS2 HADH HADHA HADHB HAX1 HBB HCF1 HEXS1 HLCS HMGCL HMGCS2 HPD HSD3B2 HSD3B7 HYOU1 IDS IDUA IFNGR1 IFNGR2 IGLL1 IGSF1 IKBKB IL12B IL12RB1 IL2RA IL2RG IL7R INS INSR IRF8 IRS4 IVD IYD JAGN1 JAK1 KCNJ1 KCNJ11 LAT LCK LCT LHX3 LHX4 LIPA LMBRD1 LMF1 LPL MAGT1 MALT1 MAN2B1 MAP3K14 MC2R MCEE MMAA MMAB MMACHC MMADHC MMUT MOCS1 MPI MPL MPO MRAP MTHFR MTR MTRR MTPP MYD88 MYH9 NAGS NCF2 NCF4 NEUROG3 NHEJ1 NKX2-1 NKX2-5 NNT NR0B1 ORAI1 OTC OTX2 OXCT1 PAH PAX8 PCBD1 PCCA PCCB PCK1 PDXK PGM1 PHEX PHGDH PHKA2 PHKB PHKG2 PIK3R1 PLPBP PNP PNPO POU1F1 PRF1 PRKDC PROP1 PSAT1 PSPH PTPRC PTS PYGL QDPR RAC2 RAG1 RAG2 RASGRP1 RB1 RFX5 RFXANK RFXAP RORC SAMD9 SBDS SCNN1A SCNN1B SCNN1G SH2D1A SI SLC12A1 SLC16A1 SLC19A1 SLC19A2 SLC19A3 SLC22A5 SLC25A13 SLC25A15 SLC25A19 SLC25A20 SLC26A3 SLC26A4 SLC26A7 SLC27A5 SLC2A1 SLC2A2 SLC37A4 SLC39A4 SLC46A1 SLC52A2 SLC52A3 SLC5A1 SLC5A5 SLC5A6 SLC6A5 SLC6A6 SLC7A7 SLC7A9 SMN1 SORD SOX3 SPR SRP54 STAR STAT1 STX11 STXBP2 TANGO2 TAP1 TAP2 TAPBP TAT TBL1X TCN2 TFRC TG TH THAP11 THRA TJP2 TK2 TPK1 TPO TPP1 TRH TRHR TRPM6 TSHB TSHR TTPA TUBB1 UGT1A1 UNC13D UNG UROS USP53 VDR VKORC1 VPS45 WAS WIPF1 XIAP ZAP70 ZNF143</p> | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 152 | <p>Pesquisa de Triagem de Portador de Mutações de Doenças Recessivas (identifica mutações previamente descritas e/ou reconhecidamente patogênicas em 165 genes relacionados a doenças autossômicas recessivas) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ABCC8 ACADM ACADVL ADA ADAMTS2 AGA AGL AGXT AIRE ALDH3A2 ALDOB ALG6 ALMS1 ALPL AMT ARG1 ARSA ASL ASPA ASS1 ATM ATP7B BBS1 BBS10 BBS12 BBS2 BCKDHA BCKDHB BCS1L BLM BTD CAPN3 CFIG CLN3 CLN5 CLN6 CLN8 CLRN1 COL4A3 COL4A4 CPS1 CPT1A CPT2 CTNS CTSK CYP11B1 CYP27A1 DBT DHCR7 DHDDS DLD DYSF ELP1 ERCC6 ERCC8 EVC EVC2 F11 FAH FANCA FANCC FKRP FKTN G6PC1 GAA GALT GALK1 GALT GBA GCDH GJB2 GLB1 GLDC GNE GNPTAB GNPTG GRHPR HADHA HBB HEXA HEXB HGSNAT HLCS HMGCL HOGA1 HSD17B4 HYL51 IDUA IVD KCNJ11 LAMA2 LAMA3 LAMB3 LAMC2 LIPA LRPPRC MAN2B1 MCOLN1 MESP2 MKS1 MLC1 MMAA MMAB MMACHC MMUT MPI MPL MTPP MYO7A NAGLU NBN NEB NPC1 NPC2 NPHS1 NPHS2 OPA3 PAH PC PCCA PCCB PCDH15 PEX1 PEX10 PEX12 PEX6 PEX7 PHGDH PKHD1 PMM2 POMGNT1 PPT1 PROP1 PTE RTEL1 SACS SGCA SGCB SGCD SGCG SGSH SLC12A6 SLC17A5 SLC22A5 SLC26A2 SLC26A4 SLC35A3 SLC37A4 SMPD1 STAR SUMF1 TAT TCIRG1 TGM1 TMEM216 TPP1 TTPA USH1C USH2A VPS13B XPA XPC ZFYVE26</p> | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |

| | | | | | | | |
|-----|--------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|-------|----|-----|------|--|--|
| 153 | Pesquisa de Triagem de Portador de Mutações de Doenças Recessivas (identifica mutações previamente descritas e/ou reconhecidamente patogênicas em 165 genes relacionados a doenças autossômicas recessivas) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ABC8 ACADM ACADVL ADA ADAMTS2 AGA AGL AGXT AIRE ALDH3A2 ALDOB ALG6 ALMS1 ALPL AMT ARG1 ARSA ASL ASPA ASS1 ATM ATP7B BBS1 BBS10 BBS12 BBS2 BCKDHA BCKDHB BCS1L BLM BTD CAPN3 CFTR CLN3 CLN5 CLN6 CLN8 CLRN1 COL4A3 COL4A4 CPS1 CPT1A CPT2 CTNS CTSK CYP11B1 CYP27A1 DBT DHCR7 DHDDS DLD DYSF ELP1 ERCC6 ERCC8 EVC EVC2 F11 FAH FANCA FANCC FKRP FKTN G6PC1 GAA GALT GALK1 GALT GBA GCDH GJB2 GLB1 GLDC GNE GNPTAB GNPTG GRHRP HADHA HBB HEXA HEXB HGSNAT HLCS HMGCL HOGA1 HSD17B4 HYL1 IDUA IVD KCN11 LAMA2 LAMA3 LAMB3 LAMC2 LIPA LRPPRC MAN2B1 MCOLN1 MESP2 MKS1 MLC1 MMAA MMAB MMACHC MMUT MPI MPL MTTP MYO7A NAGLU NBN NEB NPC1 NPC2 NPHS1 NPHS2 OPA3 PAH PC PCCA PCCB PCDH15 PEX1 PEX10 PEX12 PEX2 PEX6 PEX7 PHGDH PKHD1 PMM2 PMGNT1 PPT1 PROPI PTS RTEL1 SACS SGCA SGCB SGCD SGCG SGSH SLC12A6 SLC17A5 SLC22A5 SLC26A2 SLC26A4 SLC35A3 SLC37A4 SMPD1 STAR SUMF1 TAT TCIRG1 TGM1 TH TMEM216 TPP1 TTPA USH1C USH2A VPS13B XPA XPC ZFYVE26 | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 154 | Pesquisa de Amiloidose Familiar (sequenciamento do gene TTR) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: TTR | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 155 | Pesquisa de Anticorpos anti John Cunningham Vírus - JCV | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 156 | PESQUISA DE ANTICORPOS ANTINUCLEARES - FAN | EXAME | 12 | 150 | 1800 | | |
| 157 | Pesquisa de Anticorpos Contra Antígenos Celulares em Células HEp-2 - FANHEP2 | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 158 | PESQUISA DE ANTICORPOS ANTI MÚSCULO LISO, ANTICORPOS ANTI-ASMA | EXAME | 2 | 57 | 684 | | |
| 159 | PESQUISA DE ANTICORPOS ANTI-AQUAPORINA 4 (ANTICORPOS IgG - S) | EXAME | 0 | 60 | 720 | | |
| 160 | Pesquisa de Arteriopatia Cerebral (CADASIL - sequenciamento do gene NOTCH3) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: NOTCH3 | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 161 | Pesquisa de Ataxia de Friedreich (expansão FXN) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 162 | Pesquisa de Ataxia Espinocerebelar Tipo 10 (expansão ATXN10/SCA10) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 163 | Pesquisa de Ataxia Espinocerebelar Tipo 3 - Machado-Joseph (expansão ATXN3/SCA3) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 164 | Pesquisa de Ataxia Espinocerebelar Tipo 6 (expansão CACNA1A/SCA6) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 165 | Pesquisa de Ataxia Espinocerebelar Tipo 7 (expansão ATXN7/SCA7) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 166 | Pesquisa de Ataxias Espinocerebelares por Expansões (SCA1, SCA2, SCA3, SCA6) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 167 | Pesquisa de Atrofia Espinhal Progressiva (MLPA de SMN1 e SMN2) - mínimo de Genes Analisados: SMN1 SMN2 | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 168 | Pesquisa de Atrofia Espinhal Progressiva (sequenciamento NGS de SMN1 após MLPA) - mínimo de Genes Analisados: SMN1 | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 169 | PESQUISA DE CELULAS CD16 | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 170 | PESQUISA DE CELULAS CD19 | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 171 | PESQUISA DE CELULAS CD2 | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 172 | PESQUISA DE CELULAS CD3 | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 173 | PESQUISA DE CELULAS CD4 | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 174 | PESQUISA DE CELULAS CD56 | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 175 | PESQUISA DE CELULAS CD8 | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 176 | Pesquisa de Charcot-Marie-Tooth Tipo 1A e HNPP (MLPA de PMP22) - mínimo de Genes Analisados: PMP22 | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 177 | PESQUISA DE CLONE HPN - CD59 | EXAME | 0 | 42 | 504 | | |
| 178 | Pesquisa de Distrofia Miotônica Tipo I - Steinert (expansão DMPK) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 179 | Pesquisa de Distrofia Miotônica Tipo II (expansão CNBP) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 180 | Pesquisa de Distrofia Muscular de Duchenne (MLPA do gene DMD) - mínimo de Genes Analisados: DMD | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 181 | Pesquisa de Doença de Huntington (expansão HTT) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 182 | Pesquisa de Doença de Kennedy (atrofia muscular espinhal e bulbar) (expansão AR) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 183 | Pesquisa de Esclerose Lateral Amiotrófica (ELA) (expansão C9orf72) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: C9orf72 | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 184 | Pesquisa de FISH PARA DELEÇÃO del (6q) em Macroglobulinemia de Waldenström | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 185 | Pesquisa de FISH para deleção/amplificação Leucemia linfocítica crônica: del(17p); TP53; (17p13.1) | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 186 | Pesquisa de FISH PARA EOSINOFILIAS: rearranjos PDGFRa-FIP1L1, PDGFRb-ETV6, PCM1-JAK2, FGFR1-JAK2, FLT3 rearranjos, ETV6 rearranjos. | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 187 | Pesquisa de FISH PARA LLA t(v;11q23), Gene MLL | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 188 | Pesquisa de FISH PARA LNH Difuso de grandes células B: MYC breakapart (ba), MYC/IGH translocation, BCL2/IGH translocation, BCL6 ba and CCND1/IGH translocation | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 189 | Pesquisa de FISH PARA PESQUISA DE HIPERMUTAÇÃO DA IgH (cadeia pesada da imunoglobulina) - SCREENING S | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 190 | Pesquisa de Hiperplasia Adrenal Congênita por Deficiência de CYP21A2 (Seq. + MLPA) - sequenciamento do gene CYP21A2 por Sanger, além da identificação de microdeleções ou microduplicações por MLPA. | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 191 | PESQUISA DE LTA (Leishmaniose Tegumentar Americana) E FUNGOS DE RASPADO | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 192 | Pesquisa de MLPA de ATM (ataxia-telangiectasia ou de câncer hereditário) - mínimo de Genes Analisados: ATM | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 193 | Pesquisa de MLPA de BAP1 (síndrome de predisposição tumoral) - mínimo de Genes Analisados: BAP1 | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 194 | Pesquisa de Pánel de Anemia de Fanconi - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: BRCA1 BRCA2 BRIP1 COX41 ERCC4 FANCA FANCB FANCC FANCD2 FANCE FANCF FANCG FANCI FANCL FANCM MAD2L2 PALB2 RAD51 RAD51C RFWD3 SLX4 UBE2T XRCC2 | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 195 | Pesquisa de Pánel de Anemias Hereditárias - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ABCB7 ABCD4 ABCG5 ABCG8 ACD ADA2 ADH5 AK1 ALAS2 ALDOA AMMECR1 AMN ANK1 APOB ATP11C ATRX BOLA2 BRCA1 BRCA2 BRIP1 CBLIF CD46 CD59 CDAN1 CDIN1 CFB CFH CFI COQ2 COX41 COX42 CPOX CTC1 CUBN DHFR DKC1 DNAJC19 DNAJC21 EFL1 EPB41 EPB42 EPO ERCC4 ERCC6L2 FANCA FANCB FANCC FANCD2 FANCE FANCF FANCG FANCI FANCL FANCM FECH FTCD G6PD GATA1 GCLC GLRX5 GPI GSR GSS HBA1 HBA2 HBB HK1 HMOX1 HSPA9 IREB2 IVD KCNN4 KIF23 KLF1 LARS2 LCAT LMBRD1 LPIN2 MAD2L2 MDM4 MMAA MMAB MMACHC MMADHC MMUT MP1G6B MTHFD1 MTR MTRR MYSM1 NBN NHP2 NOP10 NT5C3A PALB2 PANK2 PARN PCCA PCCB PFKM PGK1 PIEZO1 PKLR PNPO PRF1 PUS1 RACGAP1 RAD51 RAD51C RFWD3 RGL2 RHAG RPL10 RPL10A RPL11 RPL15 RPL18 RPL19 RPL26 RPL27 RPL3 RPL31 RPL34 RPL35 RPL35A RPL5 RPLP0 RPS10 RPS11 RPS14 RPS15A RPS17 RPS19 RPS20 RPS24 RPS26 RPS27 RPS28 RPS29 RPS7 RTEL1 SBDS SC5D SEC23B SLC11A2 SLC19A1 SLC19A2 SLC25A38 SLC2A1 SLC46A1 SLC4A1 SLX4 SPTA1 SPTB SRC SRP54 SRP72 STEAP3 TALDO1 TCN2 TERT TF TERC TGFBI THBD TINF2 TKFC TMRSS6 TP53 TP11 TRNT1 TSR2 UBE2T UMPS UROD UROS VPS13A VPS4A WRAP53 XK XRCC2 YARS2 ZCCHC8 | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |

| | | | | | | | |
|-----|------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|-------|---|----|-----|--|--|
| 196 | Pesquisa de Pannel de Aneurisma Aórtico - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ACTA2 BGN COL1A1 COL1A2 COL3A1 COL5A1 COL5A2 EFEMP2 FBLN5 FBN1 LOX MFAP5 MYH11 MYLK PRKG1 SKI SLC2A10 SMAD3 SMAD6 TGF2 TGF3 TGFBR1 TGFBR2 | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 197 | Pesquisa de Pannel de Arritmias - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: AARS2 ABCC6 ABCC9 ACAD8 ACAD9 ACADVL ACTA1 ACTC1 ACTN2 ADCY5 AGK AGL AHY ALG1 ALG12 ALMS1 ALPK3 ANK2 ANKS6 ARSB ATAD3A ATP5F1E ATPAF2 BAG3 BCS1L BMP2 BOL3A BRAF BSCL2 C1QBP C1QTNF5 CACNA1C CACNB2 CALM1 CALM2 CALM3 CALR3 CAP2 CASQ2 CAV3 CAVIN1 CENPE CEP19 CHKB CLIC2 CLN3 COA5 COA6 COA8 COQ2 COQ4 COX10 COX14 COX15 COX20 COX6B1 COX7B CPT1A CPT2 CRYAB CSRP3 CTNNA3 D2HGDH DCAF8 DES DIP2A DLD DMD DNAJC19 DOLK DPM3 DPP6 DSC2 DSG2 DSP DTNA ECHS1 ELAC2 EMD EPG5 ERBB3 EYA4 FAH FASTKD2 FBXL4 FHL1 FHOD3 FIG4 FKRP FKTN FLAD1 FLNC FNIP1 FOXRED1 FTO FUCA1 FXN GAA GATAD1 GBE1 GJA5 GLA GLB1 GMPBP GNAI2 GNB5 GNPTAB GNS GPC3 GPD1L GSN GTPBP3 GYS1 HADH HADHA HADHB HCCS HCN4 HGSNAT HPS1 HRAS HSD17B10 IDH2 IDUA ITPA JPH2 JUP KCNA5 KCND3 KCNE2 KCNE3 KCNH1 KCNH2 KCNJ2 KCNJ5 KCNQ1 KIF20A LAMA4 LAMP2 LDB3 LIAS LMNA MAP2K1 MAP2K2 MCCC2 MCM10 MGME1 MIB1 MLYCD MMUT MRPL3 MRPL44 MRPS22 MRPS7 MT-TI MTFT MTOT1 MYBPC3 MYH6 MYH7 MYL2 MYL3 MYL4 MYLK2 MYO6 MYOT MYOZ2 MYPN NAGLU NDUFA1 NDUFA10 NDUFA11 NDUFA12 NDUFA2 NDUFA6 NDUFA9 NDUFAF1 NDUFAF2 NDUFAF3 NDUFAF4 NDUFAF5 NDUFAF6 NDUFB10 NDUFB11 NDUFB3 NDUFB8 NDUFB9 NDUFS1 NDUFS2 NDUFS3 NDUFS4 NDUFS6 NDUFS7 NDUFS8 NDUFV1 NDUFV2 NEU1 NEXN NKX2-5 NONO NPFA NRAP NUBPL NUP155 PAM16 PCCA PCCB PET100 PGM1 PHYH PIGT PKP2 PLEKHM2 PLN PMM2 PNPLA2 POLG POMT1 PPCS PPP1R13L PRDM16 PRG4 PRKAG2 PRKARIA PSEN1 PSEN2 PSMB4 PSMB8 PSMB9 RAB3GAP2 RAF1 RBCK1 RBM20 RIT1 RMND1 RPL3L RRAGD RYR2 SCN1B SCN2B SCN3B SCN5A SCO1 SCO2 SDHA SDHAF1 SDHD SELENON SGCA SGCB SGCD SGCG SGSH SHMT2 SHOC2 SLC19A2 SLC22A5 SLC25A20 SLC25A26 SLC25A3 SLC25A4 SLC30A5 SLC6A6 SOD2 SOS1 SPEG SURF1 SYNE1 SYNE2 TACO1 TAF1A TAFAZZIN TANGO2 TAPT1 TBX1 TBX3 TBX5 TCAP TECRL TF TGF3 TIMMDC1 TMEM126A TMEM126B TMEM43 TMEM70 TNNC1 TNN3 TNN3K TNNT2 TOP3A TOR1AIP1 TPM1 TPM3 TRDN TRIT1 TRMT5 TRNT1 TRPM7 TSC1 TSFM TTN TTR TWNK UBR1 UQCERS1 VCL VPS33A WFS1 XK XPNPEP3 YARS2 | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 198 | Pesquisa de Pannel de Ataxias (NGS) (panel inclui a pesquisa a Ataxia-Telangiectasia, Ataxia com Apraxia Oculomotora, entre outras) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ABHD12 AC02 AFG3L2 ANO10 APOB APTX ATCAY ATM ATP8A2 BEAN1 CACNA1A CACNA1G CACNB4 CDC88C CLCN2 CLN5 COQ2 COQ8A CYP27A1 DDC DNMT1 EBF3 ELOVL4 FGF14 FLVCR1 FXN GOSR2 GRM1 ITPR1 KCNA1 KCNC3 KCND3 KCNJ10 KIF1A LAGE3 LAMA1 MRE11 MTTP NPC1 NPC2 NUP107 NUP133 OSSEP PCNA PDS51 PDS2 PDYN PEX7 PHYH PMPCA PNKP PNPLA6 POLG PRKCG PRNP PTF1A RUBCN SACS SCN2A SETX SIL1 SLC1A3 SLC2A1 SPG7 SPTBN2 SYNE1 SYT14 TDP1 TGM6 TP53RK TPP1 TPRKB TTBK2 TTPA TWNK TXN2 VLDLR WDR4 WDR73 WFS1 WWOX | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 199 | Pesquisa de Pannel de Autismo (Transtorno do Espectro Autista (TEA).) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ADNP ANKRD11 ARID1B ASH1L AUTS2 CAMK2A CHD2 CHD8 DDX3X DYRK1A EHMT1 FOXP1 GRIA1 GRIN2B HNRNPH2 KMT2A KMT2C KMT5B MBD5 MECP2 MED12 NAA15 NEXMIF NLGN3 NLGN4X PACS1 POGZ PPM1D PTCHD1 PTEN RPL10 SCN2A SETD2 SHANK1 SHANK2 SHANK3 SYN1 SYNGAP1 TBL1XR1 TBRI TRIO TRIP12 UBE3A | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 200 | Pesquisa de Pannel de Baixa Estatura - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ACAN ADAMTS10 ANKRD11 ATR BRAF CBL CDC8 CDC6 CDT1 CENPJ CEP152 CEP63 CHD7 COL10A1 COL2A1 COL9A1 COL9A2 COMP CREBBP CUL7 FBN1 FGF8 FGFRI FGFRI3 GH1 GHR GHRHR GLI2 GLI3 GNAS HESX1 HRAS IGF1 IGF1R IGF2 IGFALS IHH KRAS LHX3 LHX4 MAP2K1 NPPC NPR2 NRAS OBSL1 ORC1 ORC4 ORC6 OTX2 PAPSS2 PCNT PITX2 POU1F1 PRKARIA PROP1 PTHIR PTPN11 RAF1 RBBP8 SHOC2 SHOX SOS1 SOX3 SOX9 SRCAP STAT5B XRCC4 | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 201 | Pesquisa de Pannel de Câncer Colorretal Hereditário - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: APC ATM AXIN2 BARD1 BLM BMPR1A BRCA1 BRCA2 BRIP1 CDH1 CDK4 CDKN2A CHEK2 EGFR EPCAM FANCC IPMK MBD4 MEN1 MET MLH1 MSH2 MSH3 MSH6 MUTYH NBN NTHL1 PALB2 PMS2 POLD1 POLE PTEN RABL3 RAD51C RAD51D RECQL RET RNF43 RPS20 SMAD4 STK11 TP53 | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 202 | Pesquisa de Pannel de Câncer de Mama e Ovário Hereditários - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: APC ATM BAP1 BARD1 BLM BMPR1A BRCA1 BRCA2 BRIP1 CDH1 CDK4 CDKN2A CHEK2 EGFR EPCAM FANCC FANCM MEN1 MET MLH1 MSH2 MSH3 MSH6 MUTYH NBN NTHL1 PALB2 PMS2 POLD1 POLE PTEN RAD51C RAD51D RECQL RET STK11 TP53 | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 203 | Pesquisa de Pannel de Colestase Crônica - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ABCB1 ABCB4 ATP8B1 CFTR JAG1 KIF12 LSR MYO5B NR1H4 PPM1F SERPINA1 TJP2 USP53 VIPAS39 VPS33B WDR830S | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 204 | Pesquisa de Pannel de Demências e Parkinson - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ABCD1 APP ARSA ATP13A2 ATP1A3 ATP7B CHMP2B CSF1R CYP27A1 CDTN1 DNAJC6 EIF4G1 FBX07 FUS GALT GBA GCH1 GFAP GLA GRN HEXA HTRA2 ITM2B LMNB1 LRRK2 MAPT NOTCH3 NPC1 NPC2 PANK2 PARK7 PINK1 PLA2G6 PNKD POLG PPT1 PRKN PRKRA PRNP PRRT2 PSAP PSEN1 PSEN2 SGCE SLC2A1 SLC6A3 SNCA SPG11 SPR SQSTM1 TARDBP TH TMAP1 TOR1A TREM2 TYROBP UBQLN2 UCHL1 VCP VPS35 | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 205 | Pesquisa de Pannel de Diabetes Monogênico (Maturity-Onset Diabetes of the Young - MODY) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ABCC8 APPL1 CEL EIF2AK3 GATA6 GCK HNF1A HNF1B HNF4A INS KCNJ11 KLF11 NEUROD1 NEUROG3 PDX1 PLAGL1 PTF1A RFX6 SH2B1 SLC19A2 SLC2A2 WFS1 ZFP57 | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 206 | Pesquisa de Pannel de Discinesia Ciliar Primária - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: CCDC103 CCDC39 CCDC40 CCDC65 CCNO CFAP298 CFAP300 DNAAF1 DNAAF11 DNAAF2 DNAAF3 DNAAF4 DNAAF5 DNAAF6 DNAH1 DNAH11 DNAH5 DNAI1 DNAI2 DNAJB13 DNAL1 DRC1 GAS8 HYDIN NME8 ODAD1 ODAD2 ODAD3 ODAD4 RSPH1 RSPH3 RSPH4 RSPH9 SPAG1 ZMYND10 | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 207 | Pesquisa de Pannel de Dislipidemias - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: APOB LDLR LDLRAP1 PCSK9 | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 208 | Pesquisa de Pannel de Distonias - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ADCY5 ANO3 ARG1 ARSA ATM ATP1A3 ATP7B CACNA1B COL6A3 CP GCDH GCH1 GNAL HPRT1 KCNMA1 KCTD17 MRE11 PANK2 PCNA PLA2G6 PNKD PRKN PRKRA PRRT2 RELN SGCE SLC2A1 SLC6A3 SPR TAF1 TH TMAP1 TIMM8A TOR1A TUBB4A WDR45 | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 209 | Pesquisa de Pannel de Distrofias Musculares, Miopatias e Miastenia - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ACTA1 AGRN ANO5 B3GALNT2 B4GAT1 BAG3 BIN1 CAPN3 CAV3 CFL2 CHAT CHKB CHRNA1 CHRN1B CHRN1D CHRN1E CNTN1 COL6A1 COL6A2 COL6A3 COLQ CPT2 CRYAB DAG1 DES DMD DNAJB6 DNM2 DOK7 DPAGT1 DPM1 DPM3 DYSF EMD FHL1 FKRP FKTN FLNC GAA GFTT1 GMPBP GNE HNRNPA1 HNRNPA2B1 IGHMBP2 ITGA7 KBTBD13 LAMA2 LARGE1 LDB3 LMNA MAGEL2 MATR3 MTM1 MUSK MYH7 MYL2 MYOT NEB ORAI1 PABPN1 PLEC PNPLA2 POMGNT1 POMGNT2 POMK POMT1 POMT2 PYGM RAPSN RXYLT1 RYR1 SELENON SGCA SGCB SGCD SGCG SQSTM1 STIM1 TCAP TGFBI TIA1 TK2 TNNT1 TPM2 TPM3 TRIM32 TTN VCP VMA21 YARS2 | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 210 | Pesquisa de Pannel de Distúrbios da Coagulação - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ACTN1 ANO6 AP3B1 ARPC1B BLOC1S3 COL4A1 COL4A2 DTNBP1 F10 F11 F12 F13A1 F13B F2 F5 F7 F8 F9 FGA FGB FGG FLI1 GF11B GGXC GP1BA GP1BB GP6 GP9 HPS1 HPS3 HPS4 HPS5 HPS6 ITGA2 ITGA2B ITGB3 LMAN1 MCFD2 NBEAL2 P2RY12 PLA2G4A PLAT PLAU PRKACG RASGRP2 SERPIND1 SLFN14 TBXA2R TBXAS1 VKORC1 VWF | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 211 | Pesquisa de Pannel de Distúrbios da Função Renal - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: AGXT AQP2 ATP6V0A4 ATP6V1B1 AVPR2 BSND CLCNKA CLCNKB CLDN16 CLDN19 CNNM2 CTNS GLA GRHR HOGA1 KCNJ1 SCNN1A SCNN1B SCNN1G SLC12A1 SLC12A3 SLC4A4 TRPM6 | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |

| | | | | | | | |
|-----|------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|-------|---|----|-----|--|--|
| 212 | Pesquisa de Pannel de Doença Policística Renal - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: DNAJB11 DZIP1L GANAB NOTCH2 PKD1 PKD2 PKHD1 | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 213 | Pesquisa de Pannel de Doenças Auto-inflamatórias - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ADAM17 ARPC1B CARD11 CD55 EGFR FOXP3 IL10RA IL10RB IL1RN IL36RN ITCH LPIN2 MEFV MVK NLRCA4 NLRP12 NLRP3 NOD2 PLCG2 PSTPIP1 TNFAIP3 TNFRSF1A | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 214 | Pesquisa de Pannel de Doenças da Córnea - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ADAMTS18 AGBL1 ARL2 CFD CHRDL1 CHST6 COL8A2 CRIM1 DCN GRHL2 KERA KRT12 KRT3 LTBP2 NLRP1 OVOL2 PIKFYVE PITX2 PLCB3 PRDM5 PXDN SLC16A12 SLC4A11 TACSTD2 TGFB1 UBIAD1 ZEB1 ZNF469 | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 215 | Pesquisa de Pannel de Doenças Mitocondriais (DNA Nuclear e Mitocondrial) - Pannel de Doenças Mitocondriais (DNA Nuclear e Mitocondrial) analisa, através da técnica de NGS, genes relacionados à doenças mitocondriais - mínimo de Genes Analisados: AARS2 ACAD9 AIFM1 ATP5F1A ATP5F1E ATPAF2 BCS1L BOLA3 C1QBP CARS2 CHCHD10 COA8 COX10 COX14 COX15 COX20 COX6B1 CYC1 DARS2 DDC DGUOK DNA2 EARS2 ECHS1 ELAC2 FARS2 FASTKD2 FBX14 FDX2 FDXR FOXR21 GFER GFM1 GTPBP3 HADHA HADHB IBA57 ISCA1 ISCA2 ISCU LIAS LIPT2 LRPPRC LYRM4 LYRM7 MARS2 MGME1 MICOS13 MPC1 MPV17 MRPL3 MRPL44 MRPS16 MRPS2 MRPS22 MRPS34 MRPS7 MSTO1 MT-ATP6 MT-ATP8 MT-CO1 MT-CO2 MT-CO3 MT-CYB MT-ND1 MT-ND2 MT-ND3 MT-ND4 MT-ND4L MT-ND5 MT-ND6 MT-TA MT-TC MT-TD MT-TE MT-TF MT-TG MT-TH MT-TI MT-TK MT-TL1 MT-TL2 MT-TM MT-TN MT-TP MT-TQ MT-TR MT-TS1 MT-TS2 MT-TV MT-TW MT-TY MTFMT MTO1 MTRFR NARS2 NDUFA1 NDUFA10 NDUFA11 NDUFA12 NDUFA2 NDUFA9 NDUFAF1 NDUFAF2 NDUFAF3 NDUFAF4 NDUFAF5 NDUFAF6 NDUFB3 NDUFB8 NDUFB9 NDUFS1 NDUFS2 NDUFS3 NDUFS4 NDUFS6 NDUFS7 NDUFS8 NDUFV1 NDUFV2 NFU1 NUBPL OPA1 PCK2 PET100 PNPLA8 PNPT1 POLG POLG2 PUS1 RMND1 RNASEH1 RRM2B SCO1 SDHA SDHAF1 SDHD SFXN4 SLC25A26 SLC25A3 SLC25A4 SLC2A4 SUCLG1 SUOX SURF1 TACO1 TANGO2 TARS2 TIMMDC1 TK2 TMEM126B TMEM70 TRIT1 TRMT10C TRMT5 TSFM TTC19 TUFM TWNK TXN2 TYMP UQC22 UQC3 UQCRB UQCR2 UQCRQ VARS2 WARS2 YARS2 | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 216 | Pesquisa de Pannel de Doenças Tratáveis - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ABCB11 ABCB4 ABCC8 ABCD1 ABCD4 ABCG5 ABCG8 ACAD8 ACADM ACADVL ACAT1 ADA ADAMTS13 AGL AICDA AK2 AKR1D1 ALAD ALAS2 ALDH7A1 ALDOA ALDOB ALPL AMACR AMT APOA5 APOC2 AQP2 ARG1 ARSA ARSB ASL ASS1 ATP6V0A4 ATP6V1B1 ATP7A ATP7B ATP8B1 AVPR2 BAAT BCKDHA BCKDHB BCKDK BCL10 BLNK BSND BTB BTK CA5A CAD CARD11 CASR CD247 CD320 CD3D CD3E CD3G CD40 CD40LG CD79A CD79B CDCA8 CFTR CIC CIITA CLCNKA CLCNKB CLDN16 CLDN19 CNM2 COL1A1 COL1A2 CORO1A CPOX CPS1 CPT1A CPT2 CTNS CTPS1 CXCR2 CXCR4 CYBA CYBB CYBC1 CYP11B1 CYP11B2 CYP17A1 CYP27A1 CYP27B1 CYP2R1 CYP7A1 CYP7B1 DBT DCLRE1C DDC DGAT1 DHFR DLD DMD DNAJC12 DNAJC21 DOCK2 DUOX2 DUOX2A EFL1 ELANE ETFA ETFB ETFDH ETHE1 F8 F9 FAH FBPI FCHO1 FECH FGA FLAD1 FOLR1 FOXE1 FOXN1 FOXP3 G6PC1 G6PC3 G6PD GAA GALT GALK1 GALK1 GALT GALS GALT GAMT GATA2 GATM GBA GBE1 GBP1 GCDH GCH1 GCK GCSH GF11 GGCX GJB2 GJB6 GLA GLB1 GLDC GLIS3 GLRA1 GLRB GLUD1 GOT2 GPIHBP1 GUSB GYS1 GYS2 HADH HADHA HADHB HAX1 HBB HCFC1 HESX1 HLCS HMBS HMGCL HMGCS2 HPD HSD3B2 HSD3B7 HYOU1 IDS IDUA IFNGR1 IFNGR2 IGLL1 IGSF1 IKKBK IL12B IL2RB1 IL2RA IL2RG IL7R INS INSR IRF8 IRS4 IVD IYD JAGN1 JAK3 KCNJ1 KCNJ11 LAT LCK LCT LDHA LHX3 LHX4 LIPA LMBRD1 LMF1 LPL MAGT1 MALT1 MAN2B1 MAP3K14 MC2R MCEE MLYCD MMAA MMAB MMACHC MMADHC MMUT MOCS1 MPI MPL MPO MRAP MTHFR MTR MTRR MTPP MYD88 MYH9 NAGLU NAGS NCF2 NCF4 NEUROG3 NHEJ1 NKX2-1 NKX2-5 NNT NPC1 NPC2 NR0B1 ORAI1 OTC OTX2 OXCT1 PAH PAX8 PC PCBD1 PCCA PCCB PCK1 PDXK PFKM PGAM2 PGM1 PHEX PHGDH PHKA1 PHKA2 PHKB PHKG2 PIK3R1 PLPBP PNP PNPO POU1F1 PPOX PRF1 PRKDC PROP1 PSAT1 PSPH PTPRC PTS PYGL PYGM QDPR RAC2 RAG1 RAG2 RASGRP1 RB1 RFX5 RFXANK RFXAP RORC SBDS SCNN1A SCNN1B SCNN1G SSGH SH2D1A SI SLC12A1 SLC16A1 SLC19A1 SLC19A2 SLC19A3 SLC22A5 SLC25A15 SLC25A19 SLC25A20 SLC26A3 SLC26A4 SLC26A7 SLC27A5 SLC2A1 SLC2A2 SLC2A3 SLC37A4 SLC39A4 SLC46A1 SLC52A2 SLC52A3 SLC5A1 SLC5A5 SLC5A6 SLC6A5 SLC6A6 SLC7A7 SLC7A9 SMN1 SMPD1 SORD SPR SRP54 STAR STAT1 STX11 STXBP2 TANGO2 TAP1 TAP2 TAPBP TAT TBL1X TCN2 TFRC TG TH THAP11 THRA TJP2 TK2 TPST1 TPO TTP1 TRH TRHR TRPM6 TSHB TSHR TTPA TUBB1 UGT1A1 UNC13D UNG UROD UROS USP53 VDR VKORC1 VPS45 WAS WIPF1 XIAP ZAP70 ZNF143 | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 217 | Pesquisa de Pannel de Endocrinopatias Neonatais - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ABCC8 CYP11B1 CYP17A1 DUOX2 GCK GLIS3 GLUD1 HADH INSR IYD KCNJ11 LHX4 NR0B1 PAX8 POU1F1 PROP1 SLC16A1 SLC2A2 SLC5A5 TG THRA THRB TPO TSHB | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 218 | Pesquisa de Pannel de Epidermólise Bolhosa - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: CAST CD151 CDSN CHST8 COL17A1 COL7A1 CSTA DSP DST EXPH5 FERMT1 FLG2 ITGA3 ITGA6 ITGB4 KLHL24 KRT14 KRT5 LAMA3 LAMB3 LAMC2 MMP1 PLEC SERPINB8 TGM5 | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 219 | Pesquisa de Pannel de Epilepsias - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: AARS1 ACER3 ADAM22 ADGRV1 ADRA2B ADRL AIMP2 ALDH7A1 ALG13 AMT AP3B2 ARHGEF9 ARV1 ARX ASAH1 ATP13A2 ATP1A2 ATP1A3 ATP6V1A ATP7A ATP8A2 BRAF BRAT1 BSLC2 CACNA1A CACNA1D CACNA1E CACNB4 CAMK2A CASK CASR CCDC88A CDK5 CDKL5 CERS1 CHD2 CHRNA2 CHRNA4 CHRN2B CILK1 CLCN2 CLDN5 CLN3 CLN5 CLN6 CLN8 CLTC CNM2 CNPY3 CNTN2 CNTNAP2 CPA6 CPLX1 CSTB CTSD CYFIP2 DCX DDC DEAF1 DENND5A DEPD5 DHDDS DIAPH1 DIP2A DLAT DNAJC5 DNMI DOCK7 EEF1A2 EIF2S3 EMX2 EPM2A EXT2 FOLR1 FOXG1 FRRS1L GABBR2 GABRA1 GABRA2 GABRA3 GABRA5 GABRB1 GABRB2 GABRB3 GABRG2 GAMT GATM GBA GCSH GLDC GNAO1 GOSR2 GPA1 GRIA4 GRIN1 GRIN2A GRIN2B GRIN2D GRN HACE1 HCN1 HECW2 HEXA HEXB HNRNPU IER3IP1 IQSEC2 ITPA KANSL1 KATNB1 KCNA1 KCNA2 KCNB1 KCNC1 KCNJ10 KCNMA1 KCNQ2 KCNQ3 KCNT1 KCNT2 KCTD17 KCTD3 KCTD7 LAMB1 LGI1 LIAS LMNB2 MBD5 MDH2 MECP2 MED17 MEF2C MFSD8 MOCS1 MOCS2 NACC1 NDE1 NECAP1 NHLRC1 NPC1 NPC2 NPLR2 NPLR3 NR4A2 NRXN1 NTRK2 NUS1 OTUD6B PACS2 PAFAH1B1 PCDH12 PCDH19 PDHA1 PDHX PDP1 PIGA PIGC PIGN PIGP PIGT PLAA PLCB1 PLPBP PNKP PNPO POLG POLG2 PPP3CA PPT1 PRDM8 PRICKLE1 PRICKLE2 PRRT2 PTPN23 QARS1 RAB11A RBFOX1 RELN RHOBTB2 ROGDI RORB RPH3A RTN4IP1 RTTN SARS1 SCAR2 SCN1A SCN1B SCN2A SCN3A SCN8A SGCE SHH SIX3 SLC12A5 SLC13A5 SLC25A22 SLC2A1 SLC35A3 SLC45A1 SLC6A1 SLC6A8 SLC6A9 SLC9A6 SMC1A SMS SNAP25 SNIP1 SPATA5 SPTAN1 SRPX2 ST3GAL3 ST3GAL5 STRADA STX1B STXBP1 SUOX SYN1 SYNGAP1 SYNJ1 SZT2 TBC1D24 TBCD TCF4 TMTC3 TPP1 TRIO TSC1 TSC2 TUBA1A UBA5 UBE3A UFC1 UFM1 VARS1 VRK2 WASF1 WDR45B WWOX YWHAG ZEB2 | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 220 | Pesquisa de Pannel de Esclerose Tuberosa - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: TSC1 TSC2 | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 221 | Pesquisa de Pannel de Feocromocitoma e Paraganglioma - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: MAX NF1 RET SDHA SDHAF2 SDHB SDHC SDHD TMEM127 VHL | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 222 | Pesquisa de Pannel de Hemocromatose - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: CP HAMP HFE HJV SLC40A1 TFR2 | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 223 | Pesquisa de Pannel de Hemofílias A e B - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: F8 F9 | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 224 | Pesquisa de Pannel de Ictiose e Displasia Ectodérmica - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ABCA12 ABHD5 ALDH3A2 ALOX12B ALOXE3 AP1S1 CDH1 CDH3 CLDN1 COG6 CSTA CYP4F22 DLX3 EDA EDAR EDARADD ELOVL4 ERCC2 FLG GJA1 GJB2 GJB6 GRHL2 HOXC13 HR IFT122 ITPR2 JUP KDF1 KREMEN1 KRT1 KRT10 KRT14 KRT2 KRT74 KRT85 LIPN LORICRIN MBTPS2 MSX1 NECTIN1 NECTIN4 NFKB1A NIPAL4 NLRP1 PKP1 PNPLA1 POMP PRKD1 SLC27A4 SMARCA1 SNAP29 ST14 STS TGM1 TP63 TWIST2 WNT10A | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 225 | Pesquisa de Pannel de Imunodeficiências (Principais Genes) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ADA AICDA BLNK BTK CD247 CD3D CD3E CD3G CD40 CD40LG CD79A CD79B CHTA CYBA CYBB DCLRE1C ELANE FOXN1 FOXP3 G6PC3 GATA2 GF11 HAX1 IFNGR1 IFNGR2 IGLL1 IL12RB1 IL2RG IL7R JAK3 LRRCA8 MAGT1 MPO MYD88 NCF2 NCF4 NHEJ1 ORAI1 PNP PRF1 PTPRC RAC2 RAG1 RAG2 RFX5 RFXANK RFXAP SH2D1A STAT1 STX11 STXBP2 TAP1 TAP2 TAPBP UNC13D UNG WAS WIPF1 XIAP | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |

| | | | | | | | |
|-----|-----------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|-------|---|----|-----|--|--|
| 226 | Pesquisa de Pannel de Imunodeficiências e Doenças Imunológicas (Completo) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: A2ML1 ABCD4 ACD ACP5 ADA ADA2 ADAM17 ADNP AGA AICDA AIRE AK2 ALG1 ALG12 AP3B1 ARPC1B ATM B2M BCL10 BCL11B BLM BLNK BRCA1 BRCA2 BRIPI BTK BUB1B C1QA C1QB C1QC C1R C1S C2 C3 C5 C6 C7 C8A C8B CARD11 CARD9 CASP10 CASP8 CAVIN1 CCBE1 CCDC103 CCDC39 CCDC40 CCDC65 CCNO CD19 CD247 CD27 CD3D CD3E CD3G CD40 CD40LG CD55 CD59 CD79A CD79B CD81 CD8A CDCA7 CDSN CEBPE CFAP298 CFAP300 CFAP418 CFB CFD CFH CFI CFP CHAMP1 CHD1 CHD7 CIITA CLEC7A CLPB COG6 COG7 CORO1A CPN1 CR2 CREBBP CRIPT CSF3R CTC1 CTLLA4 CTPS1 CXCR4 CYBA CYBB DCLRE1C DEAF1 DHFR DKC1 DNAAF1 DNAAF11 DNAAF2 DNAAF3 DNAAF4 DNAAF5 DNAAF6 DNAH1 DNAH11 DNAH5 DNAI1 DNAI2 DNAJC21 DNAL1 DNASE1L3 DNMT3B DOCK2 DOCK8 DRC1 DSG1 EFL1 EGFR ELANE ELP1 EPG5 ERCC2 ERCC4 ERCC6L2 ETV6 EXTL3 F12 FADD FANCA FANCB FANCC FANCD2 FANCE FANCF FANCG FANCI FANCL FANCM FAS FASLG FAT4 FBXL4 FCGR3A FCN3 FERMT3 FMO3 FOXN1 FOXP3 G6PC3 GALNS GAS8 GATA1 GATA2 GF11 GSS GTF2H5 HAX1 HELLS HGSNAT HTR1A HYDIN ICOS IFIH1 IFNGR1 IFNGR2 IGHM IGKC IGLL1 IKBKB IKZF1 IL10RA IL10RB IL12B IL12RB1 IL17F IL17RA IL17RC IL1RN IL21 IL21R IL2RA IL2RG IL36RN IL7R IRAK4 IRF2BP2 IRF7 IRF8 ISG15 ITCH ITGB2 ITK IVD JAGN1 JAK3 KMT2D KRAS LAMTOR2 LAT LCK LEP LIG4 LPIN2 LRBA LRRCA8 LYST MAD2L2 MAGT1 MALT1 MAN2B1 MANBA MC2R MCM4 MEFV MGP MMAA MMAB MMACHC MMUT MOGS MPL MPO MS4A1 MSN MTHFD1 MVK MYD88 NBN NCF2 NCF4 NFASC NFE2L2 NFKB1 NFKB2 NFKBIA NGF NHEJ1 NHP2 NLR4 NLRP12 NLRP3 NME8 NOD2 NOP10 NRAS NSMCE3 ODAD1 ODAD2 ODAD3 ODAD4 ORA1 OXCT1 PALB2 PARN PCCA PCCB PEPD PGM3 PIK3CD PIK3R1 PLCG2 PMM2 PNP POLA1 POLD PPP1R21 PRF1 PRKCD PRKDC PSTPIP1 PTPRC RAB27A RAC2 RAD50 RAD51 RAD51C RAG1 RAG2 RASGRP1 RBCK1 RBM8A RELB RFWD3 RFX5 RFXANK RFXAP RNF113A RNF168 RNF31 RORC RPL11 RPL15 RPL18 RPL26 RPL35A RPL5 RPS10 RPS17 RPS19 RPS24 RPS26 RPS28 RPS29 RPS7 RPSHA RSPH1 RSPH3 RSPH4A RSPH9 RTEL1 SAMD9 SAMD9L SAMHD1 SBDS SCNN1B SCNN1G SDCCAG8 SEMA3E SERAC1 SERPING1 SGPL1 SH2D1A SKIV2L SLC35A1 SLC35A2 SLC35C1 SLC37A4 SLC39A8 SLC39A8 SLC46A1 SLK SLX4 SMARCAL1 SMARCD2 SNAI2 SP110 SPAG1 SPATA5 SPINK5 SRP72 STAT1 STAT2 STAT3 STAT5B STIM1 STING1 STK4 STN1 STX11 STXBP2 TAFAZZIN TALDO1 TAP1 TAP2 TAPBP TBCE TBX1 TBXAS1 TCN2 TERT TFRC TGF3B TINF2 TNFAIP3 TNFRSF13B TNFRSF13C TNFRSF14 TP11 TRAC TRAF3IP2 TRNT1 TSER1 TSR2 TTC37 TTC7A TYK2 UBE2T UMPS UNC119 UNC13D UNG USB1 VIPAS39 VPS13B VPS33B VPS45 WAS WIPF1 WRAP53 XIAP XRCC2 ZAP70 ZBTB24 ZMYND10 | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 227 | Pesquisa de Pannel de Infertilidade Masculina - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: AK7 ARM2C AURKC CATSPER1 CATSPER2 CDC14A CEP19 CFAP251 CFAP43 CFAP44 CFAP69 CFTR DNAH1 DNAH6 DPFY19L2 FANCM FSIP2 KLHL10 MEIOB NANOS1 NR5A1 PMFBP1 QRICH2 SLC26A8 SOHLH1 SOX8 SPATA16 SPINK2 SUN5 SYCP3 TDRD9 TEX11 TEX14 TEX15 TSGA10 USP9Y XRCC2 | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 228 | Pesquisa de Pannel de Leucodistrofias - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: AARS2 ABCD1 ACOX1 ADAR AIMP1 ALDH3A2 ARSA ASPA ATP7A ATP7B ATPAF2 BCAP31 BCS1L CLCN2 COL4A1 COQ2 COQ8A COQ9 COX10 COX15 CSF1R CYP27A1 CYP2U1 CYP7B1 D2HGDH DARS1 DARS2 DGUOK EARS2 EIF2B1 EIF2B2 EIF2B3 EIF2B4 EIF2B5 ERCC2 ERCC3 ERCC6 ERCC8 ETFDH FA2H FAM126A FGA1 GALT GBE1 GFAP GFM1 GJA1 GJC2 GLA GLB1 GM2A GTF2H5 HEPACAM HEXA HEXB HSD17B4 HSPD1 HTRA1 L2HGDH LAMA2 LMNB1 MCOLN1 MLC1 MPLKIP MRPS16 MTFMT NDUFAF1 NDUFS1 NDUFS2 NDUFS4 NDUFS7 NDUFS8 NDUFV1 NOTCH3 NPC1 NPC2 OCLN OCRL PEX1 PEX10 PEX11B PEX12 PEX13 PEX14 PEX16 PEX19 PEX2 PEX26 PEX3 PEX5 PEX6 PEX7 PHGDH PHYH PLP1 POLG POLG2 POLR3A POLR3B PPT1 PRF1 PSAP PSAT1 RNASEH2A RNASEH2B RNASEH2C RNASET2 RRM2B SAMHD1 SCO1 SCP2 SDHA SDHAF1 SDHB SLC16A2 SLC17A5 SLC25A1 SLC25A12 SLC25A4 SOX10 SPART SPAST SPG11 SPG21 SPG7 STX11 STXBP2 SUCLA2 SUMF1 SURF1 TACO1 TREX1 TUBB4A TUFM TWNK TYMP TYROBP UNC13D ZFYVE26 | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 229 | Pesquisa de Pannel de Miocardiopatias - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: AARS2 ABC6 ABC9 ACAD8 ACAD9 ACADVL ACTA1 ACT1 ACTN2 ADCY5 AGK AGL AHY ALG1 ALG12 ALMS1 ALPK3 ANK2 ANKS6 ARSB ATAD3A ATP5F1E ATPAF2 BAG3 BCS1L BMP2 BOL43 BRAF BSCL2 C1QBP C1QTNF5 CACNA1C CACNB2 CALM1 CALM2 CALM3 CALR3 CAP2 CASQ2 CAV3 CAVIN1 CENPE CEP19 CHKB CLIC2 CLN3 COA5 COA6 COA8 COQ2 COQ4 COX10 COX14 COX15 COX20 COX6B1 COX7B CPT1A CPT2 CRYAB CSRP3 CTNNA3 D2HGDH DCAF8 DES DIP2A DLD DMD DNAJC19 DOLK DPM3 DPP6 DSC2 DSG2 DSP DTNA ECHS1 ELAC2 EMD EPG5 ERBB3 EYA4 FAH FASTKD2 FBXL4 FHL1 FHOD3 FIG4 FKRP FKTN FLAD1 FLNC FNIP1 FOXRED1 FTO FUCA1 FXN GAA GATAD1 GBE1 GJA5 GLA GLB1 GMPPB GNAI2 GNB5 GNPTAB GNS GPC3 GPD1L GSN GTPBP3 GYS1 HADH HADHA HADHB HCCS HCN4 HGSNAT HPS1 HRAS HSD17B10 IDH2 IDUA ITPA JPH2 JUP KCNA5 KCND3 KCNE2 KCNE3 KCNH1 KCNH2 KCNJ2 KCNJ5 KCNQ1 KIF20A LAMA4 LAMP2 LDB3 LIAS LMNA MAP2K1 MAP2K2 MCCC2 MCM10 MGME1 MIB1 MLYCD MMUT MRPL3 MRPL44 MRPS22 MRPS7 MT-TI MTFMT MTO1 MYBPC3 MYH6 MYH7 MYL2 MYL3 MYL4 MYLK2 MYO6 MYOT MYOZ2 MYPN NAGLU NDUFA1 NDUFA10 NDUFA11 NDUFA12 NDUFA2 NDUFA6 NDUFA9 NDUFAF1 NDUFAF2 NDUFAF3 NDUFAF4 NDUFAF5 NDUFAF6 NDUFB10 NDUFB11 NDUFB3 NDUFB8 NDUFB9 NDUFS1 NDUFS2 NDUFS3 NDUFS4 NDUFS6 NDUFS7 NDUFS8 NDUFV1 NDUFV2 NEU1 NEXN NKX2-5 NONO NPAA NRAP NUBPL NUP155 PAM16 PCCA PCCB PET100 PGM1 PHYH PIGT PKP2 PLEKHM2 PLN PMM2 PNPLA2 POLG POMT1 PPCS PPP1R13L PRDM16 PRG4 PRKAG2 PRKARIA PSEN1 PSEN2 PSMB4 PSMB8 PSMB9 RAB3GAP2 RAF1 RBCK1 RBM20 RIT1 RMND1 RPL3L RRAGD RYR2 SCN1B SCN2B SCN3B SCN5A SCO1 SCO2 SDHA SDHAF1 SDHD SELENON SGCA SGCB SGCD SGCG SGSH SHMT2 SHOC2 SLC19A2 SLC22A5 SLC25A20 SLC25A26 SLC25A3 SLC25A4 SLC30A5 SLC6A6 SOD2 SOS1 SPEG SURF1 SYNE1 SYNE2 TACO1 TAF1A TFAZZIN TANGO2 TAPT1 TBX1 TBX3 TBX5 TCAP TECRL TF TGF3B TIMMDC1 TMEM126A TMEM126B TMEM43 TMEM70 TNNC1 TNNI3 TNNI3K TNNT2 TOP3A TOR1AIP1 TPM1 TPM3 TRDN TRIT1 TRMT5 TRNT1 TRPM7 TSC1 TSFM TTN TTR TWNK UBR1 UQCERS1 VCL VPS33A WFS1 XK XPNPEP3 YARS2 | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 230 | Pesquisa de Pannel de Neoplasias Endócrinas - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: APC ATM BAP1 BARD1 BLM BMP1A1 BRCA1 BRCA2 BRIPI CDH1 CDK4 CDKN2A CHEK2 DICER1 EGFR EPCAM FANCC FANCM FH FLCN IPMK MEN1 MET MLH1 MSH2 MSH6 MUTYH NBN NTHL1 PALB2 PMS2 POLD1 POLE PTEN RAD51C RAD51D RECQL RET STK11 TP53 VHL | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 231 | Pesquisa de Pannel de Neurofibromatose - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: NF1 NF2 SPRED1 | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 232 | Pesquisa de Pannel de Neuropatias - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: AAAS AARS1 ABHD12 AIFM1 APIS1 ATL1 ATL3 ATP1A1 ATP7A BSCL2 CCT5 COA7 COX6A1 CTDPI1 DCAF8 DHH DHTKD1 DMXL2 DNAJB2 DNM2 DNMT1 DST DYNCH1H1 EGR2 ELP1 EXOC4 FBLN5 FGD4 FIG4 GAN GARS1 GBE1 GDAP1 GJB1 GNB4 GSN HARS1 HINT1 HK1 HSPB1 HSPB8 IARS2 IGHMBP2 INF2 JPH1 KARS1 KIF1A KIF1B KLC2 LITAF LMNA LRSAM1 MARS1 MCM3AP MED25 MFN2 MORC2 MPZ MTR2 MTRFR MYH14 NAGLU NDRG1 NEFH NEFL NGF OPA1 PDK3 PLEKHG5 PMP22 POLG PRDM12 PRPS1 PRX RAB7A RETREG1 RNF170 SBF1 SBF2 SCN10A SCN11A SCN9A SCO2 SCP2 SH3TC2 SIGMAR1 SLC12A6 SLC25A46 SNAP29 SOX10 SPG11 SPTBN4 SPTLC1 SPTLC2 SURF1 TBCE TDP1 TFG TRIM2 TRPV4 TTR VCP WNK1 YARS1 | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 233 | Pesquisa de Pannel de Pancreatites - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: APOA5 APOC2 CFTR CTRC GPIHBP1 LMF1 LPL PRSS1 SPINK1 | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 234 | Pesquisa de Pannel de Paraplegias Espásticas e Esclerose Lateral Amiotrófica - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ABCD1 ALS2 ANG AP4B1 AP4E1 AP4M1 AP4S1 AP5Z1 ARG1 ATL1 BSCL2 CHMP2B CYP7B1 DYNCH1H1 ERBB4 ERLIN2 FA2H FIG4 FUS GARS1 GJC2 HSPB1 HSPB8 HSPD1 IGHMBP2 KIF1A KIF5A LICAM MATR3 MTRFR NEK1 NIPA1 OPTN PARK7 PFN1 PLP1 PNPLA6 REEP1 RNF170 RTN2 SACS SETX SIGMAR1 SLC33A1 SOD1 SPART SPAST SPG11 SPG21 SPG7 SQSTM1 TARDBP TBK1 TP73 TRPV4 UBQLN2 VAPB VCP WASHC5 ZFYVE26 | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |

| | | | | | | | |
|-----|---------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|-------|---|----|-----|--|--|
| 235 | Pesquisa de Pannel de Retinopatias Hereditárias - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ABCA4 ABCB5 ABCC6 ABCD1 ABHD12 ACO2 ADAM9 ADGRV1 AGBL5 AH11 AHR AIPL1 ALMS1 ALPK1 AMACR ARFGAP2 ARHGEF18 ARL13B ARL2BP ARL6 ARSG ASRGL1 ATF6 B9D1 B9D2 BBP1 BBS1 BBS10 BBS12 BBS2 BBS4 BBS5 BBS7 BBS9 BEST1 C1QTNF5 CA4 CABP4 CACNA1F CACNA2D4 CASK CC2D2A CDH23 CDH3 CDHR1 CEP250 CEP290 CEP41 CEP78 CERKL CFP410 CFH CHM CISD2 CLCC1 CLN3 CLN5 CLN6 CLN8 CLRN1 CNGA1 CNGA3 CNGB1 CNGB3 CNNM4 COL18A1 COL9A3 CPLANE1 CRB1 CROCC CRX CTNNA1 CTSD CWC27 CYP4V2 DHDDS DHX38 DNAJC17 DNAJC5 DYNC2H1 EFEMP1 ELOVL4 ESPN EXOSC2 EYS FAM161A FLVCR1 FRMD7 FSCN2 FZD4 GDF6 GJB2 GJB6 GNAT1 GNA7G GNP7G GPR143 GPR179 GRK1 GRM6 GRN GUCA1A GUCA1B GUCY2D HGSNAT HK1 HMCN1 HMX1 IDH3A IDH3B IFT140 IFT172 IFT27 IFT43 IGFBP7 IMPDH1 IMPG1 IMPG2 INPP5E IQCB1 IRX5 ITM2B KCNJ13 KCNV2 KCTD7 KIAA1549 KIF3B KIF7 KIZ KLHL7 LAMA1 LCA5 LRAT LRIT3 LRP5 LZTFL1 MAK MAPKAPK3 MERTK MFN2 MFRP MFSDB MIR204 MKKS MKS1 MMACHC MVK MYO7A NDP NEK2 NEUROD1 NMNAT1 NPHP1 NPHP3 NPHP4 NR2E3 NR2F1 NRL NYX OAT OFD1 OPA1 OPA3 OPN1LW OTX2 PANK2 PAX6 PCARE PCDH15 PDE6A PDE6B PDE6C PDE6G PDE6H PDZD7 PEX1 PEX10 PEX11B PEX12 PEX13 PEX14 PEX16 PEX19 PEX2 PEX26 PEX3 PEX5 PEX6 PEX7 PHYH PITPNM3 PNPLA6 POC5 PPP2R3C PPP2R5E PPT1 PRCD PROM1 PRPF3 PRPF31 PRPF4 PRPF6 PRPF8 PRPS1 RAB28 RAX2 RBP3 RBP4 RCBTB1 RD3 RDH11 RDH12 RDH5 REEP6 RGR RGS9 RGS9BP RHO RIMS1 RLBP1 ROM1 RP1 RP1L1 RP2 RP9 RPE65 RPGR RPGRIP1 RPGRIP1L RS1 SAG SCAPER SDCCAG8 SEMA4A SIX6 SLC24A1 SLC6A6 SLC7A14 SNRNP200 SPATA7 STX3 TCTN1 TCTN2 TEAD1 TIMM8A TIMP3 TLCD3B TMEM126A TMEM138 TMEM216 TMEM237 TMEM67 TOPORS TPP1 TRAPPC3 TREX1 TRIM32 TRPM1 TSPAN12 TTC21B TTC8 TUB TUBGCP4 TUBGCP6 TULP1 TYR UNC119 USH1C USH1G USH2A VPS13B WDPCCP WDR19 WFS1 WHRN ZNF408 ZNF513 | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 236 | Pesquisa de Pannel de Síndrome Hemolítica-Urêmica - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: C3 CD46 CFB CFH CFI THBD | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 237 | Pesquisa de Pannel de Síndrome Nefrótica - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ACTN4 ADGRE1 ARHGAP24 ARHGDI1 ARHGEF17 AVIL CD2AP COL4A3 COL4A4 COL4A5 COQ2 COQ6 COQ8B DGKE EMP2 FN1 IFIH1 IL36G INF2 ITGA3 KANK1 KANK2 LAMB2 LMX1B MAGI2 MYH9 MYO1E NPHS1 NPHS2 NUP107 NUP133 NUP160 NUP205 NUP85 NUP93 PAX2 PDSS2 PLCE1 PMM2 PTPRO SCARB2 SGPL1 SLC17A5 SMARCA1 TBC1D8B TRPC6 WNK4 WT1 XPO5 | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 238 | Pesquisa de Pannel de Surdez (GJB2/GJB6) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: GJB2 GJB6 | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 239 | Pesquisa de Pannel de Surdez Hereditária (Expandido) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ACTB ACTG1 ADGRV1 ATP6V0A4 ATP6V1B1 BCS1L BSN2 CATSPER2 CDC50 CDH23 CEACAM16 CEMIP CLDN14 CLRN1 COCH COL11A2 COL9A2 COL9A3 CRYM DIAPH1 DSPP ECE1 EDNRA EDNRB ERCC2 ERCC3 ESPN ESRRB EYA4 FAS FGF3 FGFR3 GATA3 GIPC3 KJA1 GJB1 GJB2 GJB3 GJB6 GJB6 GSPM2 GRHL2 GRXCRI GSDME HGF ILDR1 JAG1 KCNJ10 KCNQ1 KCNQ4 LHFPL5 LHX3 LOXHD1 MARVELD2 MITF MSRB3 MTPAP MYH14 MYH9 MYO15A MYO3A MYO6 MYO7A MYOC NDP NR2F1 OTOA OTOF PAX3 PCDH15 PDZD7 PIVK PMP22 POU3F4 POU4F3 PRPS1 PTPRQ RDX SERPINB6 SIX1 SIX5 SLC17A8 SLC26A4 SLC26A5 SLC4A11 SMPX SNAI2 SOX2 SPINK5 STRC TBL1X TECTA TIMM8A TJP2 TMC1 TMIE TMPRSS3 TPRN TRIOBP USH1C USH1G USH2A WFS1 WHRN | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 240 | Pesquisa de Pannel de Trombofilias - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ADAMTS13 F2 F5 PROC PROS1 SERPINC1 TAP2 TAPBP UNC13D UNG WAS WIFP1 XIAP | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 241 | Pesquisa de Pannel Distúrbios do Neurodesenvolvimento e do Movimento - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: AARS2 ABAT ACAD9 ACTL6B ADCY5 ALDH5A1 ALDH7A1 ALG13 AMACR AP3B2 ARHGEF9 ARX ATP1A2 ATP1A3 ATP7A ATP7B ATP8A2 BCAP31 CACNA1A CACNA1B CDKL5 COQ4 COQ7 COQ9 COX20 COX6B1 CPT1A CTDPI DDC DDX3X DEAF1 DGUOK DHDDS DHX30 DMD DNAJC12 FBXL4 FOLR1 FOXG1 FRRS1L GABRA1 GABRA2 GABRB3 GABRG2 GAMT GATM GBA GCDH GCH1 GNAO1 GNB2 GRIA4 GRIN1 GRIN2B GRIN2D HADHB HMBS HPRT1 IQSEC2 IREB2 IRF2BPL KCNA2 KCNA1 KCNT1 KCNT2 MAN2B1 MCOLN1 MECPE MEF2C MGME1 MPV17 NACCI NGLY1 NKX2-1 NPC1 NPC2 PCBD1 PDE10A PDE2A PGM1 PLPBP PNKD PNPO POLG POLG2 PRRT2 PTS PURA QDPR RRM2B SDHA SLC13A5 SLC16A2 SLC18A2 SLC1A2 SLC25A3 SLC25A4 SLC25A42 SLC2A1 SLC30A10 SLC6A1 SLC6A3 SPR SPTAN1 SUCLA2 SUCLG1 SYT1 TBC1D24 TBL1XR1 TEO2 TH TPP1 TWNK TYMP UBA5 VAMP2 WARS2 WDR45 WWOX ZNF142 ZSWIM6 | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 242 | Pesquisa de Pannel DNAmplio (Doenças Neuromusculares) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: AARS2 ABHD5 ACAD9 ACADM ACADVL ACTA1 ACTN2 ADGRG6 ADSS1 AGK AGL AGRN ALDOA ALG14 ALG2 AMACR AMPD1 ANO5 ASAH1 ASCC1 ATAD1 ATP2A1 ATP7A ATP7B ATPAF2 B3GALT2 B4GAT1 BAG3 BCS1L BICD2 BIN1 BVES C1QBP CACNA1S CAPN3 CASQ1 CAV3 CCD87C CFL2 CHAT CHCHD10 CHKB CHRNA1 CHRNBI CHRND CHRNE CLCN1 CLHC1 CNTN1 COA5 COA6 COL12A1 COL13A1 COL6A1 COL6A2 COL6A3 COL9A3 COLQ COQ2 COQ4 COQ7 COQ8A COQ9 COX15 COX20 COX6B1 CPNE6 CPT1A CPT2 CRPPA CRYAB CTDPI DAG1 DDC DES DGUOK DMD DNA2 DNAJB2 DNAJB6 DNAJB7 DNM2 DOK7 DPAGT1 DPM1 DPM2 DPM3 DYNCH1 DYSF EMD ENO3 ETFB ETFD FAM111B FBXL4 FDX2 FHL1 FKBP14 FKRP FKTN FLAD1 FLNC FXR1 GAA GATM GBE1 GFER GPPT1 GGP51 GMPPB GNE GOSR2 GYGI GYS1 HACD1 HADH HADHA HADHB HNRNPA1 HNRNPA2B1 HNRNPDL HSPB8 IGHMBP2 INPP5K ISCU ITGA7 JAG2 KBTBD13 KCND2 KCNJ2 KIF22 KLHL40 KLHL41 KLHL9 KY LAMA2 LAMA5 LAMB2 LAMP2 LARGE1 LDB3 LDHA LIMS2 LMNA LMOD3 LPIN1 LRP4 MAGEL2 MAN2B1 MAP3K20 MATR3 MCOLN1 MEGF10 MGME1 MICU1 MLIP MPV17 MRPS34 MSTO1 MTM1 MUSK MYBPC1 MYF6 MYH2 MYH3 MYH7 MYL1 MYL2 MYMK MYO18B MYO9A MYOD1 MYOT MYPN NDUFS4 NEB NSUN3 OPA1 OPA3 ORA1 PAX7 PDSS1 PDSS2 PFKM PGAM2 PGK1 PGM1 PHKA1 PHKB PLEC PLEKHG5 PNPLA2 PNPLA8 POGLUT1 POLG POLG2 POMGNT1 POMGNT2 POMK POMT1 POMT2 POPDC3 PPP2R3C PREPL PUS1 PYGL PYGM PYROXD1 RAPSIN RBCK1 RBM7 RNASEH1 RRM2B RXYLT1 RYR1 RYR3 SCN4A SDHA SELENON SGCA SGCB SGED SGCG SIGMAR1 SIL1 SLC18A3 SLC22A5 SLC25A1 SLC25A20 SLC25A3 SLC25A4 SLC25A42 SLC52A2 SLC52A3 SLC5A7 SMN1 SMPX SNAP25 SPEG SPTBN4 SQSTM1 STAC3 STIM1 SUCLA2 SUCLG1 SURF1 SVIL SYNE1 SYNE2 SYT2 TAFAZZIN TANGO2 TCAP TEFM TIA1 TIMM22 TK2 TMEM43 TNNC2 TNNT1 TNNT1 TNPO3 TOR1AIP1 TPM2 TPM3 TRAPPC11 TRDN TRIM32 TRIP4 TRMT5 TRPV4 TSFM TTN TWNK TYMP UBA1 UNC45B VAMP1 VAPB VCP VMA21 VWA1 XK YARS2 ZBTB20 | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 243 | Pesquisa de Pannel Expandido de Melanoma e Câncer de Pele - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 244 | Pesquisa de Pannel Expandido de Melanoma e Câncer de Pele - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ACD ATM BAP1 BARD1 BLM BRCA1 BRCA2 BRIP1 CDK4 CDKN2A CHEK2 CYLD DDB2 EPCAM ERCC2 ERCC3 ERCC4 ERCC5 ERCC6 FH FLCN GLMN MBD4 MLH1 MSH2 MSH6 PALB2 PMS2 POLD1 POLE POLH POT1 PTCH1 RAD51C RAD51D RECQL RSPO1 TERF2IP TGFBR1 TMC6 TMC8 TP53 XPA XPC | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 245 | Pesquisa de Pannel Expandido de Neoplasias Endócrinas - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: AIP AKT1 APC ARMC5 ATM BAP1 BARD1 BLM BMPR1A BRCA1 BRCA2 BRIP1 CDH1 CDH23 CDK4 CDKN1B CDKN2A CHEK2 DICER1 EGFR EPCAM FANCC FANCM FH FLCN GPR101 IPMK KIF1B MAX MEN1 MET MLH1 MSH2 MSH6 MUTYH NBN NTHL1 PALB2 PMS2 POLD1 POLE PRKAR1A PTEN RAD51C RAD51D RECQL RET SDHA SDHAF2 SDHB SDHC SDHD SEC23B SMARCA4 STK11 TMEM127 TP53 VHL | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 246 | Pesquisa de Pannel para Síndrome de Marfan e Doenças Correlatas - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ACTA2 ADAMTS2 ADAMTSL4 AEBP1 ALDH18A1 ATP6V0A2 ATP6V1A ATP6V1E1 ATP7A B3GALT6 B3GAT3 B4GALT7 BGN CHST14 COL11A1 COL11A2 COL1A1 COL1A2 COL3A1 COL3A1 COL5A2 COL9A1 COL9A2 EFEMP2 ELN FBLN5 FBN1 FBN2 FKBP14 FLNA FOXE3 GORAB GZF1 HRAS KIF22 LOX LTBP2 LTBP3 LTBP4 MFAF5 MYH11 MYLK PIK3R1 PLOD1 PPP1CB PRKG1 PYCR1 RIN2 ROBO4 SKI SLC2A10 SLC39A13 SMAD3 SMAD6 TGFBR2 TGFBR3 TGFBR1 TGFBR2 TNXB | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 247 | PESQUISA DE REARRANJO PML/RARa na LMA M3; PML-RAR (15,17) | EXAME | 0 | 34 | 408 | | |
| 248 | Pesquisa de Retinoblastoma (sequenciamento do gene RB1) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: RB1 | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 249 | Pesquisa de Sequenciamento Completo do Genoma | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |

| | | | | | | | |
|-----|-----------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|-------|----|-----|------|--|--|
| 250 | Pesquisa de Sequenciamento Customizado Para doenças mendelianas - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 251 | Pesquisa de Síndrome de Alagille (MLPA de JAG1 ou região 20p12) - exame de MLPA identifica microdeleções ou microduplicações no gene JAG1 e possibilita o diagnóstico de indivíduos com suspeita clínica de síndrome de Alagille. - mínimo de Genes Analisados: JAG1 | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 252 | Pesquisa de Síndrome de Rett (sequenciamento do gene MECP2) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: MECP2 | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 253 | Pesquisa de Síndrome Velocardiofacial e DiGeorge (MLPA da região 22q11) - exame de MLPA identifica microdeleções ou microduplicações na região 22q11.2 e possibilita o diagnóstico de pacientes com suspeita clínica de síndrome velocardiofacial e DiGeorge (síndromes de deleção 22q11.2 - 22q11.2 DS) As síndromes de deleção 22q11.2 - mínimo de Genes Analisados: TBX1 | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 254 | PESQUISA DE TOXINAS A E B DE CLOSTRIDIUM NAS FEZES | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 255 | PESQUISA DE ANTICORPOS IgG ANTI- ANTÍGENO HEPÁTICO SOLÚVEL (M2, LKM1, LC1, SLA, Sp100, gp210) | EXAME | 0 | 61 | 732 | | |
| 256 | PESQUISA DO GENE DA PROTROMBINA MUTANTE (FATOR II 20210) | EXAME | 2 | 59 | 708 | | |
| 257 | PESQUISA DE ANTICOAGULANTE LÚPICO | EXAME | 2 | 96 | 1152 | | |
| 258 | QUANTIFICAÇÃO DO INIBIDOR DO FATOR IX DA COAGULAÇÃO | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 259 | QUANTIFICAÇÃO DO INIBIDOR DO FATOR VIII DA COAGULAÇÃO | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 260 | REAÇÃO DE PANDY | EXAME | 0 | 60 | 720 | | |
| 261 | RT PCR PARA LEISHMANIOSE TEGUMENTAR AMERICANA | EXAME | 0 | 30 | 360 | | |
| 262 | RT PCR PARA LEISHMANIOSE VISCERAL | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 263 | RT-PCR BCR/ABL quantitativo no segmento de LMC; | EXAME | 0 | 64 | 768 | | |
| 264 | SEQUENCIAMENTO COMPLETO DO EXOMA - (Mutações de ponto (substituições); Indels (pequenas deleções e duplicações); CNVs (grandes deleções e duplicações); Análise de alteração do número de cópias (CNVs); Confirmação de variantes; Variantes Mitocondriais; Análise de achados incidentais; Análise de genes clinicamente mais relevantes) mínimo de Genes analisados: Análise de ≥ 22 mil genes do genoma humano. | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 265 | SEQUENCIAMENTO COMPLETO DO GENE GJB2 - SURDEZ GENETICA | EXAME | 2 | 37 | 444 | | |
| 266 | SEQUENCIAMENTO COMPLETO DO GENE MBTPS2 | EXAME | 2 | 37 | 444 | | |
| 267 | SEQUENCIAMENTO EXOMA TRIO (CLINICO) - sequenciação do caso índice (afetado) e dos familiares não afetados (progenitores) (Mutações de ponto (substituições); Indels (pequenas deleções e duplicações); CNVs (grandes deleções e duplicações); Análise de alteração do número de cópias (CNVs); Confirmação de variantes; Variantes Mitocondriais; Análise de achados incidentais; Análise de genes clinicamente mais relevantes) mínimo de Genes analisados: Análise de ≥ 6.000 genes do genoma humano. (5969 genes nucleares + 37 genes mitocondriais) | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 268 | SEQUENCIAMENTO EXOMA TRIO COMPLETO - sequenciação do caso índice (afetado) e dos familiares não afetados (progenitores) (Mutações de ponto (substituições); Indels (pequenas deleções e duplicações); CNVs (grandes deleções e duplicações); Análise de alteração do número de cópias (CNVs); Confirmação de variantes; Variantes Mitocondriais; Análise de achados incidentais; Análise de genes clinicamente mais relevantes) mínimo de Genes analisados: Análise de ≥ 22 mil genes do genoma humano. | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 269 | SMendelioma (Exoma Clínico) - (Mutações de ponto (substituições); Indels (pequenas deleções e duplicações); CNVs (grandes deleções e duplicações); Análise de alteração do número de cópias (CNVs); Confirmação de variantes; Variantes Mitocondriais; Análise de achados incidentais; Análise de genes clinicamente mais relevantes) mínimo de Genes analisados: Análise de aproximadamente ≥ 6 000 genes do genoma humano. (5969 genes nucleares + 37 genes mitocondriais) | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 270 | Talassemia Alfa: MLPA (deleções e/ou duplicações) dos genes HBA1 e HBA2 | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 271 | Talassemia Beta: Sequenciamento do gene HBB | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 272 | TESTE DE FALCIZAÇÃO HEMOGLOBINA S - TESTE DE SOLUBILIDADE | EXAME | 2 | 72 | 864 | | |
| 273 | TESTE IMUNOLOGICO PARA GIARDIA LAMBLIA | EXAME | 2 | 25 | 300 | | |
| 274 | TESTE RÁPIDO STREPTOCOCCUS GRUPO A | EXAME | 12 | 115 | 1380 | | |
| 275 | TIPAGEM DE LINFOCITOS "B" | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 276 | TIPAGEM DE LINFOCITOS "T" | EXAME | 0 | 15 | 180 | | |
| 277 | TRIAGEM AMPLIADA PARA ERROS INATOS DO METABOLISMO - EIM - SANGUE | EXAME | 2 | 37 | 444 | | |
| 278 | TRIAGEM AMPLIADA PARA ERROS INATOS DO METABOLISMO - EIM - URINA | EXAME | 2 | 37 | 444 | | |

| | | | | |
|-------------------------|------------------------------------|--------------------------------------|-----------------------------------|-------------------------------------------------|
| Carimbo do CNPJ/CPF-ME: | Local: | Responsável pela cotação da Empresa: | USO EXCLUSIVO DA SESAU | Valor da Proposta: |
| | Data: | Fone: | | Validade Proposta: 60 (sessenta) dias |
| | Banco: Agência: C/C: | Assinatura: | | Prazo de Entrega: |

APROVO o presente Termo de Referência, e seus anexos.

(Assinado eletronicamente)

ELABORADO POR: Gleense Cartonilho

Cargo/Órgão: Biomédico/Gerente Administrativo/ASTEC/LEPAC/SESAU/RO

Matrícula: 300060857

Revisado por: João Gabriel da Silva Portela

Cargo: Agente Atividades Administrativas/LEPAC/SESAU/RO

Matrícula: 300154954

REVISADO por: João Tiago Souza

Cargo/Órgão: BIOMÉDICO/LEPAC/SESAU/RO

Matrícula: 300123177

APROVADO por: Paulo José Giroldi

Cargo/Órgão: Farmacêutico Bioquímico/Coordenador Geral/LEPAC/SESAU/RO

Matrícula: 300062449

(Assinado eletronicamente)

Secretaria de Estado da Saúde de Rondônia



Documento assinado eletronicamente por **GLEENSE DOS SANTOS CARTONILHO, Analista**, em 02/08/2023, às 13:31, conforme horário oficial de Brasília, com fundamento no artigo 18 caput e seus §§ 1º e 2º, do [Decreto nº 21.794, de 5 Abril de 2017.](#)



Documento assinado eletronicamente por **Paulo Jose Giroldi, Diretor(a)**, em 03/08/2023, às 08:37, conforme horário oficial de Brasília, com fundamento no artigo 18 caput e seus §§ 1º e 2º, do [Decreto nº 21.794, de 5 Abril de 2017.](#)



Documento assinado eletronicamente por **MICHELLE DAHIANE DUTRA, Secretário(a) Executivo(a)**, em 03/08/2023, às 15:26, conforme horário oficial de Brasília, com fundamento no artigo 18 caput e seus §§ 1º e 2º, do [Decreto nº 21.794, de 5 Abril de 2017.](#)



Documento assinado eletronicamente por **JOAO TIAGO SOUZA, Analista**, em 08/08/2023, às 14:05, conforme horário oficial de Brasília, com fundamento no artigo 18 caput e seus §§ 1º e 2º, do [Decreto nº 21.794, de 5 Abril de 2017.](#)



Documento assinado eletronicamente por **João Gabriel Da Silva Portela, Técnico**, em 23/10/2023, às 10:19, conforme horário oficial de Brasília, com fundamento no artigo 18 caput e seus §§ 1º e 2º, do [Decreto nº 21.794, de 5 Abril de 2017.](#)



A autenticidade deste documento pode ser conferida no site [portal do SEI](#), informando o código verificador **0039379237** e o código CRC **A9098F6A**.

Superintendência Estadual de Compras e Licitações
Coordenadoria de Pesquisa e Análise de Preços

| ITEM | DESCRIÇÃO | UNID | QUANT (A) | QUANT. DEST. EXCLUSIVA MEIEPP (B) | QUANT. DEST. AMPLA CONCORRÊNCIA (C) - [A-B] | EMP 1 | EMP 2 | EMP 3 | EMP 4 | EMP 5 | PREÇO MÍNIMO (D) | PREÇO MÉDIO (E) | DESVIO PADRÃO | COEFICIENTE DE VARIAÇÃO | PARÂMETRO UTILIZADO (MÍNIMO/MÉDIO) | SUBTOTAL EXCLUSIVO MEIEPP (F) - [B X D] | SUBTOTAL AMPLA CONCORRÊNCIA (G) - [C X E] | SUBTOTAL GERAL [F + G] |
|------|--------------------------------------------------------------------------|-------|-----------|-----------------------------------|---------------------------------------------|----------|----------|----------|----------|----------|------------------|-----------------|---------------|-------------------------|------------------------------------|-----------------------------------------|-------------------------------------------|------------------------|
| 1 | Acondroplasia, estudo genético - gene FGFR3 | EXAME | 444 | 111 | 333 | 1.035,00 | 767,00 | 3.500,00 | 733,20 | 1.365,00 | 733,20 | 1.480,04 | 1.157,34 | 78,20% | MÍNIMO | R\$ 81.385,20 | R\$ 244.155,60 | R\$ 325.540,80 |
| 2 | ANALISE DA MUTAÇÃO NO GENE DA PROTROMBINA | EXAME | 672 | 168 | 504 | 425,00 | 665,60 | 518,00 | 304,50 | 481,32 | 304,50 | 478,88 | 132,02 | 27,57% | MÍNIMO | R\$ 51.156,00 | R\$ 153.468,00 | R\$ 204.624,00 |
| 3 | Análise da mutação pontual R506Q (G1691A) - Gene: Fator V da coagulação. | EXAME | 552 | 552 | NÃO APLICÁVEL | 294,00 | 361,40 | 2.600,00 | 192,00 | 123,31 | 123,31 | 714,14 | 1.058,20 | 148,18% | MÍNIMO | R\$ 68.067,12 | - | R\$ 68.067,12 |
| 4 | Análise molecular da sensibilidade a Varfarina | EXAME | 444 | 111 | 333 | 1.373,00 | 1.042,60 | 1.200,00 | 986,70 | 1.575,00 | 986,70 | 1.235,46 | 242,15 | ### | MÉDIO | R\$ 137.136,06 | R\$ 411.408,18 | R\$ 548.544,24 |
| 5 | ANATOMOPATOLÓGICO E IMUNOHISTOQUÍMICA - BIÓPSIA DE LINFONODOS | EXAME | 180 | 180 | NÃO APLICÁVEL | 848,00 | 377,00 | 840,00 | 747,20 | NC | 377,00 | 703,05 | 222,13 | 31,60% | MÍNIMO | R\$ 67.860,00 | - | R\$ 67.860,00 |
| 6 | ANATOMOPATOLÓGICO E IMUNOHISTOQUÍMICA - BIÓPSIA DE MEDULA ÓSSEA | EXAME | 180 | 180 | NÃO APLICÁVEL | 1.085,00 | 377,00 | 60,00 | 747,20 | NC | 60,00 | 567,30 | 444,95 | 78,43% | MÍNIMO | R\$ 10.800,00 | - | R\$ 10.800,00 |
| 7 | ANTI LKM-1 (MICROSSOMAL) | EXAME | 144 | 144 | NÃO APLICÁVEL | 115,00 | 197,60 | 50,00 | 50,00 | 160,00 | 50,00 | 114,52 | 65,76 | 57,42% | MÍNIMO | R\$ 7.200,00 | - | R\$ 7.200,00 |
| 8 | anticorpo contra o receptor do N-metil-D-aspartato (NMDAR) | EXAME | 180 | 180 | NÃO APLICÁVEL | 6.780,00 | 5.392,40 | 60,00 | NC | 4.725,00 | 60,00 | 4.239,35 | 2.914,75 | 68,75% | MÍNIMO | R\$ 10.800,00 | - | R\$ 10.800,00 |
| 9 | ANTI-DNA DUPLA HÉLICE | EXAME | 180 | 180 | NÃO APLICÁVEL | 110,00 | 124,80 | 60,00 | 50,00 | 100,00 | 50,00 | 88,96 | 32,43 | 36,45% | MÍNIMO | R\$ 9.000,00 | - | R\$ 9.000,00 |
| 10 | Apolipoproteína E, estudo genético | EXAME | 444 | 111 | 333 | 801,00 | 618,80 | 845,00 | 553,80 | 700,00 | 553,80 | 703,72 | 121,58 | ### | MÉDIO | R\$ 78.112,92 | R\$ 234.338,76 | R\$ 312.451,68 |
| 11 | Ataxias espinocerebelares, painel | EXAME | 444 | 111 | 333 | 3.398,00 | 2.667,60 | 3.910,00 | 2.346,00 | 4.200,00 | 2.346,00 | 3.304,32 | 790,83 | 23,93% | MÍNIMO | R\$ 260.406,00 | R\$ 781.218,00 | R\$ 1.041.624,00 |
| 12 | Atrofia Dentatorubro Palidolusiana (DRPLA) - gene ATN1 | EXAME | 444 | 111 | 333 | 1.035,00 | 767,00 | 650,00 | 733,20 | 875,00 | 650,00 | 812,04 | 148,47 | ### | MÉDIO | R\$ 90.136,44 | R\$ 270.409,32 | R\$ 360.545,76 |
| 13 | Atrofia muscular espinhal, estudo molecular - Gene SMN1 | EXAME | 444 | 111 | 333 | 3.987,00 | 2.745,60 | 2.630,00 | 2.756,40 | 6.300,00 | 2.630,00 | 3.683,80 | 1.564,23 | 42,46% | MÍNIMO | R\$ 291.930,00 | R\$ 875.790,00 | R\$ 1.167.720,00 |
| 14 | CARIOTIPO BANDEAMENTO G [LÍQUIDO AMNIÓTICO] | EXAME | 444 | 111 | 333 | 2.094,00 | 1.760,20 | 2.440,00 | 1.424,40 | 2.625,00 | 1.424,40 | 2.068,72 | 489,46 | 23,66% | MÍNIMO | R\$ 158.108,40 | R\$ 474.325,20 | R\$ 632.433,60 |
| 15 | CARIÓTIPO COM BANDA G - 100 CÉLULAS | EXAME | 948 | 237 | 711 | 2.317,00 | 2.223,00 | 1.600,00 | 1.579,20 | 3.325,00 | 1.579,20 | 2.208,84 | 711,49 | 32,21% | MÍNIMO | R\$ 374.270,40 | R\$ 1.122.811,20 | R\$ 1.497.081,60 |

Superintendência Estadual de Compras e Licitações
Coordenadoria de Pesquisa e Análise de Preços

| ITEM | DESCRIÇÃO | UNID | QUANT (A) | QUANT. DEST. EXCLUSIVA MEPP (B) | QUANT. DEST. AMPLA CONCORRÊNCIA (C) - [A-B] | EMP 1 | EMP 2 | EMP 3 | EMP 4 | EMP 5 | PREÇO MÍNIMO (D) | PREÇO MÉDIO (E) | DESVIO PADRÃO | COEFICIENTE DE VARIAÇÃO | PARÂMETRO UTILIZADO (MÍNIMO/MÉDIO) | SUBTOTAL EXCLUSIVO MEPP (F) - [B X D] | SUBTOTAL AMPLA CONCORRÊNCIA (G) - [C X E] | SUBTOTAL GERAL [F + G] |
|------|-------------------------------------------------------------------------|-------|-----------|---------------------------------|---------------------------------------------|----------|----------|----------|----------|-----------|------------------|-----------------|---------------|-------------------------|------------------------------------|---------------------------------------|-------------------------------------------|------------------------|
| 16 | CARIÓTIPO COM BANDA G MEDULA | EXAME | 948 | 237 | 711 | 1.875,00 | 1.510,60 | 650,00 | 1.270,80 | 2.634,21 | 650,00 | 1.588,12 | 735,42 | 46,31% | MÍNIMO | R\$ 154.050,00 | R\$ 462.150,00 | R\$ 616.200,00 |
| 17 | CARIÓTIPO COM BANDA G SANGUE PERIFÉRICO - 100 CÉLULAS | EXAME | 696 | 174 | 522 | 2.317,00 | 1.427,40 | 1.200,00 | 1.579,20 | 3.325,00 | 1.200,00 | 1.969,72 | 865,52 | 43,94% | MÍNIMO | R\$ 208.800,00 | R\$ 626.400,00 | R\$ 835.200,00 |
| 18 | CARIÓTIPO COM BANDA G SANGUE PERIFÉRICO | EXAME | 708 | 177 | 531 | 1.091,00 | 2.202,20 | 650,00 | 570,00 | 1.512,07 | 570,00 | 1.205,05 | 673,23 | 55,87% | MÍNIMO | R\$ 100.890,00 | R\$ 302.670,00 | R\$ 403.560,00 |
| 19 | CARIÓTIPO COM PESQUISA DE QUEBRAS - DEB TESTE. SANGUE PERIFÉRICO | EXAME | 360 | 90 | 270 | 2.378,00 | 2.202,20 | 2.080,00 | NC | 2.100,00 | 2.080,00 | 2.190,05 | 136,25 | 6,22% | MÉDIO | R\$ 197.104,50 | R\$ 591.313,50 | R\$ 788.418,00 |
| 20 | CARIOTIPO DE MATERIAL DE ABORTAMENTO COM BANDA G | EXAME | 444 | 111 | 333 | 2.053,00 | 1.760,20 | 2.080,00 | 1.395,60 | 2.625,00 | 1.395,60 | 1.982,76 | 453,09 | ##### | MÉDIO | R\$ 220.086,36 | R\$ 660.259,08 | R\$ 880.345,44 |
| 21 | CARIOTIPO DE VILOSIDADE CORIONICA | EXAME | 444 | 111 | 333 | 2.094,00 | 1.760,20 | 2.650,00 | 1.424,40 | 2.625,00 | 1.424,40 | 2.110,72 | 536,07 | 25,40% | MÍNIMO | R\$ 158.108,40 | R\$ 474.325,20 | R\$ 632.433,60 |
| 22 | CARIÓTIPO FETAL COM BANDA G | EXAME | 444 | 111 | 333 | 1.097,00 | 852,80 | 1.300,00 | 773,50 | 1.512,07 | 773,50 | 1.107,07 | 307,11 | 27,74% | MÍNIMO | R\$ 85.858,50 | R\$ 257.575,50 | R\$ 343.434,00 |
| 23 | CGH-ARRAY PARA ANÁLISE DE ANOMALIAS CROMOSSÔMICAS | EXAME | 444 | 111 | 333 | 6.800,00 | 5.714,80 | 4.250,00 | 4.748,40 | 10.500,00 | 4.250,00 | 6.402,64 | 2.489,47 | 38,88% | MÍNIMO | R\$ 471.750,00 | R\$ 1.415.250,00 | R\$ 1.887.000,00 |
| 24 | Componente C1q do complemento - C1 Q | EXAME | 180 | 180 | NÃO APLICÁVEL | 413,00 | 364,00 | 175,00 | 295,50 | 208,67 | 175,00 | 291,23 | 100,58 | 34,54% | MÍNIMO | R\$ 31.500,00 | - | R\$ 31.500,00 |
| 25 | CRIOGLOBULINAS (quantitativa e qualitativa) | EXAME | 180 | 180 | NÃO APLICÁVEL | 90,00 | 26,00 | 50,00 | NC | NC | 26,00 | 55,33 | 32,33 | 58,43% | MÍNIMO | R\$ 4.680,00 | - | R\$ 4.680,00 |
| 26 | CTX - INTERLIGADORES C TERMINAIS - BETA-CROSS-LAPS | EXAME | 180 | 180 | NÃO APLICÁVEL | NC | 205,40 | 220,00 | 133,50 | 189,30 | 133,50 | 187,05 | 37,84 | 20,23% | MÉDIO | R\$ 33.669,00 | - | R\$ 33.669,00 |
| 27 | CULTURA DE FUNGOS | EXAME | 1392 | 348 | 1.044 | 227,00 | 101,40 | 200,00 | 132,00 | 105,46 | 101,40 | 153,17 | 57,11 | 37,29% | MÍNIMO | R\$ 35.287,20 | R\$ 105.861,60 | R\$ 141.148,80 |
| 28 | CULTURA PARA ESTREPTOCO DO GRUPO B (GBS) | EXAME | 180 | 180 | NÃO APLICÁVEL | 560,00 | 148,20 | 160,00 | 84,00 | 120,00 | 84,00 | 214,44 | 195,38 | 91,11% | MÍNIMO | R\$ 15.120,00 | - | R\$ 15.120,00 |
| 29 | CULTURA PARA ESTREPTOCO DO GRUPO B (GBS)- SWAB DA REGIÃO VAGINAL E ANAL | EXAME | 180 | 180 | NÃO APLICÁVEL | 148,00 | 150,80 | 320,00 | 84,00 | 120,00 | 84,00 | 164,56 | 90,97 | 55,28% | MÍNIMO | R\$ 15.120,00 | - | R\$ 15.120,00 |
| 30 | CULTURA PARA MICOBACTÉRIAS | EXAME | 360 | 360 | NÃO APLICÁVEL | 159,00 | 278,20 | 80,00 | 98,00 | 130,00 | 80,00 | 149,04 | 76,29 | 52,53% | MÍNIMO | R\$ 28.800,00 | - | R\$ 28.800,00 |

Superintendência Estadual de Compras e Licitações
Coordenadoria de Pesquisa e Análise de Preços

| ITEM | DESCRIÇÃO | UNID | QUANT (A) | QUANT. DEST. EXCLUSIVA MEPEP (B) | QUANT. DEST. AMPLA CONCORRÊNCIA (C) - [A-B] | EMP 1 | EMP 2 | EMP 3 | EMP 4 | EMP 5 | PREÇO MÍNIMO (D) | PREÇO MÉDIO (E) | DESVIO PADRÃO | COEFICIENTE DE VARIAÇÃO | PARÂMETRO UTILIZADO (MÍNIMO/MÉDIO) | SUBTOTAL EXCLUSIVO MEPEP (F) - [B X D] | SUBTOTAL AMPLA CONCORRÊNCIA (G) - [C X E] | SUBTOTAL GERAL [F + G] |
|------|--------------------------------------------------------------------------------|-------|-----------|----------------------------------|---------------------------------------------|----------|----------|----------|----------|----------|------------------|-----------------|---------------|-------------------------|------------------------------------|----------------------------------------|-------------------------------------------|------------------------|
| 31 | CURVA DE FRAGILIDADE OSMÓTICA DAS HEMÁCIAS | EXAME | 780 | 780 | NÃO APLICÁVEL | 154,00 | 70,20 | 300,00 | NC | NC | 70,20 | 174,73 | 116,29 | 66,56% | MÍNIMO | R\$ 54.756,00 | - | R\$ 54.756,00 |
| 32 | DETERMINAÇÃO DA ATIVIDADE ANTI-TROMBINA III | EXAME | 768 | 768 | NÃO APLICÁVEL | 125,00 | 135,20 | 200,00 | 58,00 | 89,00 | 58,00 | 121,44 | 53,50 | 44,06% | MÍNIMO | R\$ 44.544,00 | - | R\$ 44.544,00 |
| 33 | DETERMINAÇÃO DA ATIVIDADE DA BIOTINIDASE NO SANGUE | EXAME | 672 | 672 | NÃO APLICÁVEL | 513,00 | 130,00 | 450,00 | 30,00 | 569,77 | 30,00 | 338,55 | 242,39 | 71,60% | MÍNIMO | R\$ 20.160,00 | - | R\$ 20.160,00 |
| 34 | DETERMINAÇÃO DA ATIVIDADE DA RENINA PLASMÁTICA | EXAME | 660 | 165 | 495 | 280,00 | 158,60 | 135,00 | 180,00 | 199,01 | 135,00 | 190,52 | 55,43 | 29,10% | MÍNIMO | R\$ 22.275,00 | R\$ 66.825,00 | R\$ 89.100,00 |
| 35 | DETERMINAÇÃO DA ATIVIDADE DE VON WILLEBRAND PELO COFATOR DA RISTOCETINA | EXAME | 516 | 129 | 387 | 236,00 | 462,40 | 480,00 | 345,00 | 275,10 | 236,00 | 359,70 | 109,20 | 30,36% | MÍNIMO | R\$ 30.444,00 | R\$ 91.332,00 | R\$ 121.776,00 |
| 36 | DETERMINAÇÃO DA MUTAÇÃO (c.1601G>A p.(R534Q) DO FATOR V DE LEIDEN | EXAME | 180 | 180 | NÃO APLICÁVEL | 296,00 | 665,60 | NC | 192,00 | 388,47 | 192,00 | 385,52 | 203,24 | 52,72% | MÍNIMO | R\$ 34.560,00 | - | R\$ 34.560,00 |
| 37 | DETERMINAÇÃO DA RESISTÊNCIA A PROTEÍNA C ATIVADA | EXAME | 660 | 660 | NÃO APLICÁVEL | 575,00 | 91,00 | 680,00 | 439,00 | 494,94 | 91,00 | 455,99 | 223,25 | 48,96% | MÍNIMO | R\$ 60.060,00 | - | R\$ 60.060,00 |
| 38 | DETERMINAÇÃO DE ANTICORPOS ANTI-INSULINA | EXAME | 888 | 222 | 666 | 2.541,00 | 98,80 | 100,00 | 112,00 | 132,65 | 98,80 | 596,89 | 1.086,88 | 182,09% | MÍNIMO | R\$ 21.933,60 | R\$ 65.800,80 | R\$ 87.734,40 |
| 39 | DETERMINAÇÃO DE AUTO ANTICORPOS ANTI-GAD 65 | EXAME | 624 | 156 | 468 | 322,00 | 278,20 | 202,00 | 214,00 | 221,55 | 202,00 | 247,55 | 50,89 | ##### | MÉDIO | R\$ 38.617,80 | R\$ 115.853,40 | R\$ 154.471,20 |
| 40 | DETERMINAÇÃO DE MUTAÇÕES JAK2 V617F, CALR e MPL EM DOENÇAS MIELOPROLIFERATIVAS | EXAME | 768 | 192 | 576 | 2.358,00 | 2.730,00 | 1.200,00 | 1.212,90 | 833,84 | 833,84 | 1.666,95 | 825,52 | 49,52% | MÍNIMO | R\$ 160.097,28 | R\$ 480.291,84 | R\$ 640.389,12 |
| 41 | DETERMINAÇÃO QUANTITATIVA DE AMINOÁCIDOS - SANGUE | EXAME | 696 | 174 | 522 | 997,00 | 1.510,60 | 475,00 | 704,60 | 385,00 | 385,00 | 814,44 | 455,43 | 55,92% | MÍNIMO | R\$ 66.990,00 | R\$ 200.970,00 | R\$ 267.960,00 |
| 42 | DETERMINAÇÃO QUANTITATIVA DE AMINOÁCIDOS - URINA | EXAME | 768 | 192 | 576 | 1.547,00 | 330,20 | 1.170,00 | 704,60 | 525,00 | 330,20 | 855,36 | 496,24 | 58,02% | MÍNIMO | R\$ 63.398,40 | R\$ 190.195,20 | R\$ 253.593,60 |
| 43 | DETERMINAÇÃO SÉRICA DA ENOLASE NEURONAL ESPECÍFICA - NSE | EXAME | 588 | 147 | 441 | 401,00 | 312,00 | 330,00 | 288,00 | 420,00 | 288,00 | 350,20 | 57,42 | ##### | MÉDIO | R\$ 51.479,40 | R\$ 154.438,20 | R\$ 205.917,60 |
| 44 | Doença de Gaucher, diagnóstico molecular - Mutações no gene GBA | EXAME | 444 | 111 | 333 | 3.987,00 | 3.315,00 | 4.594,00 | 2.756,40 | 6.300,00 | 2.756,40 | 4.190,48 | 1.367,24 | 32,63% | MÍNIMO | R\$ 305.960,40 | R\$ 917.881,20 | R\$ 1.223.841,60 |

| ITEM | DESCRIÇÃO | UNID | QUANT (A) | QUANT. DEST. EXCLUSIVA MEPEP (B) | QUANT. DEST. AMPLA CONCORRÊNCIA (C) - [A-B] | EMP 1 | EMP 2 | EMP 3 | EMP 4 | EMP 5 | PREÇO MÍNIMO (D) | PREÇO MÉDIO (E) | DESVIO PADRÃO | COEFICIENTE DE VARIAÇÃO | PARÂMETRO UTILIZADO (MÍNIMO/MÉDIO) | SUBTOTAL EXCLUSIVO MEPEP (F) - [B X D] | SUBTOTAL AMPLA CONCORRÊNCIA (G) - [C X E] | SUBTOTAL GERAL [F + G] |
|------|----------------------------------------------------|-------|-----------|----------------------------------|---------------------------------------------|--------|--------|----------|--------|--------|------------------|-----------------|---------------|-------------------------|------------------------------------|----------------------------------------|-------------------------------------------|------------------------|
| 45 | Doença de Huntington, teste molecular - Gene HTT | EXAME | 444 | 111 | 333 | 468,00 | 429,00 | 1.210,00 | 345,00 | 595,00 | 345,00 | 609,40 | 347,63 | 57,04% | MÍNIMO | R\$ 38.295,00 | R\$ 114.885,00 | R\$ 153.180,00 |
| 46 | DOSAGEM COMPLEMENTO TOTAL (CH100) | EXAME | 1212 | 1.212 | NÃO APLICÁVEL | 120,00 | 46,80 | 60,00 | 50,00 | 75,00 | 46,80 | 70,36 | 29,84 | 42,42% | MÍNIMO | R\$ 56.721,60 | - | R\$ 56.721,60 |
| 47 | DOSAGEM COMPLEMENTO TOTAL (CH50) | EXAME | 1212 | 1.212 | NÃO APLICÁVEL | 134,00 | 46,80 | 60,00 | 42,00 | 75,00 | 42,00 | 71,56 | 37,19 | 51,96% | MÍNIMO | R\$ 50.904,00 | - | R\$ 50.904,00 |
| 48 | DOSAGEM CORTISOL SALIVAR | EXAME | 528 | 528 | NÃO APLICÁVEL | 134,00 | 91,00 | 95,00 | 66,00 | 99,00 | 66,00 | 97,00 | 24,36 | 25,12% | MÍNIMO | R\$ 34.848,00 | - | R\$ 34.848,00 |
| 49 | DOSAGEM CORTISOL URINÁRIO | EXAME | 936 | 936 | NÃO APLICÁVEL | 105,00 | 91,00 | 95,00 | 34,00 | 95,00 | 34,00 | 84,00 | 28,43 | 33,84% | MÍNIMO | R\$ 31.824,00 | - | R\$ 31.824,00 |
| 50 | DOSAGEM DA ECA - Enzima Conversora da Angiotensina | EXAME | 180 | 180 | NÃO APLICÁVEL | 209,00 | 309,40 | 200,00 | 156,00 | 175,00 | 156,00 | 209,88 | 59,42 | 28,31% | MÍNIMO | R\$ 28.080,00 | - | R\$ 28.080,00 |
| 51 | DOSAGEM DE 17-ALFA HIDROXIPROGESTERONA | EXAME | 696 | 696 | NÃO APLICÁVEL | 112,00 | 96,20 | 69,00 | 44,00 | 94,00 | 44,00 | 83,04 | 26,71 | 32,16% | MÍNIMO | R\$ 30.624,00 | - | R\$ 30.624,00 |
| 52 | DOSAGEM DE ADENOSINA DEAMINASE - ADA | EXAME | 984 | 246 | 738 | 148,00 | 148,20 | 98,00 | 86,00 | 96,50 | 86,00 | 115,34 | 30,26 | 26,24% | MÍNIMO | R\$ 21.156,00 | R\$ 63.468,00 | R\$ 84.624,00 |
| 53 | DOSAGEM DE ALDOSTERONA POSTURAL - S | EXAME | 780 | 780 | NÃO APLICÁVEL | 134,00 | 118,30 | 70,00 | 62,00 | 89,50 | 62,00 | 94,76 | 30,85 | 32,56% | MÍNIMO | R\$ 48.360,00 | - | R\$ 48.360,00 |
| 54 | DOSAGEM DE ALFA1 ANTITRIPSINA | EXAME | 180 | 180 | NÃO APLICÁVEL | 805,00 | 70,20 | 175,00 | 28,00 | 105,00 | 28,00 | 236,64 | 322,26 | 136,19% | MÍNIMO | R\$ 5.040,00 | - | R\$ 5.040,00 |

Superintendência Estadual de Compras e Licitações
Coordenadoria de Pesquisa e Análise de Preços

| ITEM | DESCRIÇÃO | UNID | QUANT (A) | QUANT. DEST. EXCLUSIVA MEPEP (B) | QUANT. DEST. AMPLA CONCORRÊNCIA (C) - [A-B] | EMP 1 | EMP 2 | EMP 3 | EMP 4 | EMP 5 | PREÇO MÍNIMO (D) | PREÇO MÉDIO (E) | DESVIO PADRÃO | COEFICIENTE DE VARIAÇÃO | PARÂMETRO UTILIZADO (MÍNIMO/MÉDIO) | SUBTOTAL EXCLUSIVO MEPEP (F) - [B X D] | SUBTOTAL AMPLA CONCORRÊNCIA (G) - [C X E] | SUBTOTAL GERAL [F + G] |
|------|---------------------------------------------------------------|-------|-----------|----------------------------------|---------------------------------------------|----------|--------|--------|----------|----------|------------------|-----------------|---------------|-------------------------|------------------------------------|----------------------------------------|-------------------------------------------|------------------------|
| 55 | DOSAGEM DE ALUMÍNIO | EXAME | 708 | 708 | NÃO APLICÁVEL | 120,00 | 67,60 | 60,00 | 50,00 | 99,00 | 50,00 | 79,32 | 29,21 | 36,82% | MÍNIMO | R\$ 35.400,00 | - | R\$ 35.400,00 |
| 56 | DOSAGEM DE AMÔNIA | EXAME | 180 | 180 | NÃO APLICÁVEL | 318,00 | 182,00 | NC | 208,50 | NC | 182,00 | 236,17 | 72,10 | 30,53% | MÍNIMO | R\$ 32.760,00 | - | R\$ 32.760,00 |
| 57 | DOSAGEM DE ANTICORPO - BLOQUEADOR DO RECEPTOR DE ACETILCOLINA | EXAME | 720 | 180 | 540 | 1.772,00 | 598,00 | 550,00 | 1.297,40 | 2.275,00 | 550,00 | 1.298,48 | 746,44 | 57,45% | MÍNIMO | R\$ 99.000,00 | R\$ 297.000,00 | R\$ 396.000,00 |
| 58 | DOSAGEM DE ANTICORPOS ANTIFOSFOLÍPIDES | EXAME | 936 | 234 | 702 | NC | 165,10 | 180,00 | NC | 122,50 | 122,50 | 155,87 | 28,84 | 19,14% | MÉDIO | R\$ 36.473,58 | R\$ 109.420,74 | R\$ 145.894,32 |
| 59 | DOSAGEM DE ARSÊNIO NA URINA | EXAME | 516 | 516 | NÃO APLICÁVEL | 516,00 | 114,40 | 110,00 | 114,00 | 112,77 | 110,00 | 193,43 | 180,33 | 93,23% | MÍNIMO | R\$ 56.760,00 | - | R\$ 56.760,00 |
| 60 | DOSAGEM DE CADEIAS LEVE LIVRES. SORO. | EXAME | 1008 | 1.008 | NÃO APLICÁVEL | 829,00 | 657,80 | 78,00 | 663,00 | 875,00 | 78,00 | 620,56 | 318,49 | 51,32% | MÍNIMO | R\$ 78.624,00 | - | R\$ 78.624,00 |
| 61 | DOSAGEM DE CATECOLAMINAS - FRAÇÕES | EXAME | 792 | 198 | 594 | 292,00 | 236,60 | 200,00 | 190,00 | 344,40 | 190,00 | 252,60 | 65,04 | 25,75% | MÍNIMO | R\$ 37.620,00 | R\$ 112.860,00 | R\$ 150.480,00 |
| 62 | DOSAGEM DE CITRATO NA URINA | EXAME | 900 | 900 | NÃO APLICÁVEL | 105,00 | 54,60 | 60,00 | 34,00 | 105,00 | 34,00 | 71,72 | 31,89 | 44,47% | MÍNIMO | R\$ 30.600,00 | - | R\$ 30.600,00 |
| 63 | DOSAGEM DE COBRE (SÉRICO E URINÁRIO) | EXAME | 516 | 516 | NÃO APLICÁVEL | 115,00 | 150,80 | 100,00 | 40,00 | 78,50 | 40,00 | 96,86 | 41,29 | 42,63% | MÍNIMO | R\$ 20.640,00 | - | R\$ 20.640,00 |
| 64 | DOSAGEM DE FRUTOSE (ESPERMA) | EXAME | 228 | 228 | NÃO APLICÁVEL | 112,00 | 62,40 | 60,00 | 42,00 | 98,50 | 42,00 | 74,98 | 29,13 | 38,85% | MÍNIMO | R\$ 9.576,00 | - | R\$ 9.576,00 |

| ITEM | DESCRIÇÃO | UNID | QUANT (A) | QUANT. DEST. EXCLUSIVA MEPEP (B) | QUANT. DEST. AMPLA CONCORRÊNCIA (C) - [A-B] | EMP 1 | EMP 2 | EMP 3 | EMP 4 | EMP 5 | PREÇO MÍNIMO (D) | PREÇO MÉDIO (E) | DESVIO PADRÃO | COEFICIENTE DE VARIAÇÃO | PARÂMETRO UTILIZADO (MÍNIMO/MÉDIO) | SUBTOTAL EXCLUSIVO MEPEP (F) - [B X D] | SUBTOTAL AMPLA CONCORRÊNCIA (G) - [C X E] | SUBTOTAL GERAL [F + G] |
|------|---------------------------------------------------|-------|-----------|----------------------------------|---------------------------------------------|--------|--------|--------|--------|--------|------------------|-----------------|---------------|-------------------------|------------------------------------|----------------------------------------|-------------------------------------------|------------------------|
| 65 | DOSAGEM DE GLICOSE 6-FOSFATO DEHIDROGENASE/G6PD | EXAME | 1332 | 1.332 | NÃO APLICÁVEL | 105,00 | 83,20 | 35,00 | 42,00 | 64,10 | 35,00 | 65,86 | 28,97 | 43,99% | MÍNIMO | R\$ 46.620,00 | - | R\$ 46.620,00 |
| 66 | DOSAGEM DE IGG4 | EXAME | 180 | 180 | NÃO APLICÁVEL | 162,00 | 124,80 | 115,00 | 100,00 | 91,84 | 91,84 | 118,73 | 27,37 | 23,05% | MÍNIMO | R\$ 16.531,20 | - | R\$ 16.531,20 |
| 67 | DOSAGEM DE LIPOPROTEÍNA - A | EXAME | 180 | 180 | NÃO APLICÁVEL | 30,60 | 87,10 | 60,00 | 54,00 | 79,85 | 30,60 | 62,31 | 22,37 | 35,91% | MÍNIMO | R\$ 5.508,00 | - | R\$ 5.508,00 |
| 68 | DOSAGEM DE MACROPROLACTINA | EXAME | 720 | 720 | NÃO APLICÁVEL | 125,00 | 75,40 | 60,00 | 48,00 | 82,50 | 48,00 | 78,18 | 29,41 | 37,62% | MÍNIMO | R\$ 34.560,00 | - | R\$ 34.560,00 |
| 69 | DOSAGEM DE OXALATO NA URINA | EXAME | 900 | 225 | 675 | 190,00 | 93,60 | 100,00 | 132,00 | 211,54 | 93,60 | 145,43 | 53,12 | 36,53% | MÍNIMO | R\$ 21.060,00 | R\$ 63.180,00 | R\$ 84.240,00 |
| 70 | DOSAGEM DE PEPTÍDEO INTESTINAL VASOATIVO [VIP] | EXAME | 660 | 165 | 495 | 481,00 | 353,60 | 555,00 | 358,50 | 420,00 | 353,60 | 433,62 | 85,45 | 19,71% | MÉDIO | R\$ 71.547,30 | R\$ 214.641,90 | R\$ 286.189,20 |
| 71 | DOSAGEM DE PROTEÍNA "C" FUNCIONAL – TOTAL E LIVRE | EXAME | 780 | 780 | NÃO APLICÁVEL | 361,00 | 145,60 | 350,00 | 120,00 | 98,63 | 98,63 | 215,05 | 129,35 | 60,15% | MÍNIMO | R\$ 76.931,40 | - | R\$ 76.931,40 |
| 72 | DOSAGEM DE PROTEÍNA "S" - TOTAL E LIVRE | EXAME | 840 | 210 | 630 | 233,00 | 309,40 | 600,00 | 186,00 | 455,00 | 186,00 | 356,68 | 169,95 | 47,65% | MÍNIMO | R\$ 39.060,00 | R\$ 117.180,00 | R\$ 156.240,00 |
| 73 | DOSAGEM DE SELÊNIO | EXAME | 408 | 408 | NÃO APLICÁVEL | 120,00 | 97,50 | 60,00 | 50,00 | 75,80 | 50,00 | 80,66 | 28,38 | 35,18% | MÍNIMO | R\$ 20.400,00 | - | R\$ 20.400,00 |

Superintendência Estadual de Compras e Licitações
Coordenadoria de Pesquisa e Análise de Preços

| ITEM | DESCRIÇÃO | UNID | QUANT (A) | QUANT. DEST. EXCLUSIVA MEPP (B) | QUANT. DEST. AMPLA CONCORRÊNCIA (C) - [A-B] | EMP 1 | EMP 2 | EMP 3 | EMP 4 | EMP 5 | PREÇO MÍNIMO (D) | PREÇO MÉDIO (E) | DESVIO PADRÃO | COEFICIENTE DE VARIAÇÃO | PARÂMETRO UTILIZADO (MÍNIMO/MÉDIO) | SUBTOTAL EXCLUSIVO MEPP (F) - [B X D] | SUBTOTAL AMPLA CONCORRÊNCIA (G) - [C X E] | SUBTOTAL GERAL [F + G] |
|------|------------------------------------------------------------------------|-------|-----------|---------------------------------|---------------------------------------------|--------|--------|--------|--------|--------|------------------|-----------------|---------------|-------------------------|------------------------------------|---------------------------------------|-------------------------------------------|------------------------|
| 74 | DOSAGEM DE VITAMINA A (RETINOL) | EXAME | 768 | 768 | NÃO APLICÁVEL | 190,00 | 175,50 | 100,00 | 132,00 | 73,29 | 73,29 | 134,16 | 49,25 | 36,71% | MÍNIMO | R\$ 56.286,72 | - | R\$ 56.286,72 |
| 75 | DOSAGEM DE ZINCO | EXAME | 708 | 708 | NÃO APLICÁVEL | 99,00 | 41,60 | 45,00 | 28,00 | 89,50 | 28,00 | 60,62 | 31,53 | 52,01% | MÍNIMO | R\$ 19.824,00 | - | R\$ 19.824,00 |
| 76 | DOSAGEM DE METANEFRIAS URINÁRIA - FRAÇÕES NORMETANEFRIAS E METANEFRIAS | EXAME | 444 | 444 | NÃO APLICÁVEL | 230,00 | 179,40 | 145,00 | 570,00 | 191,77 | 145,00 | 263,23 | 174,16 | 66,16% | MÍNIMO | R\$ 64.380,00 | - | R\$ 64.380,00 |
| 77 | DOSAGEM DE PIRUVATOQUINASE ERITROCITÁRIA | EXAME | 420 | 105 | 315 | 320,00 | 239,20 | 440,00 | 201,00 | 350,00 | 201,00 | 310,04 | 94,20 | 30,38% | MÍNIMO | R\$ 21.105,00 | R\$ 63.315,00 | R\$ 84.420,00 |
| 78 | DOSAGEM FATOR X DA COAGULAÇÃO | EXAME | 756 | 189 | 567 | 268,00 | 174,20 | 260,00 | 168,00 | 140,46 | 140,46 | 202,13 | 57,96 | 28,67% | MÍNIMO | R\$ 26.546,94 | R\$ 79.640,82 | R\$ 106.187,76 |
| 79 | DOSAGEM FATOR XIII COAGULAÇÃO | EXAME | 180 | 180 | NÃO APLICÁVEL | 351,00 | 215,80 | 190,00 | 243,00 | 350,00 | 190,00 | 269,96 | 75,87 | 28,11% | MÍNIMO | R\$ 34.200,00 | - | R\$ 34.200,00 |
| 80 | ELETROFORESE DE HEMOGLOBINA | EXAME | 1032 | 1.032 | NÃO APLICÁVEL | 125,00 | 70,20 | 25,00 | 54,00 | 98,50 | 25,00 | 74,54 | 38,78 | 52,02% | MÍNIMO | R\$ 25.800,00 | - | R\$ 25.800,00 |
| 81 | Eletroforese de Lipoproteína | EXAME | 600 | 600 | NÃO APLICÁVEL | 142,00 | 57,20 | 65,00 | 60,00 | 97,50 | 57,20 | 84,34 | 36,06 | 42,75% | MÍNIMO | R\$ 34.320,00 | - | R\$ 34.320,00 |
| 82 | ELETROFORESE DE PROTEÍNAS SÉRICAS | EXAME | 1128 | 1.128 | NÃO APLICÁVEL | 105,00 | 58,50 | 45,00 | 30,00 | 88,80 | 30,00 | 65,46 | 30,95 | 47,29% | MÍNIMO | R\$ 33.840,00 | - | R\$ 33.840,00 |

Superintendência Estadual de Compras e Licitações
Coordenadoria de Pesquisa e Análise de Preços

| ITEM | DESCRIÇÃO | UNID | QUANT (A) | QUANT. DEST. EXCLUSIVA MEPEP (B) | QUANT. DEST. AMPLA CONCORRÊNCIA (C) - [A-B] | EMP 1 | EMP 2 | EMP 3 | EMP 4 | EMP 5 | PREÇO MÍNIMO (D) | PREÇO MÉDIO (E) | DESVIO PADRÃO | COEFICIENTE DE VARIAÇÃO | PARÂMETRO UTILIZADO (MÍNIMO/MÉDIO) | SUBTOTAL EXCLUSIVO MEPEP (F) - [B X D] | SUBTOTAL AMPLA CONCORRÊNCIA (G) - [C X E] | SUBTOTAL GERAL [F + G] |
|------|------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|-------|-----------|----------------------------------|---------------------------------------------|----------|----------|----------|----------|-----------|------------------|-----------------|---------------|-------------------------|------------------------------------|----------------------------------------|-------------------------------------------|------------------------|
| 83 | EXAME DE ARRAY CGH + SNP | EXAME | 180 | 45 | 135 | 6.800,00 | 5.714,80 | 4.250,00 | 4.748,40 | 12.000,00 | 4.250,00 | 6.702,64 | 3.117,76 | 46,52% | MÍNIMO | R\$ 191.250,00 | R\$ 573.750,00 | R\$ 765.000,00 |
| 84 | EXAME DE SNP-CG4 | EXAME | 180 | 45 | 135 | 9.030,00 | 5.714,80 | 4.250,00 | 4.748,40 | NC | 4.250,00 | 5.935,80 | 2.150,56 | 36,23% | MÍNIMO | R\$ 191.250,00 | R\$ 573.750,00 | R\$ 765.000,00 |
| 85 | EXAME SEQUENCIAMENTO DO EXOMA - (Mutações de ponto (substituições); Indels (pequenas deleções e duplicações); Análise de alteração do número de cópias (CNVs); mínimo de Genes analisados: Análise de aproximadamente ≥ 6 000 genes do genoma humano. (5969 genes nucleares + 37 genes mitocondriais) | EXAME | 180 | 45 | 135 | 7.250,00 | 6.536,40 | 9.784,67 | 5.028,00 | 12.250,00 | 5.028,00 | 8.169,81 | 2.856,61 | 34,97% | MÍNIMO | R\$ 226.260,00 | R\$ 678.780,00 | R\$ 905.040,00 |
| 86 | Exoma Clínico e o sequenciamento do genoma mitocondrial (Mutações de ponto (substituições); Indels (pequenas deleções e duplicações); CNVs (grandes deleções e duplicações); Análise de alteração do número de cópias (CNVs); Confirmação de variantes; Variantes Mitocondriais; Análise de achados incidentais; Análise de genes clinicamente mais relevantes). Mínimo de Genes analisados: Análise de ≥ 22 mil genes do genoma humano. | EXAME | 180 | 45 | 135 | 9.430,00 | 6.536,40 | 9.784,67 | 6.600,00 | 15.050,00 | 6.536,40 | 9.480,21 | 3.466,97 | 36,57% | MÍNIMO | R\$ 294.138,00 | R\$ 882.414,00 | R\$ 1.176.552,00 |
| 87 | FISH BCR-ABL t(9;22) - FISH para translocação BCR/ABL | EXAME | 324 | 81 | 243 | 4.856,40 | 2.544,10 | 1.400,00 | 2.251,20 | 6.590,08 | 1.400,00 | 3.528,36 | 2.137,03 | 60,57% | MÍNIMO | R\$ 113.400,00 | R\$ 340.200,00 | R\$ 453.600,00 |
| 88 | FISH para deleção/amplificação Leucemia linfocítica crônica: del(17p); TP53; (17p13.1) | EXAME | 408 | 102 | 306 | 1.884,00 | 1.652,30 | 2.122,00 | 4.234,80 | 2.625,00 | 1.652,30 | 2.503,62 | 1.032,72 | 41,25% | MÍNIMO | R\$ 168.534,60 | R\$ 505.603,80 | R\$ 674.138,40 |
| 89 | FISH PARA PESQUISA DE HIPERMUTAÇÃO DA IgH (cadeia pesada da imunoglobulina) - SCREENING S | EXAME | 384 | 96 | 288 | 2.470,00 | 2.342,60 | 3.015,00 | 2.358,00 | 4.200,00 | 2.342,60 | 2.877,12 | 788,88 | 27,42% | MÍNIMO | R\$ 224.889,60 | R\$ 674.668,80 | R\$ 899.558,40 |
| 90 | HLA B27 | EXAME | 180 | 180 | NÃO APLICÁVEL | 298,00 | 600,60 | 235,00 | 192,00 | 164,61 | 164,61 | 298,04 | 176,47 | 59,21% | MÍNIMO | R\$ 29.629,80 | - | R\$ 29.629,80 |
| 91 | HLA B51 | EXAME | 180 | 45 | 135 | 1.103,00 | 825,50 | 1.000,00 | 858,00 | 1.470,00 | 825,50 | 1.051,30 | 259,31 | 24,67% | MÍNIMO | R\$ 37.147,50 | R\$ 111.442,50 | R\$ 148.590,00 |

Superintendência Estadual de Compras e Licitações
Coordenadoria de Pesquisa e Análise de Preços

| ITEM | DESCRIÇÃO | UNID | QUANT (A) | QUANT. DEST. EXCLUSIVA MEPP (B) | QUANT. DEST. AMPLA CONCORRÊNCIA (C) - [A-B] | EMP 1 | EMP 2 | EMP 3 | EMP 4 | EMP 5 | PREÇO MÍNIMO (D) | PREÇO MÉDIO (E) | DESVIO PADRÃO | COEFICIENTE DE VARIAÇÃO | PARÂMETRO UTILIZADO (MÍNIMO/MÉDIO) | SUBTOTAL EXCLUSIVO MEPP (F) - [B X D] | SUBTOTAL AMPLA CONCORRÊNCIA (G) - [C X E] | SUBTOTAL GERAL [F + G] |
|------|-----------------------------------------------------------------------|-------|-----------|---------------------------------|---------------------------------------------|----------|----------|----------|----------|-----------|------------------|-----------------|---------------|-------------------------|------------------------------------|---------------------------------------|-------------------------------------------|------------------------|
| 92 | IGE COCHONILHA | EXAME | 180 | 180 | NÃO APLICÁVEL | 162,00 | 145,60 | 150,00 | 100,00 | 119,46 | 100,00 | 135,41 | 25,16 | 18,58% | MÉDIO | R\$ 24.373,80 | - | R\$ 24.373,80 |
| 93 | IMUNOFENOTIPAGEM - PAINEL PROLIFERATIVO - S, MEDULA ÓSSEA | EXAME | 1080 | 270 | 810 | 2.358,00 | 2.749,50 | 1.135,00 | 1.605,60 | 2.246,86 | 1.135,00 | 2.018,99 | 642,81 | 31,84% | MÍNIMO | R\$ 306.450,00 | R\$ 919.350,00 | R\$ 1.225.800,00 |
| 94 | IMUNOFENOTIPAGEM - PAINEL PROLIFERATIVO - S, SANGUE PERIFÉRICO | EXAME | 720 | 180 | 540 | 2.358,00 | 2.749,50 | 1.475,00 | 1.605,60 | 2.158,00 | 1.475,00 | 2.069,22 | 529,65 | 25,60% | MÍNIMO | R\$ 265.500,00 | R\$ 796.500,00 | R\$ 1.062.000,00 |
| 95 | IMUNOFIXAÇÃO DE PROTEÍNAS SÉRICAS | EXAME | 720 | 180 | 540 | 333,00 | 358,80 | 200,00 | 223,50 | 165,38 | 165,38 | 256,14 | 85,00 | 33,19% | MÍNIMO | R\$ 29.768,40 | R\$ 89.305,20 | R\$ 119.073,60 |
| 96 | IMUNOFLUORESCÊNCIA DIRETA DE BIOPSIA RENAL COM MICROSCOPIA ÓPTICA | EXAME | 180 | 45 | 135 | 2.276,00 | 1.843,40 | 1.400,00 | 1.552,00 | 2.620,28 | 1.400,00 | 1.938,34 | 506,74 | 26,14% | MÍNIMO | R\$ 63.000,00 | R\$ 189.000,00 | R\$ 252.000,00 |
| 97 | METANEFRINAS NO SANGUE | EXAME | 180 | 180 | NÃO APLICÁVEL | 722,00 | 629,20 | 365,00 | 570,00 | 770,00 | 365,00 | 611,24 | 158,22 | 25,88% | MÍNIMO | R\$ 65.700,00 | - | R\$ 65.700,00 |
| 98 | PAINEL DE IMUNODEFICIÊNCIAS PRIMÁRIAS COMPLETO Genes analisados (460) | EXAME | 324 | 81 | 243 | 6.200,00 | 5.200,00 | 7.200,00 | 4.276,80 | 10.500,00 | 4.276,80 | 6.675,36 | 2.400,98 | 35,97% | MÍNIMO | R\$ 346.420,80 | R\$ 1.039.262,40 | R\$ 1.385.683,20 |
| 99 | PAINEL DE MUTAÇÕES LINFÓIDES | EXAME | 300 | 75 | 225 | 2.358,00 | 8.021,00 | 2.530,00 | NC | NC | 2.358,00 | 4.303,00 | 3.221,03 | 74,86% | MÍNIMO | R\$ 176.850,00 | R\$ 530.550,00 | R\$ 707.400,00 |
| 100 | PAINEL DE MUTAÇÕES MIELÓIDES | EXAME | 300 | 75 | 225 | 8.575,00 | 8.021,00 | 2.530,00 | NC | 18.200,00 | 2.530,00 | 9.331,50 | 6.511,54 | 69,78% | MÍNIMO | R\$ 189.750,00 | R\$ 569.250,00 | R\$ 759.000,00 |

Superintendência Estadual de Compras e Licitações
Coordenadoria de Pesquisa e Análise de Preços

| ITEM | DESCRIÇÃO | UNID | QUANT (A) | QUANT. DEST. EXCLUSIVA MEPP (B) | QUANT. DEST. AMPLA CONCORRÊNCIA (C) - [A-B] | EMP 1 | EMP 2 | EMP 3 | EMP 4 | EMP 5 | PREÇO MÍNIMO (D) | PREÇO MÉDIO (E) | DESVIO PADRÃO | COEFICIENTE DE VARIAÇÃO | PARÂMETRO UTILIZADO (MÍNIMO/MÉDIO) | SUBTOTAL EXCLUSIVO MEPP (F) - [B X D] | SUBTOTAL AMPLA CONCORRÊNCIA (G) - [C X E] | SUBTOTAL GERAL [F + G] |
|------|-----------------------------------------------------------------------------------------------------|-------|-----------|---------------------------------|---------------------------------------------|----------|----------|----------|----------|----------|------------------|-----------------|---------------|-------------------------|------------------------------------|---------------------------------------|-------------------------------------------|------------------------|
| 101 | PCR ENTEROVÍRUS | EXAME | 360 | 90 | 270 | 1.405,00 | 1.112,80 | 1.500,00 | 1.171,50 | 1.470,00 | 1.112,80 | 1.331,86 | 177,77 | 13,35% | MÉDIO | R\$ 119.867,40 | R\$ 359.602,20 | R\$ 479.469,60 |
| 102 | PCR HVS (HERPES) | EXAME | 360 | 90 | 270 | 545,00 | 507,00 | 500,00 | 405,00 | 525,00 | 405,00 | 496,40 | 53,99 | 10,88% | MÉDIO | R\$ 44.676,00 | R\$ 134.028,00 | R\$ 178.704,00 |
| 103 | PEQUISA DE ANTICORPOS ANTI-ENDOMÍLIO IgA | EXAME | 636 | 636 | NÃO APLICÁVEL | 142,00 | 245,70 | 110,00 | 74,00 | 78,90 | 74,00 | 130,12 | 70,14 | 53,90% | MÍNIMO | R\$ 47.064,00 | - | R\$ 47.064,00 |
| 104 | PEQUISA DE ANTICORPOS ANTI-ENDOMÍLIO IgG | EXAME | 636 | 636 | NÃO APLICÁVEL | 142,00 | 245,70 | 110,00 | 74,00 | 78,90 | 74,00 | 130,12 | 70,14 | 53,90% | MÍNIMO | R\$ 47.064,00 | - | R\$ 47.064,00 |
| 105 | PEQUISA DE ANTICORPOS ANTI-ENDOMÍLIO IgM | EXAME | 636 | 636 | NÃO APLICÁVEL | 190,00 | 245,70 | 110,00 | 132,00 | 170,07 | 110,00 | 169,55 | 52,85 | 31,17% | MÍNIMO | R\$ 69.960,00 | - | R\$ 69.960,00 |
| 106 | PESQUISA ANTICORPOS ANTI-ACTINA | EXAME | 420 | 420 | NÃO APLICÁVEL | 434,00 | 312,00 | 163,00 | 316,00 | 455,00 | 163,00 | 336,00 | 116,91 | 34,79% | MÍNIMO | R\$ 68.460,00 | - | R\$ 68.460,00 |
| 107 | PESQUISA CROMOSSÔMICA/MOLECULAR DO X FRÁGIL | EXAME | 180 | 45 | 135 | 1.932,00 | 2.428,40 | 1.175,00 | 4.756,80 | 1.575,00 | 1.175,00 | 2.373,44 | 1.409,97 | 59,41% | MÍNIMO | R\$ 52.875,00 | R\$ 158.625,00 | R\$ 211.500,00 |
| 108 | Pesquisa de FISH PARA LEUCEMIA AGUDA TRANSLOCAÇÕES t(8;21), t(15;17), t(16;16), inv (16) | EXAME | 180 | 45 | 135 | 6.073,00 | 3.970,20 | 6.590,00 | 4.234,80 | 9.800,00 | 3.970,20 | 6.133,60 | 2.342,02 | 38,18% | MÍNIMO | R\$ 178.659,00 | R\$ 535.977,00 | R\$ 714.636,00 |
| 109 | Pesquisa de FISH PARA TRANSLOCAÇÃO MIELOMA MÚLTIPLO: t(4;14), t(11;14), t(14;16) t(14;18). IGH/MAF, | EXAME | 180 | 45 | 135 | 2.476,00 | 2.342,60 | 6.000,00 | 1.688,40 | 3.500,00 | 1.688,40 | 3.201,40 | 1.693,68 | 52,90% | MÍNIMO | R\$ 75.978,00 | R\$ 227.934,00 | R\$ 303.912,00 |

Superintendência Estadual de Compras e Licitações
Coordenadoria de Pesquisa e Análise de Preços

| ITEM | DESCRIÇÃO | UNID | QUANT. (A) | QUANT. DEST. EXCLUSIVA MEPEP (B) | QUANT. DEST. AMPLA CONCORRÊNCIA (C) - [A-B] | EMP 1 | EMP 2 | EMP 3 | EMP 4 | EMP 5 | PREÇO MÍNIMO (D) | PREÇO MÉDIO (E) | DESVIO PADRÃO | COEFICIENTE DE VARIAÇÃO | PARÂMETRO UTILIZADO (MÍNIMO/MÉDIO) | SUBTOTAL EXCLUSIVO MEPEP (F) - [B X D] | SUBTOTAL AMPLA CONCORRÊNCIA (G) - [C X E] | SUBTOTAL GERAL [F + G] |
|------|---------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|-------|------------|----------------------------------|---------------------------------------------|----------|----------|----------|----------|----------|------------------|-----------------|---------------|-------------------------|------------------------------------|----------------------------------------|-------------------------------------------|------------------------|
| 110 | Pesquisa de MLPA de APC (polipose adenomatosa familiar (PAF) - mínimo de Genes Analisados: APC | EXAME | 180 | 45 | 135 | 4.856,00 | 5.349,50 | 3.000,00 | NC | 3.850,00 | 3.000,00 | 4.263,88 | 1.048,47 | 24,59% | MÍNIMO | R\$ 135.000,00 | R\$ 405.000,00 | R\$ 540.000,00 |
| 111 | Pesquisa de MLPA de BRCA1 (câncer de mama e ovário hereditário. Variantes patogênicas em heterozigose no gene BRCA1) - mínimo de Genes Analisados: BRCA1 | EXAME | 180 | 45 | 135 | 2.435,00 | 1.950,00 | 5.548,00 | 2.756,40 | 3.325,00 | 1.950,00 | 3.202,88 | 1.402,96 | 43,80% | MÍNIMO | R\$ 87.750,00 | R\$ 263.250,00 | R\$ 351.000,00 |
| 112 | Pesquisa de MLPA de BRCA2 (câncer de mama e ovário hereditário. Variantes patogênicas em heterozigose no gene BRCA2) - mínimo de Genes Analisados: BRCA2 | EXAME | 180 | 45 | 135 | 2.435,00 | 1.950,00 | 5.548,00 | 2.756,40 | 3.325,00 | 1.950,00 | 3.202,88 | 1.402,96 | 43,80% | MÍNIMO | R\$ 87.750,00 | R\$ 263.250,00 | R\$ 351.000,00 |
| 113 | Pesquisa de MLPA de BRIP1 (câncer de mama hereditário. Variantes patogênicas em heterozigose no gene BRIP1) - mínimo de Genes Analisados: BRIP1 | EXAME | 180 | 45 | 135 | NC | 4.126,20 | 7.058,00 | 2.484,00 | NC | 2.484,00 | 4.556,07 | 2.317,10 | 50,86% | MÍNIMO | R\$ 111.780,00 | R\$ 335.340,00 | R\$ 447.120,00 |
| 114 | Pesquisa de MLPA de CDH1 (câncer gástrico difuso hereditário (CDH1) - mínimo de Genes Analisados: CDH1 | EXAME | 180 | 45 | 135 | 5.301,00 | 4.355,00 | 1.128,00 | 846,00 | 9.450,00 | 846,00 | 4.216,00 | 3.517,24 | 83,43% | MÍNIMO | R\$ 38.070,00 | R\$ 114.210,00 | R\$ 152.280,00 |
| 115 | Pesquisa de MLPA de CDK4 (melanoma maligno cutâneo. Variantes patogênicas em heterozigose no gene CDK4) - mínimo de Genes Analisados: CDK4 | EXAME | 180 | 45 | 135 | NC | 7.768,80 | 6.120,00 | 2.484,00 | NC | 2.484,00 | 5.457,60 | 2.703,95 | 49,54% | MÍNIMO | R\$ 111.780,00 | R\$ 335.340,00 | R\$ 447.120,00 |
| 116 | Pesquisa de MLPA de CDKN2A (melanoma maligno cutâneo familiar. Variantes patogênicas em heterozigose no gene CDKN2A) - mínimo de Genes Analisados: CDKN2A | EXAME | 180 | 45 | 135 | NC | 1.887,60 | 2.650,00 | 2.484,00 | 3.150,00 | 1.887,60 | 2.542,90 | 520,55 | 20,47% | MÉDIO | R\$ 114.430,50 | R\$ 343.291,50 | R\$ 457.722,00 |
| 117 | Pesquisa de MLPA de CHEK2 (câncer de mama e próstata hereditário. Variantes patogênicas em heterozigose no gene CHEK2 (Checkpoint Kinase 2) - mínimo de Genes Analisados: CHEK2 | EXAME | 180 | 45 | 135 | 5.540,00 | 4.641,00 | 6.426,00 | 3.855,60 | 8.750,00 | 3.855,60 | 5.842,52 | 1.889,24 | 32,34% | MÍNIMO | R\$ 173.502,00 | R\$ 520.506,00 | R\$ 694.008,00 |
| 118 | Pesquisa de MLPA de MEN1 (neoplasia endócrina múltipla tipo 1. Variantes patogênicas em heterozigose no gene MEN1) - mínimo de Genes Analisados: MEN1 | EXAME | 180 | 45 | 135 | 5.841,00 | 4.641,00 | 1.286,00 | 3.855,60 | NC | 1.286,00 | 3.905,90 | 1.927,99 | 49,36% | MÍNIMO | R\$ 57.870,00 | R\$ 173.610,00 | R\$ 231.480,00 |

Superintendência Estadual de Compras e Licitações
Coordenadoria de Pesquisa e Análise de Preços

| ITEM | DESCRIÇÃO | UNID | QUANT (A) | QUANT. DEST. EXCLUSIVA MEIEPP (B) | QUANT. DEST. AMPLA CONCORRÊNCIA (C) - [A-B] | EMP 1 | EMP 2 | EMP 3 | EMP 4 | EMP 5 | PREÇO MÍNIMO (D) | PREÇO MÉDIO (E) | DESVIO PADRÃO | COEFICIENTE DE VARIAÇÃO | PARÂMETRO UTILIZADO (MÍNIMO/MÉDIO) | SUBTOTAL EXCLUSIVO MEIEPP (F) - [B X D] | SUBTOTAL AMPLA CONCORRÊNCIA (G) - [C X E] | SUBTOTAL GERAL [F + G] |
|------|-----------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|-------|-----------|-----------------------------------|---------------------------------------------|----------|----------|----------|----------|----------|------------------|-----------------|---------------|-------------------------|------------------------------------|-----------------------------------------|-------------------------------------------|------------------------|
| 119 | Pesquisa de MLPA de MET (carcinoma papilar das células renais com suspeita de câncer hereditário. Variantes patogênicas em heterozigose no gene MET) - mínimo de Genes Analisados: MET | EXAME | 180 | 45 | 135 | 5.867,00 | 4.641,00 | 6.426,00 | 3.855,60 | 7.350,00 | 3.855,60 | 5.627,92 | 1.394,16 | 24,77% | MÍNIMO | R\$ 173.502,00 | R\$ 520.506,00 | R\$ 694.008,00 |
| 120 | Pesquisa de MLPA de MLH1 (câncer colorretal não-polipóide hereditário (HNPCC) - suspeita de síndrome de Lynch e outros tipos de câncer hereditário. Variantes patogênicas em heterozigose no gene MLH1) - mínimo de Genes Analisados: MLH1 | EXAME | 180 | 45 | 135 | 2.621,00 | 5.349,50 | 2.990,00 | 1.579,50 | 2.625,00 | 1.579,50 | 3.033,00 | 1.397,94 | 46,09% | MÍNIMO | R\$ 71.077,50 | R\$ 213.232,50 | R\$ 284.310,00 |
| 121 | Pesquisa de MLPA de MSH2 (câncer colorretal não-polipóide hereditário (HNPCC) - suspeita de síndrome de Lynch e outros tipos de câncer hereditário. Variantes patogênicas em heterozigose no gene MSH2) - mínimo de Genes Analisados: MSH2 | EXAME | 180 | 45 | 135 | 2.621,00 | 5.349,50 | 2.990,00 | 1.943,50 | 2.625,00 | 1.943,50 | 3.105,80 | 1.310,03 | 42,18% | MÍNIMO | R\$ 87.457,50 | R\$ 262.372,50 | R\$ 349.830,00 |
| 122 | Pesquisa de MLPA de MSH6 (câncer colorretal não-polipóide hereditário (HNPCC) - suspeita de síndrome de Lynch e outros tipos de câncer hereditário. Variantes patogênicas em heterozigose no gene MSH6) - mínimo de Genes Analisados: MSH6 | EXAME | 180 | 45 | 135 | 5.540,00 | 4.641,00 | 6.426,00 | 3.855,60 | 8.750,00 | 3.855,60 | 5.842,52 | 1.889,24 | 32,34% | MÍNIMO | R\$ 173.502,00 | R\$ 520.506,00 | R\$ 694.008,00 |
| 123 | Pesquisa de MLPA de MUTYH (polipose adenomatosa familiar (PAF) trato gastrointestinal, principalmente no cólon. Variantes patogênicas em heterozigose no gene MUTYH) - mínimo de Genes Analisados: MUTYH | EXAME | 180 | 45 | 135 | 5.540,00 | 4.641,00 | 6.426,00 | NC | 5.600,00 | 4.641,00 | 5.551,75 | 729,44 | 13,14% | MÉDIO | R\$ 249.828,75 | R\$ 749.486,25 | R\$ 999.315,00 |
| 124 | Pesquisa de MLPA de PALB2 (câncer de mama e ovário hereditário. Variantes patogênicas em heterozigose no gene PALB2) - mínimo de Genes Analisados: PALB2 | EXAME | 180 | 45 | 135 | 5.301,00 | 4.355,00 | 6.138,00 | 3.682,80 | 9.450,00 | 3.682,80 | 5.785,36 | 2.250,29 | 38,90% | MÍNIMO | R\$ 165.726,00 | R\$ 497.178,00 | R\$ 662.904,00 |
| 125 | Pesquisa de MLPA de PMS2 (câncer colorretal não-polipóide hereditário (HNPCC) - suspeita de síndrome de Lynch e outros tipos de câncer hereditário. Variantes patogênicas em heterozigose no gene PMS2) - mínimo de Genes Analisados: PMS2 | EXAME | 180 | 45 | 135 | 5.540,00 | 4.641,00 | 6.426,00 | 3.855,60 | 8.750,00 | 3.855,60 | 5.842,52 | 1.889,24 | 32,34% | MÍNIMO | R\$ 173.502,00 | R\$ 520.506,00 | R\$ 694.008,00 |
| 126 | Pesquisa de MLPA de PTEN (síndrome de Cowden, síndrome de Bannayan-Riley-Ruvalcaba, síndrome autismo-macrocefalia, síndrome de Proteus, entre outras) Variantes patogênicas em heterozigose no gene PTEN) - mínimo de Genes Analisados: PTEN | EXAME | 180 | 45 | 135 | 4.856,00 | 3.770,00 | 6.426,00 | 3.369,60 | 5.250,00 | 3.369,60 | 4.734,32 | 1.218,08 | 25,73% | MÍNIMO | R\$ 151.632,00 | R\$ 454.896,00 | R\$ 606.528,00 |
| 127 | Pesquisa de MLPA de RB1 (Retinoblastoma hereditário. Variantes patogênicas em heterozigose no gene RB1) - mínimo de Genes Analisados: RB1 | EXAME | 180 | 45 | 135 | 5.117,00 | 3.770,00 | 5.616,00 | 3.369,60 | 7.350,00 | 3.369,60 | 5.044,52 | 1.587,20 | 31,46% | MÍNIMO | R\$ 151.632,00 | R\$ 454.896,00 | R\$ 606.528,00 |

Superintendência Estadual de Compras e Licitações
Coordenadoria de Pesquisa e Análise de Preços

| ITEM | DESCRIÇÃO | UNID | QUANT. (A) | QUANT. DEST. EXCLUSIVA MEPEP (B) | QUANT. DEST. AMPLA CONCORRÊNCIA (C) - [A-B] | EMP 1 | EMP 2 | EMP 3 | EMP 4 | EMP 5 | PREÇO MÍNIMO (D) | PREÇO MÉDIO (E) | DESVIO PADRÃO | COEFICIENTE DE VARIAÇÃO | PARÂMETRO UTILIZADO (MÍNIMO/MÉDIO) | SUBTOTAL EXCLUSIVO MEPEP (F) - [B X D] | SUBTOTAL AMPLA CONCORRÊNCIA (G) - [C X E] | SUBTOTAL GERAL [F + G] |
|------|------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|-------|------------|----------------------------------|---------------------------------------------|----------|----------|----------|----------|-----------|------------------|-----------------|---------------|-------------------------|------------------------------------|----------------------------------------|-------------------------------------------|------------------------|
| 128 | Pesquisa de MLPA de RET (neoplasia endócrina múltipla tipo 2 (MEN2), carcinoma medular de tireóide e feocromocitoma hereditários. Variantes detectadas somente no exame de sequenciamento do gene RET) - mínimo de Genes Analisados: RET | EXAME | 180 | 45 | 135 | 5.540,00 | 4.641,00 | 4.594,00 | 3.855,60 | 8.750,00 | 3.855,60 | 5.476,12 | 1.925,10 | 35,15% | MÍNIMO | R\$ 173.502,00 | R\$ 520.506,00 | R\$ 694.008,00 |
| 129 | Pesquisa de MLPA de SDHB (paraganglioma não-sindrômico, síndrome de Cowden, tumor estromal Gastrointestinal e outros cânceres relacionados .A Síndrome de Peutz-Jeghers (SPJ) ou outras formas de câncer hereditário. síndrome do paraganglioma-feocromocitoma hereditário (PGL/FEO) e outras doenças relacionadas ao SDHB. Variantes no gene SDHB estão associadas à PGL/FEO) - mínimo de Genes Analisados: SDHB | EXAME | 180 | 45 | 135 | NC | 3.497,00 | 7.058,00 | 4.100,00 | NC | 3.497,00 | 4.885,00 | 1.905,87 | 39,01% | MÍNIMO | R\$ 157.365,00 | R\$ 472.095,00 | R\$ 629.460,00 |
| 130 | Pesquisa de MLPA de STK11 (polipose gastrointestinal, pigmentação cutâneo-mucosa e predisposição ao câncerA Síndrome de Peutz-Jeghers (SPJ) ou outras formas de câncer hereditário. Variantes patogênicas em heterozigose no gene STK11) - mínimo de Genes Analisados: STK11 | EXAME | 180 | 45 | 135 | 5.301,00 | 4.355,00 | 6.138,00 | 3.682,80 | 9.450,00 | 3.682,80 | 5.785,36 | 2.250,29 | 38,90% | MÍNIMO | R\$ 165.726,00 | R\$ 497.178,00 | R\$ 662.904,00 |
| 131 | Pesquisa de MLPA de TP53 (carcinoma adrenocortical, câncer de mama, tumores do sistema nervoso central, osteosarcomas e sarcomas de tecidos moles - suspeita de síndrome de Li-Fraumeni ou outras formas de câncer hereditário. Variantes patogênicas em heterozigose no gene TP53) - mínimo de Genes Analisados: TP53 | EXAME | 180 | 45 | 135 | 5.540,00 | 4.641,00 | 6.426,00 | 3.855,60 | 8.750,00 | 3.855,60 | 5.842,52 | 1.889,24 | 32,34% | MÍNIMO | R\$ 173.502,00 | R\$ 520.506,00 | R\$ 694.008,00 |
| 132 | Pesquisa de MLPA de WT1 (tumor de Wilms e doenças relacionadas. Variantes patogênicas heterozigose no gene WT1 cursam com risco aumentado para tumor de Wilms e podem ainda cursar com as síndromes de Denys-Drash, de Frasier, de Meacham e síndrome nefrótica tipo 4) - mínimo de Genes Analisados: WT1 | EXAME | 180 | 45 | 135 | NC | 6.600,10 | 4.594,00 | 2.756,40 | 6.300,00 | 2.756,40 | 5.062,63 | 1.773,25 | 35,03% | MÍNIMO | R\$ 124.038,00 | R\$ 372.114,00 | R\$ 496.152,00 |
| 133 | Pesquisa de Pannel de Câncer de Próstata Hereditário HRR (20 genes relacionados a câncer de próstata hereditário) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ATM BARD1 BRCA1 BRCA2 BRIP1 CDK12 CHEK1 CHEK2 EPCAM FANCL MLH1 MSH2 MSH6 PALB2 PMS2 RAD51B RAD51C RAD51D RAD54L TP53 | EXAME | 180 | 45 | 135 | 6.073,00 | 5.096,00 | 7.034,00 | 4.234,80 | 9.450,00 | 4.234,80 | 6.377,56 | 2.012,30 | 31,55% | MÍNIMO | R\$ 190.566,00 | R\$ 571.698,00 | R\$ 762.264,00 |
| 134 | Pesquisa de Pannel de Câncer Hereditário (Completo) (265 genes relacionados a câncer hereditário, incluindo formas mais raras como melanoma hereditário, feocromocitoma, doença de Von Hippel Lindau, paraganglioma, cilindromatose, síndrome de Birt-Hogg-Dubé, complexo de Carney, xeroderma pigmentoso, tumor teratóide rabdóide, síndrome hereditária de leiomiomatose e câncer renal, osteocondromatose múltipla (exostose múltipla), entre outras) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: APC ATM BARD1 BRCA1 BRCA2 BRIP1 CDK12 CHEK1 CHEK2 EPCAM FANCL MLH1 MSH2 MSH6 PALB2 PMS2 RAD51B RAD51C RAD51D RAD54L TP53 | EXAME | 180 | 45 | 135 | 3.308,00 | NC | NC | 2.462,40 | NC | 2.462,40 | 2.885,20 | 597,83 | 20,72% | MÉDIO | R\$ 129.834,00 | R\$ 389.502,00 | R\$ 519.336,00 |
| 135 | Pesquisa de Pannel de Câncer Hereditário (Principais Genes) (genes relacionados às formas mais comuns de predisposição hereditária ao câncer, incluindo os cânceres de mama, ovário, endométrio, intestino/colorectal (formas polipóides e não-polipóides), próstata, gástrico, neoplasia endócrina múltipla (MEN1), pâncreas, Síndrome de Li-Fraumeni, entre outras) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: APC ATM BAP1 BARD1 BLM BMPR1A BRCA1 BRCA2 BRIP1 CDK12 CDKN2A CHEK1 CHEK2 EPCAM FANCL FANCA FANCF FANCG FANCI FANCD1 FANCD2 FANCD3 FANCD4 FANCD5 FANCD6 FANCD7 FANCD8 FANCD9 FANCD10 FANCD11 FANCD12 FANCD13 FANCD14 FANCD15 FANCD16 FANCD17 FANCD18 FANCD19 FANCD20 FANCD21 FANCD22 FANCD23 FANCD24 FANCD25 FANCD26 FANCD27 FANCD28 FANCD29 FANCD30 FANCD31 FANCD32 FANCD33 FANCD34 FANCD35 FANCD36 FANCD37 FANCD38 FANCD39 FANCD40 FANCD41 FANCD42 FANCD43 FANCD44 FANCD45 FANCD46 FANCD47 FANCD48 FANCD49 FANCD50 FANCD51 FANCD52 FANCD53 FANCD54 FANCD55 FANCD56 FANCD57 FANCD58 FANCD59 FANCD60 FANCD61 FANCD62 FANCD63 FANCD64 FANCD65 FANCD66 FANCD67 FANCD68 FANCD69 FANCD70 FANCD71 FANCD72 FANCD73 FANCD74 FANCD75 FANCD76 FANCD77 FANCD78 FANCD79 FANCD80 FANCD81 FANCD82 FANCD83 FANCD84 FANCD85 FANCD86 FANCD87 FANCD88 FANCD89 FANCD90 FANCD91 FANCD92 FANCD93 FANCD94 FANCD95 FANCD96 FANCD97 FANCD98 FANCD99 FANCD100 FANCD101 FANCD102 FANCD103 FANCD104 FANCD105 FANCD106 FANCD107 FANCD108 FANCD109 FANCD110 FANCD111 FANCD112 FANCD113 FANCD114 FANCD115 FANCD116 FANCD117 FANCD118 FANCD119 FANCD120 FANCD121 FANCD122 FANCD123 FANCD124 FANCD125 FANCD126 FANCD127 FANCD128 FANCD129 FANCD130 FANCD131 FANCD132 FANCD133 FANCD134 FANCD135 FANCD136 FANCD137 FANCD138 FANCD139 FANCD140 FANCD141 FANCD142 FANCD143 FANCD144 FANCD145 FANCD146 FANCD147 FANCD148 FANCD149 FANCD150 FANCD151 FANCD152 FANCD153 FANCD154 FANCD155 FANCD156 FANCD157 FANCD158 FANCD159 FANCD160 FANCD161 FANCD162 FANCD163 FANCD164 FANCD165 FANCD166 FANCD167 FANCD168 FANCD169 FANCD170 FANCD171 FANCD172 FANCD173 FANCD174 FANCD175 FANCD176 FANCD177 FANCD178 FANCD179 FANCD180 FANCD181 FANCD182 FANCD183 FANCD184 FANCD185 FANCD186 FANCD187 FANCD188 FANCD189 FANCD190 FANCD191 FANCD192 FANCD193 FANCD194 FANCD195 FANCD196 FANCD197 FANCD198 FANCD199 FANCD200 FANCD201 FANCD202 FANCD203 FANCD204 FANCD205 FANCD206 FANCD207 FANCD208 FANCD209 FANCD210 FANCD211 FANCD212 FANCD213 FANCD214 FANCD215 FANCD216 FANCD217 FANCD218 FANCD219 FANCD220 FANCD221 FANCD222 FANCD223 FANCD224 FANCD225 FANCD226 FANCD227 FANCD228 FANCD229 FANCD230 FANCD231 FANCD232 FANCD233 FANCD234 FANCD235 FANCD236 FANCD237 FANCD238 FANCD239 FANCD240 FANCD241 FANCD242 FANCD243 FANCD244 FANCD245 FANCD246 FANCD247 FANCD248 FANCD249 FANCD250 FANCD251 FANCD252 FANCD253 FANCD254 FANCD255 FANCD256 FANCD257 FANCD258 FANCD259 FANCD260 FANCD261 FANCD262 FANCD263 FANCD264 FANCD265 FANCD266 FANCD267 FANCD268 FANCD269 FANCD270 FANCD271 FANCD272 FANCD273 FANCD274 FANCD275 FANCD276 FANCD277 FANCD278 FANCD279 FANCD280 FANCD281 FANCD282 FANCD283 FANCD284 FANCD285 FANCD286 FANCD287 FANCD288 FANCD289 FANCD290 FANCD291 FANCD292 FANCD293 FANCD294 FANCD295 FANCD296 FANCD297 FANCD298 FANCD299 FANCD300 FANCD301 FANCD302 FANCD303 FANCD304 FANCD305 FANCD306 FANCD307 FANCD308 FANCD309 FANCD310 FANCD311 FANCD312 FANCD313 FANCD314 FANCD315 FANCD316 FANCD317 FANCD318 FANCD319 FANCD320 FANCD321 FANCD322 FANCD323 FANCD324 FANCD325 FANCD326 FANCD327 FANCD328 FANCD329 FANCD330 FANCD331 FANCD332 FANCD333 FANCD334 FANCD335 FANCD336 FANCD337 FANCD338 FANCD339 FANCD340 FANCD341 FANCD342 FANCD343 FANCD344 FANCD345 FANCD346 FANCD347 FANCD348 FANCD349 FANCD350 FANCD351 FANCD352 FANCD353 FANCD354 FANCD355 FANCD356 FANCD357 FANCD358 FANCD359 FANCD360 FANCD361 FANCD362 FANCD363 FANCD364 FANCD365 FANCD366 FANCD367 FANCD368 FANCD369 FANCD370 FANCD371 FANCD372 FANCD373 FANCD374 FANCD375 FANCD376 FANCD377 FANCD378 FANCD379 FANCD380 FANCD381 FANCD382 FANCD383 FANCD384 FANCD385 FANCD386 FANCD387 FANCD388 FANCD389 FANCD390 FANCD391 FANCD392 FANCD393 FANCD394 FANCD395 FANCD396 FANCD397 FANCD398 FANCD399 FANCD400 FANCD401 FANCD402 FANCD403 FANCD404 FANCD405 FANCD406 FANCD407 FANCD408 FANCD409 FANCD410 FANCD411 FANCD412 FANCD413 FANCD414 FANCD415 FANCD416 FANCD417 FANCD418 FANCD419 FANCD420 FANCD421 FANCD422 FANCD423 FANCD424 FANCD425 FANCD426 FANCD427 FANCD428 FANCD429 FANCD430 FANCD431 FANCD432 FANCD433 FANCD434 FANCD435 FANCD436 FANCD437 FANCD438 FANCD439 FANCD440 FANCD441 FANCD442 FANCD443 FANCD444 FANCD445 FANCD446 FANCD447 FANCD448 FANCD449 FANCD450 FANCD451 FANCD452 FANCD453 FANCD454 FANCD455 FANCD456 FANCD457 FANCD458 FANCD459 FANCD460 FANCD461 FANCD462 FANCD463 FANCD464 FANCD465 FANCD466 FANCD467 FANCD468 FANCD469 FANCD470 FANCD471 FANCD472 FANCD473 FANCD474 FANCD475 FANCD476 FANCD477 FANCD478 FANCD479 FANCD480 FANCD481 FANCD482 FANCD483 FANCD484 FANCD485 FANCD486 FANCD487 FANCD488 FANCD489 FANCD490 FANCD491 FANCD492 FANCD493 FANCD494 FANCD495 FANCD496 FANCD497 FANCD498 FANCD499 FANCD500 FANCD501 FANCD502 FANCD503 FANCD504 FANCD505 FANCD506 FANCD507 FANCD508 FANCD509 FANCD510 FANCD511 FANCD512 FANCD513 FANCD514 FANCD515 FANCD516 FANCD517 FANCD518 FANCD519 FANCD520 FANCD521 FANCD522 FANCD523 FANCD524 FANCD525 FANCD526 FANCD527 FANCD528 FANCD529 FANCD530 FANCD531 FANCD532 FANCD533 FANCD534 FANCD535 FANCD536 FANCD537 FANCD538 FANCD539 FANCD540 FANCD541 FANCD542 FANCD543 FANCD544 FANCD545 FANCD546 FANCD547 FANCD548 FANCD549 FANCD550 FANCD551 FANCD552 FANCD553 FANCD554 FANCD555 FANCD556 FANCD557 FANCD558 FANCD559 FANCD560 FANCD561 FANCD562 FANCD563 FANCD564 FANCD565 FANCD566 FANCD567 FANCD568 FANCD569 FANCD570 FANCD571 FANCD572 FANCD573 FANCD574 FANCD575 FANCD576 FANCD577 FANCD578 FANCD579 FANCD580 FANCD581 FANCD582 FANCD583 FANCD584 FANCD585 FANCD586 FANCD587 FANCD588 FANCD589 FANCD590 FANCD591 FANCD592 FANCD593 FANCD594 FANCD595 FANCD596 FANCD597 FANCD598 FANCD599 FANCD600 FANCD601 FANCD602 FANCD603 FANCD604 FANCD605 FANCD606 FANCD607 FANCD608 FANCD609 FANCD610 FANCD611 FANCD612 FANCD613 FANCD614 FANCD615 FANCD616 FANCD617 FANCD618 FANCD619 FANCD620 FANCD621 FANCD622 FANCD623 FANCD624 FANCD625 FANCD626 FANCD627 FANCD628 FANCD629 FANCD630 FANCD631 FANCD632 FANCD633 FANCD634 FANCD635 FANCD636 FANCD637 FANCD638 FANCD639 FANCD640 FANCD641 FANCD642 FANCD643 FANCD644 FANCD645 FANCD646 FANCD647 FANCD648 FANCD649 FANCD650 FANCD651 FANCD652 FANCD653 FANCD654 FANCD655 FANCD656 FANCD657 FANCD658 FANCD659 FANCD660 FANCD661 FANCD662 FANCD663 FANCD664 FANCD665 FANCD666 FANCD667 FANCD668 FANCD669 FANCD670 FANCD671 FANCD672 FANCD673 FANCD674 FANCD675 FANCD676 FANCD677 FANCD678 FANCD679 FANCD680 FANCD681 FANCD682 FANCD683 FANCD684 FANCD685 FANCD686 FANCD687 FANCD688 FANCD689 FANCD690 FANCD691 FANCD692 FANCD693 FANCD694 FANCD695 FANCD696 FANCD697 FANCD698 FANCD699 FANCD700 FANCD701 FANCD702 FANCD703 FANCD704 FANCD705 FANCD706 FANCD707 FANCD708 FANCD709 FANCD710 FANCD711 FANCD712 FANCD713 FANCD714 FANCD715 FANCD716 FANCD717 FANCD718 FANCD719 FANCD720 FANCD721 FANCD722 FANCD723 FANCD724 FANCD725 FANCD726 FANCD727 FANCD728 FANCD729 FANCD730 FANCD731 FANCD732 FANCD733 FANCD734 FANCD735 FANCD736 FANCD737 FANCD738 FANCD739 FANCD740 FANCD741 FANCD742 FANCD743 FANCD744 FANCD745 FANCD746 FANCD747 FANCD748 FANCD749 FANCD750 FANCD751 FANCD752 FANCD753 FANCD754 FANCD755 FANCD756 FANCD757 FANCD758 FANCD759 FANCD760 FANCD761 FANCD762 FANCD763 FANCD764 FANCD765 FANCD766 FANCD767 FANCD768 FANCD769 FANCD770 FANCD771 FANCD772 FANCD773 FANCD774 FANCD775 FANCD776 FANCD777 FANCD778 FANCD779 FANCD780 FANCD781 FANCD782 FANCD783 FANCD784 FANCD785 FANCD786 FANCD787 FANCD788 FANCD789 FANCD790 FANCD791 FANCD792 FANCD793 FANCD794 FANCD795 FANCD796 FANCD797 FANCD798 FANCD799 FANCD800 FANCD801 FANCD802 FANCD803 FANCD804 FANCD805 FANCD806 FANCD807 FANCD808 FANCD809 FANCD810 FANCD811 FANCD812 FANCD813 FANCD814 FANCD815 FANCD816 FANCD817 FANCD818 FANCD819 FANCD820 FANCD821 FANCD822 FANCD823 FANCD824 FANCD825 FANCD826 FANCD827 FANCD828 FANCD829 FANCD830 FANCD831 FANCD832 FANCD833 FANCD834 FANCD835 FANCD836 FANCD837 FANCD838 FANCD839 FANCD840 FANCD841 FANCD842 FANCD843 FANCD844 FANCD845 FANCD846 FANCD847 FANCD848 FANCD849 FANCD850 FANCD851 FANCD852 FANCD853 FANCD854 FANCD855 FANCD856 FANCD857 FANCD858 FANCD859 FANCD860 FANCD861 FANCD862 FANCD863 FANCD864 FANCD865 FANCD866 FANCD867 FANCD868 FANCD869 FANCD870 FANCD871 FANCD872 FANCD873 FANCD874 FANCD875 FANCD876 FANCD877 FANCD878 FANCD879 FANCD880 FANCD881 FANCD882 FANCD883 FANCD884 FANCD885 FANCD886 FANCD887 FANCD888 FANCD889 FANCD890 FANCD891 FANCD892 FANCD893 FANCD894 FANCD895 FANCD896 FANCD897 FANCD898 FANCD899 FANCD900 FANCD901 FANCD902 FANCD903 FANCD904 FANCD905 FANCD906 FANCD907 FANCD908 FANCD909 FANCD910 FANCD911 FANCD912 FANCD913 FANCD914 FANCD915 FANCD916 FANCD917 FANCD918 FANCD919 FANCD920 FANCD921 FANCD922 FANCD923 FANCD924 FANCD925 FANCD926 FANCD927 FANCD928 FANCD929 FANCD930 FANCD931 FANCD932 FANCD933 FANCD934 FANCD935 FANCD936 FANCD937 FANCD938 FANCD939 FANCD940 FANCD941 FANCD942 FANCD943 FANCD944 FANCD945 FANCD946 FANCD947 FANCD948 FANCD949 FANCD950 FANCD951 FANCD952 FANCD953 FANCD954 FANCD955 FANCD956 FANCD957 FANCD958 FANCD959 FANCD960 FANCD961 FANCD962 FANCD963 FANCD964 FANCD965 FANCD966 FANCD967 FANCD968 FANCD969 FANCD970 FANCD971 FANCD972 FANCD973 FANCD974 FANCD975 FANCD976 FANCD977 FANCD978 FANCD979 FANCD980 FANCD981 FANCD982 FANCD983 FANCD984 FANCD985 FANCD986 FANCD987 FANCD988 FANCD989 FANCD990 FANCD991 FANCD992 FANCD993 FANCD994 FANCD995 FANCD996 FANCD997 FANCD998 FANCD999 FANCD1000 | EXAME | 180 | 45 | 135 | 3.143,00 | 2.826,20 | 4.104,00 | 2.470,80 | 5.950,00 | 2.470,80 | 3.698,80 | 1.397,36 | 37,78% | MÍNIMO | R\$ 111.186,00 | R\$ 333.558,00 | R\$ 444.744,00 |
| 136 | Pesquisa de Pannel de Meningioma (genes mais importantes associados a suscetibilidade hereditária a Meningioma) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ARMC5 BAP1 LZTR1 PDGFBR PTEN SMARCB1 SMARCE1 SUFU | EXAME | 180 | 45 | 135 | 8.570,00 | 6.604,00 | 9.980,00 | 5.998,90 | 15.050,00 | 5.998,90 | 9.240,58 | 3.612,68 | 39,10% | MÍNIMO | R\$ 269.950,50 | R\$ 809.851,50 | R\$ 1.079.802,00 |

| ITEM | DESCRIÇÃO | UNID | QUANT (A) | QUANT. DEST. EXCLUSIVA MEPEP (B) | QUANT. DEST. AMPLA CONCORRÊNCIA (C) - [A-B] | EMP 1 | EMP 2 | EMP 3 | EMP 4 | EMP 5 | PREÇO MÍNIMO (D) | PREÇO MÉDIO (E) | DESVIO PADRÃO | COEFICIENTE DE VARIAÇÃO | PARÂMETRO UTILIZADO (MÍNIMO/MÉDIO) | SUBTOTAL EXCLUSIVO MEPEP (F) - [B X D] | SUBTOTAL AMPLA CONCORRÊNCIA (G) - [C X E] | SUBTOTAL GERAL [F + G] |
|------|---------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|-------|-----------|----------------------------------|---------------------------------------------|----------|----------|----------|----------|-----------|------------------|-----------------|---------------|-------------------------|------------------------------------|----------------------------------------|-------------------------------------------|------------------------|
| 137 | Pesquisa de Síndrome de Marfan (sequenciamento do gene FBN1) (identifica doença do tecido conectivo que causa alterações oculares, cardiovasculares e esqueléticas) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: FBN1 | EXAME | 180 | 45 | 135 | 6.073,00 | 989,30 | 7.058,00 | 5.184,00 | 8.750,00 | 989,30 | 5.610,86 | 2.902,71 | 51,73% | MÍNIMO | R\$ 44.518,50 | R\$ 133.555,50 | R\$ 178.074,00 |
| 138 | Pesquisa de Síndrome de Rubinstein-Taybi-SRT (MLPA da região 16p13) (identifica deficiência de crescimento pós-natal, microcefalia, características faciais específicas, polegares e dedos do pé alargados, atraso do desenvolvimento, entre outros) - mínimo de Genes Analisados: CREBBP | EXAME | 180 | 45 | 135 | 5.530,00 | 1.157,00 | 5.616,00 | 3.848,40 | 9.800,00 | 1.157,00 | 5.190,28 | 3.146,89 | 60,63% | MÍNIMO | R\$ 52.065,00 | R\$ 156.195,00 | R\$ 208.260,00 |
| 139 | Pesquisa de Síndrome de Russell-Silver-SRS (metilação de 11p15) (identifica doença genética de restrição de crescimento intrauterino e pós-natal, resultante de alterações na regulação de genes que controlam o crescimento) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: IGF2 | EXAME | 180 | 45 | 135 | 4.907,00 | 3.686,80 | 5.400,00 | 4.353,60 | 6.300,00 | 3.686,80 | 4.929,48 | 987,01 | 20,23% | MÉDIO | R\$ 221.826,60 | R\$ 665.479,80 | R\$ 887.306,40 |
| 140 | Pesquisa de Síndrome de Smith-Magenis (MLPA da região 17p11) (identifica deficiência intelectual, características faciais distintas, distúrbios do sono e problemas comportamentais, entre outros) - mínimo de Genes Analisados: RAI1 | EXAME | 180 | 45 | 135 | 7.770,00 | 6.177,60 | 3.484,00 | 5.431,20 | 14.350,00 | 3.484,00 | 7.442,56 | 4.157,40 | 55,86% | MÍNIMO | R\$ 156.780,00 | R\$ 470.340,00 | R\$ 627.120,00 |
| 141 | Pesquisa de Síndrome de Sotos (MLPA da região 5q35) (identifica diagnóstico de indivíduos com suspeita clínica de síndrome de Sotos - crescimento excessivo na infância, dismorfias crânio-faciais e atraso no desenvolvimento neuropsicomotor) - mínimo de Genes Analisados: NSD1 | EXAME | 180 | 45 | 135 | 3.987,00 | 3.315,00 | 4.594,00 | 2.756,40 | 6.300,00 | 2.756,40 | 4.190,48 | 1.367,24 | 32,63% | MÍNIMO | R\$ 124.038,00 | R\$ 372.114,00 | R\$ 496.152,00 |
| 142 | Pesquisa de Síndrome de WAGR (MLPA da região 11p13) (identifica aumento de risco para desenvolvimento tumor de Wilms, aniridia (ausência de íris), anomalias gênito-urinárias e deficiência intelectual) - mínimo de Genes Analisados: PAX6 WT1 | EXAME | 180 | 45 | 135 | 7.850,00 | 6.600,10 | 9.140,00 | 5.484,00 | 10.500,00 | 5.484,00 | 7.914,82 | 1.989,08 | 25,13% | MÍNIMO | R\$ 246.780,00 | R\$ 740.340,00 | R\$ 987.120,00 |
| 143 | Pesquisa de Síndrome de Williams (MLPA da região 7q11.23) (identifica deficiência intelectual, personalidade característica, problemas cardiovasculares, entre outros) - mínimo de Genes Analisados: CLIP2 ELN GTF2I GTF2IRD1 LIMK1 | EXAME | 180 | 45 | 135 | 4.856,00 | 4.529,20 | 5.616,00 | 2.264,60 | 7.350,00 | 2.264,60 | 4.923,16 | 1.843,72 | 37,45% | MÍNIMO | R\$ 101.907,00 | R\$ 305.721,00 | R\$ 407.628,00 |
| 144 | Pesquisa de Síndrome de Wolf-Hirschhorn (MLPA da região 4p16) (identifica atraso no crescimento e no desenvolvimento, deficiência intelectual, convulsões e aparência facial típica) - mínimo de Genes Analisados: LETM1 MSX1 | EXAME | 180 | 45 | 135 | 1.801,00 | 1.372,80 | NC | 1.316,90 | NC | 1.316,90 | 1.496,90 | 264,84 | 17,69% | MÉDIO | R\$ 67.360,50 | R\$ 202.081,50 | R\$ 269.442,00 |
| 145 | Pesquisa de Triagem de Portador de Mutações de Doenças Recessivas (identifica mutações previamente descritas e/ou reconhecidamente patogênicas em 165 genes relacionados a doenças autossômicas recessivas) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ABCC8 ACADM ACADVL ADA ADAMTS2 AGA AGL AGXT AIRE ALDH3A2 ALDOB ALG6 ALMS1 ALPI AMT ARG1 ARSA ASL ASPA ASS1 ATM ATP7B BBS1 BBS10 BBS12 BBS2 BCKDHA BCKDHB BCS1L BLM BTBD9 CARN3 CEBP CLN3 CLN6 CLN8 CLN9 CLN11 COL4A3 COL4A4 CPS1 CPT1A | EXAME | 180 | 45 | 135 | 6.200,00 | 8.021,00 | 7.200,00 | 4.320,00 | 9.450,00 | 4.320,00 | 7.038,20 | 1.930,03 | 27,42% | MÍNIMO | R\$ 194.400,00 | R\$ 583.200,00 | R\$ 777.600,00 |
| 146 | Pesquisa de Amiloidose Familiar (sequenciamento do gene TTR) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: TTR | EXAME | 180 | 45 | 135 | 3.987,00 | 1.144,00 | 4.594,00 | 1.195,20 | 7.000,00 | 1.144,00 | 3.584,04 | 2.475,46 | 69,07% | MÍNIMO | R\$ 51.480,00 | R\$ 154.440,00 | R\$ 205.920,00 |
| 147 | PESQUISA DE ANTICORPOS ANTINUCLEARES - FAN | EXAME | 1800 | 1.800 | NÃO APLICÁVEL | 99,00 | 41,60 | 35,00 | 50,00 | 78,50 | 35,00 | 60,82 | 27,03 | 44,45% | MÍNIMO | R\$ 63.000,00 | - | R\$ 63.000,00 |

Superintendência Estadual de Compras e Licitações
Coordenadoria de Pesquisa e Análise de Preços

| ITEM | DESCRIÇÃO | UNID | QUANT (A) | QUANT. DEST. EXCLUSIVA MEPEP (B) | QUANT. DEST. AMPLA CONCORRÊNCIA (C) - [A-B] | EMP 1 | EMP 2 | EMP 3 | EMP 4 | EMP 5 | PREÇO MÍNIMO (D) | PREÇO MÉDIO (E) | DESVIO PADRÃO | COEFICIENTE DE VARIAÇÃO | PARÂMETRO UTILIZADO (MÍNIMO/MÉDIO) | SUBTOTAL EXCLUSIVO MEPEP (F) - [B X D] | SUBTOTAL AMPLA CONCORRÊNCIA (G) - [C X E] | SUBTOTAL GERAL [F + G] |
|------|-----------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|-------|-----------|----------------------------------|---------------------------------------------|----------|----------|----------|----------|----------|------------------|-----------------|---------------|-------------------------|------------------------------------|----------------------------------------|-------------------------------------------|------------------------|
| 148 | Pesquisa de Anticorpos Contra Antígenos Celulares em Células HEP-2 - FANHEP2 | EXAME | 180 | 180 | NÃO APLICÁVEL | 99,00 | 41,60 | 35,00 | 50,00 | 75,50 | 35,00 | 60,22 | 26,57 | 44,13% | MÍNIMO | R\$ 6.300,00 | - | R\$ 6.300,00 |
| 149 | PESQUISA DE ANTICORPOS ANTI MÚSCULO LISO, ANTICORPOS ANTI-ASMA | EXAME | 684 | 684 | NÃO APLICÁVEL | 115,00 | 59,80 | 60,00 | 50,00 | 75,50 | 50,00 | 72,06 | 25,68 | 35,64% | MÍNIMO | R\$ 34.200,00 | - | R\$ 34.200,00 |
| 150 | PESQUISA DE ANTICORPOS ANTI-AQUAPORINA 4 (ANTICORPOS IgG - S) | EXAME | 720 | 180 | 540 | 776,00 | 691,60 | 1.444,00 | 610,00 | 733,04 | 610,00 | 850,93 | 337,15 | 39,62% | MÍNIMO | R\$ 109.800,00 | R\$ 329.400,00 | R\$ 439.200,00 |
| 151 | Pesquisa de Arteriotopia Cerebral (CADASIL - sequenciamento do gene NOTCH3) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: NOTCH3 | EXAME | 180 | 45 | 135 | 2.435,00 | 3.315,00 | 7.334,00 | 4.404,20 | 3.500,00 | 2.435,00 | 4.197,64 | 1.887,60 | 44,97% | MÍNIMO | R\$ 109.575,00 | R\$ 328.725,00 | R\$ 438.300,00 |
| 152 | Pesquisa de Ataxia de Friedreich (expansão FXN) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) | EXAME | 180 | 45 | 135 | 664,00 | 806,00 | 684,00 | 513,00 | NC | 513,00 | 666,75 | 120,19 | ##### | MÉDIO | R\$ 30.003,75 | R\$ 90.011,25 | R\$ 120.015,00 |
| 153 | Pesquisa de Ataxia Espinocerebelar Tipo 10 (expansão ATXN10/SCA10) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) | EXAME | 180 | 45 | 135 | 668,00 | 923,00 | 684,00 | 517,50 | 875,00 | 517,50 | 733,50 | 165,32 | ##### | MÉDIO | R\$ 33.007,50 | R\$ 99.022,50 | R\$ 132.030,00 |
| 154 | Pesquisa de Ataxia Espinocerebelar Tipo 3 - Machado-Joseph (expansão ATXN3/SCA3) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) | EXAME | 180 | 45 | 135 | 848,00 | 1.105,00 | 898,00 | 673,50 | 700,00 | 673,50 | 844,90 | 173,82 | ##### | MÉDIO | R\$ 38.020,50 | R\$ 114.061,50 | R\$ 152.082,00 |
| 155 | Pesquisa de Ataxia Espinocerebelar Tipo 6 (expansão CACNA1A/SCA6) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) | EXAME | 180 | 45 | 135 | 848,00 | 1.105,00 | 898,00 | 673,50 | 735,00 | 673,50 | 851,90 | 167,10 | ##### | MÉDIO | R\$ 38.335,50 | R\$ 115.006,50 | R\$ 153.342,00 |
| 156 | Pesquisa de Ataxia Espinocerebelar Tipo 7 (expansão ATXN7/SCA7) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) | EXAME | 180 | 45 | 135 | 848,00 | 1.105,00 | 898,00 | 673,50 | 735,00 | 673,50 | 851,90 | 167,10 | 19,62% | MÉDIO | R\$ 38.335,50 | R\$ 115.006,50 | R\$ 153.342,00 |
| 157 | Pesquisa de Ataxias Espinocerebelares por Expansões (SCA1, SCA2, SCA3, SCA6) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) | EXAME | 180 | 45 | 135 | 3.398,00 | 2.667,60 | 3.990,00 | 673,50 | NC | 673,50 | 2.682,28 | 1.444,28 | 53,85% | MÍNIMO | R\$ 30.307,50 | R\$ 90.922,50 | R\$ 121.230,00 |
| 158 | Pesquisa de Atrofia Espinhal Progressiva (MLPA de SMN1 e SMN2) - mínimo de Genes Analisados: SMN1 SMN2 | EXAME | 180 | 45 | 135 | 1.567,00 | 2.745,60 | 4.024,00 | 2.615,60 | 3.896,73 | 1.567,00 | 2.969,79 | 1.014,16 | 34,15% | MÍNIMO | R\$ 70.515,00 | R\$ 211.545,00 | R\$ 282.060,00 |
| 159 | Pesquisa de Atrofia Espinhal Progressiva (sequenciamento NGS de SMN1 após MLPA) - mínimo de Genes Analisados: SMN1 | EXAME | 180 | 45 | 135 | 3.987,00 | 3.315,00 | 4.594,00 | 2.986,10 | 1.050,00 | 1.050,00 | 3.186,42 | 1.345,66 | 42,23% | MÍNIMO | R\$ 47.250,00 | R\$ 141.750,00 | R\$ 189.000,00 |
| 160 | PESQUISA DE CELULAS CD16 | EXAME | 180 | 180 | NÃO APLICÁVEL | 292,00 | 249,60 | 2.440,00 | 183,00 | 280,00 | 183,00 | 688,92 | 979,80 | 142,22% | MÍNIMO | R\$ 32.940,00 | - | R\$ 32.940,00 |
| 161 | PESQUISA DE CELULAS CD19 | EXAME | 180 | 180 | NÃO APLICÁVEL | 215,00 | 109,20 | 244,00 | 162,00 | 245,00 | 109,20 | 195,04 | 58,63 | 30,06% | MÍNIMO | R\$ 19.656,00 | - | R\$ 19.656,00 |

Superintendência Estadual de Compras e Licitações
Coordenadoria de Pesquisa e Análise de Preços

| ITEM | DESCRIÇÃO | UNID | QUANT. (A) | QUANT. DEST. EXCLUSIVA MEPEP (B) | QUANT. DEST. AMPLA CONCORRÊNCIA (C) - [A-B] | EMP 1 | EMP 2 | EMP 3 | EMP 4 | EMP 5 | PREÇO MÍNIMO (D) | PREÇO MÉDIO (E) | DESVIO PADRÃO | COEFICIENTE DE VARIAÇÃO | PARÂMETRO UTILIZADO (MÍNIMO/MÉDIO) | SUBTOTAL EXCLUSIVO MEPEP (F) - [B X D] | SUBTOTAL AMPLA CONCORRÊNCIA (G) - [C X E] | SUBTOTAL GERAL [F + G] |
|------|---------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|-------|------------|----------------------------------|---------------------------------------------|-----------|----------|-----------|----------|-----------|------------------|-----------------|---------------|-------------------------|------------------------------------|----------------------------------------|-------------------------------------------|------------------------|
| 162 | PESQUISA DE CELULAS CD2 | EXAME | 180 | 180 | NÃO APLICÁVEL | NC | 175,50 | 244,00 | NC | NC | 175,50 | 209,75 | 48,44 | 23,09% | MÍNIMO | R\$ 31.590,00 | - | R\$ 31.590,00 |
| 163 | PESQUISA DE CELULAS CD3 | EXAME | 180 | 180 | NÃO APLICÁVEL | 302,00 | 175,50 | 244,00 | 199,50 | 107,98 | 107,98 | 205,80 | 72,87 | 35,41% | MÍNIMO | R\$ 19.436,40 | - | R\$ 19.436,40 |
| 164 | PESQUISA DE CELULAS CD4 | EXAME | 180 | 180 | NÃO APLICÁVEL | 193,00 | 175,50 | 244,00 | 199,50 | 107,98 | 107,98 | 184,00 | 49,43 | 26,86% | MÍNIMO | R\$ 19.436,40 | - | R\$ 19.436,40 |
| 165 | PESQUISA DE CELULAS CD56 | EXAME | 180 | 180 | NÃO APLICÁVEL | 292,00 | 249,60 | 244,00 | 183,00 | 280,00 | 183,00 | 249,72 | 42,39 | 16,98% | MÉDIO | R\$ 44.949,60 | - | R\$ 44.949,60 |
| 166 | PESQUISA DE CELULAS CD8 | EXAME | 180 | 180 | NÃO APLICÁVEL | 304,00 | 175,50 | 266,00 | 183,00 | 107,98 | 107,98 | 207,30 | 77,88 | 37,57% | MÍNIMO | R\$ 19.436,40 | - | R\$ 19.436,40 |
| 167 | Pesquisa de Charcot-Marie-Tooth Tipo 1A e HNPP (MLPA de PMP22) - mínimo de Genes Analisados: PMP22 | EXAME | 180 | 45 | 135 | 2.435,00 | 2.548,00 | 2.760,00 | 3.672,00 | 3.500,00 | 2.435,00 | 2.983,00 | 565,97 | ## | MÉDIO | R\$ 134.235,00 | R\$ 402.705,00 | R\$ 536.940,00 |
| 168 | PESQUISA DE CLONE HPN - CD59 | EXAME | 504 | 126 | 378 | 1.419,00 | 1.274,00 | 1.570,00 | 1.177,50 | 2.338,70 | 1.177,50 | 1.555,84 | 462,16 | 29,70% | MÍNIMO | R\$ 148.365,00 | R\$ 445.095,00 | R\$ 593.460,00 |
| 169 | Pesquisa de Distrofia Miotônica Tipo I – Steinert (expansão DMPK) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) | EXAME | 180 | 45 | 135 | 11.950,00 | 1.950,00 | 9.142,00 | 1.794,00 | 12.250,00 | 1.794,00 | 7.417,20 | 5.205,47 | 70,18% | MÍNIMO | R\$ 80.730,00 | R\$ 242.190,00 | R\$ 322.920,00 |
| 170 | Pesquisa de Distrofia Miotônica Tipo II (expansão CNBP) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) | EXAME | 180 | 45 | 135 | 9.850,00 | 6.949,80 | 10.692,00 | 6.415,20 | 13.650,00 | 6.415,20 | 9.511,40 | 2.948,93 | 31,00% | MÍNIMO | R\$ 288.684,00 | R\$ 866.052,00 | R\$ 1.154.736,00 |
| 171 | Pesquisa de Distrofia Muscular de Duchenne (MLPA do gene DMD) - mínimo de Genes Analisados: DMD | EXAME | 180 | 45 | 135 | 6.073,00 | 5.096,00 | 7.058,00 | 4.234,80 | 7.000,00 | 4.234,80 | 5.892,36 | 1.224,74 | 20,79% | MÉDIO | R\$ 265.156,20 | R\$ 795.468,60 | R\$ 1.060.624,80 |
| 172 | Pesquisa de Doença de Huntington (expansão HTT) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) | EXAME | 180 | 45 | 135 | 470,00 | 429,00 | 660,00 | 460,00 | NC | 429,00 | 504,75 | 104,96 | ## | MÉDIO | R\$ 22.713,75 | R\$ 68.141,25 | R\$ 90.855,00 |
| 173 | Pesquisa de Doença de Kennedy (atrofia muscular espinhal e bulbar) (expansão AR) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) | EXAME | 180 | 45 | 135 | 801,00 | 617,50 | 852,00 | 832,00 | NC | 617,50 | 775,63 | 107,48 | ## | MÉDIO | R\$ 34.903,35 | R\$ 104.710,05 | R\$ 139.613,40 |
| 174 | Pesquisa de Esclerose Lateral Amiotrófica (ELA) (expansão C9orf72) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: C9orf72 | EXAME | 180 | 45 | 135 | 5.067,00 | 4.004,00 | 5.602,00 | 3.361,20 | 8.050,00 | 3.361,20 | 5.216,84 | 1.810,52 | 34,71% | MÍNIMO | R\$ 151.254,00 | R\$ 453.762,00 | R\$ 605.016,00 |
| 175 | Pesquisa de FISH para deleção/amplificação Leucemia linfocítica crônica: del(17p); TP53; (17p13.1) | EXAME | 180 | 45 | 135 | 1.893,00 | 1.652,30 | 7.250,00 | 1.397,30 | 2.625,00 | 1.397,30 | 2.963,52 | 2.439,61 | 82,32% | MÍNIMO | R\$ 62.878,50 | R\$ 188.635,50 | R\$ 251.514,00 |

Superintendência Estadual de Compras e Licitações
Coordenadoria de Pesquisa e Análise de Preços

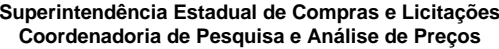
| ITEM | DESCRIÇÃO | UNID | QUANT. (A) | QUANT. DEST. EXCLUSIVA MEPEP (B) | QUANT. DEST. AMPLA CONCORRÊNCIA (C) - [A-B] | EMP 1 | EMP 2 | EMP 3 | EMP 4 | EMP 5 | PREÇO MÍNIMO (D) | PREÇO MÉDIO (E) | DESVIO PADRÃO | COEFICIENTE DE VARIAÇÃO | PARÂMETRO UTILIZADO (MÍNIMO/MÉDIO) | SUBTOTAL EXCLUSIVO MEPEP (F) - [B X D] | SUBTOTAL AMPLA CONCORRÊNCIA (G) - [C X E] | SUBTOTAL GERAL [F + G] |
|------|----------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|-------|------------|----------------------------------|---------------------------------------------|----------|----------|----------|----------|-----------|------------------|-----------------|---------------|-------------------------|------------------------------------|----------------------------------------|-------------------------------------------|------------------------|
| 176 | Pesquisa de FISH PARA EOSINOFILIAS: rearranjos PDGFRa-FIP1L1, PDGFRb-ETV6, PCM1-JAK2, FGFR1-JAK2, FLT3 rearranjos, ETV6 rearranjos. | EXAME | 180 | 45 | 135 | 1.836,00 | 3.316,30 | 5.200,00 | 2.756,40 | NC | 1.836,00 | 3.277,18 | 1.419,74 | 43,32% | MÍNIMO | R\$ 82.620,00 | R\$ 247.860,00 | R\$ 330.480,00 |
| 177 | Pesquisa de FISH PARA LLA t(v;11q23), Gene MLL | EXAME | 180 | 45 | 135 | 6.073,00 | 4.587,70 | 7.058,00 | 4.234,80 | 9.800,00 | 4.234,80 | 6.350,70 | 2.239,43 | 35,26% | MÍNIMO | R\$ 190.566,00 | R\$ 571.698,00 | R\$ 762.264,00 |
| 178 | Pesquisa de FISH PARA LNH Difuso de grandes células B: MYC breakapart (ba), MYC/IGH translocation, BCL2/IGH translocation, BCL6 ba and CCND1/IGH translocation | EXAME | 180 | 45 | 135 | NC | 3.140,80 | 4.350,00 | NC | NC | 3.140,80 | 3.745,40 | 855,03 | ##### | MÉDIO | R\$ 168.543,00 | R\$ 505.629,00 | R\$ 674.172,00 |
| 179 | Pesquisa de Hiperplasia Adrenal Congênita por Deficiência de CYP21A2 (Seq. + MLPA) - sequenciamento do gene CPY21A2 por Sanger, além da identificação de microdeleções ou microduplicações por MLPA. | EXAME | 180 | 45 | 135 | 4.845,00 | 3.055,00 | 4.234,00 | 2.554,50 | 8.400,00 | 2.554,50 | 4.617,70 | 2.302,36 | 49,86% | MÍNIMO | R\$ 114.952,50 | R\$ 344.857,50 | R\$ 459.810,00 |
| 180 | PESQUISA DE LTA (Leishmaniose Tegumentar Americana) E FUNGOS DE RASPADO | EXAME | 180 | 180 | NÃO APLICÁVEL | 99,00 | 26,00 | NC | 20,00 | 5.600,00 | 20,00 | 1.436,25 | 2.776,07 | 193,29% | MÍNIMO | R\$ 3.600,00 | - | R\$ 3.600,00 |
| 181 | Pesquisa de MLPA de ATM (ataxia-telangiectasia ou de câncer hereditário) - mínimo de Genes Analisados: ATM | EXAME | 180 | 180 | NÃO APLICÁVEL | 5.648,00 | 4.648,80 | 6.552,00 | 3.931,20 | 86,80 | 86,80 | 4.173,36 | 2.490,84 | 59,65% | MÍNIMO | R\$ 15.624,00 | - | R\$ 15.624,00 |
| 182 | Pesquisa de MLPA de BAP1 (síndrome de predisposição tumoral) - mínimo de Genes Analisados: BAP1 | EXAME | 180 | 45 | 135 | 3.851,00 | 3.204,50 | 4.438,00 | 2.884,70 | 10.150,00 | 2.884,70 | 4.905,64 | 2.992,17 | 60,99% | MÍNIMO | R\$ 129.811,50 | R\$ 389.434,50 | R\$ 519.246,00 |
| 183 | Pesquisa de Pannel de Anemia de Fanconi - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: BRCA1 BRCA2 BRIP1 COX411 ERCC4 FANCA FANCB FANCC FANCD2 FANCE FANCF FANGC FANCI FANCL FANCM MAD2L2 PALB2 RAD51 RAD51C RFWD3 SLX4 UBE2T XRCC2 | EXAME | 180 | 45 | 135 | 1.035,00 | 4.049,50 | 5.604,00 | 3.362,40 | NC | 1.035,00 | 3.512,73 | 1.899,41 | 54,07% | MÍNIMO | R\$ 46.575,00 | R\$ 139.725,00 | R\$ 186.300,00 |
| 184 | Pesquisa de Pannel de Anemias Hereditárias - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ABCB7 ABCD4 ABCG5 ABCG8 ACD ADA2 ADH5 AK1 ALAS2 ALDOA AMMECR1 AMN ANK1 APOB ATP11C ATRX BOLA2 BRCA1 BRCA2 BRIP1 CBLIF CD46 CD59 CDAN1 CDIN1 CFB CFH CFI COQ2 COX411 COX412 CPOX CTC1 CUBN DHFR DKC1 DNAJC19 DNAJC21 EFL1 EPB41 EPB42 EPO ERCC4 ERCC6L2 FANCA FANCB FANCC FANCD2 FANCE FANCF FANGC FANCI FANCL FANCM FECH ETCO GERS GATA1 GULC1 GUX5 GULC6 GSK3RB1 GSK3RB2 HBB HBB1 HBB2 HBB3 HBB4 HBB5 HBB6 HBB7 HBB8 HBB9 HBB10 HBB11 HBB12 HBB13 HBB14 HBB15 HBB16 HBB17 HBB18 HBB19 HBB20 HBB21 HBB22 HBB23 HBB24 HBB25 HBB26 HBB27 HBB28 HBB29 HBB30 HBB31 HBB32 HBB33 HBB34 HBB35 HBB36 HBB37 HBB38 HBB39 HBB40 HBB41 HBB42 HBB43 HBB44 HBB45 HBB46 HBB47 HBB48 HBB49 HBB50 HBB51 HBB52 HBB53 HBB54 HBB55 HBB56 HBB57 HBB58 HBB59 HBB60 HBB61 HBB62 HBB63 HBB64 HBB65 HBB66 HBB67 HBB68 HBB69 HBB70 HBB71 HBB72 HBB73 HBB74 HBB75 HBB76 HBB77 HBB78 HBB79 HBB80 HBB81 HBB82 HBB83 HBB84 HBB85 HBB86 HBB87 HBB88 HBB89 HBB90 HBB91 HBB92 HBB93 HBB94 HBB95 HBB96 HBB97 HBB98 HBB99 HBB100 HBB101 HBB102 HBB103 HBB104 HBB105 HBB106 HBB107 HBB108 HBB109 HBB110 HBB111 HBB112 HBB113 HBB114 HBB115 HBB116 HBB117 HBB118 HBB119 HBB120 HBB121 HBB122 HBB123 HBB124 HBB125 HBB126 HBB127 HBB128 HBB129 HBB130 HBB131 HBB132 HBB133 HBB134 HBB135 HBB136 HBB137 HBB138 HBB139 HBB140 HBB141 HBB142 HBB143 HBB144 HBB145 HBB146 HBB147 HBB148 HBB149 HBB150 HBB151 HBB152 HBB153 HBB154 HBB155 HBB156 HBB157 HBB158 HBB159 HBB160 HBB161 HBB162 HBB163 HBB164 HBB165 HBB166 HBB167 HBB168 HBB169 HBB170 HBB171 HBB172 HBB173 HBB174 HBB175 HBB176 HBB177 HBB178 HBB179 HBB180 HBB181 HBB182 HBB183 HBB184 HBB185 HBB186 HBB187 HBB188 HBB189 HBB190 HBB191 HBB192 HBB193 HBB194 HBB195 HBB196 HBB197 HBB198 HBB199 HBB200 HBB201 HBB202 HBB203 HBB204 HBB205 HBB206 HBB207 HBB208 HBB209 HBB210 HBB211 HBB212 HBB213 HBB214 HBB215 HBB216 HBB217 HBB218 HBB219 HBB220 HBB221 HBB222 HBB223 HBB224 HBB225 HBB226 HBB227 HBB228 HBB229 HBB230 HBB231 HBB232 HBB233 HBB234 HBB235 HBB236 HBB237 HBB238 HBB239 HBB240 HBB241 HBB242 HBB243 HBB244 HBB245 HBB246 HBB247 HBB248 HBB249 HBB250 HBB251 HBB252 HBB253 HBB254 HBB255 HBB256 HBB257 HBB258 HBB259 HBB260 HBB261 HBB262 HBB263 HBB264 HBB265 HBB266 HBB267 HBB268 HBB269 HBB270 HBB271 HBB272 HBB273 HBB274 HBB275 HBB276 HBB277 HBB278 HBB279 HBB280 HBB281 HBB282 HBB283 HBB284 HBB285 HBB286 HBB287 HBB288 HBB289 HBB290 HBB291 HBB292 HBB293 HBB294 HBB295 HBB296 HBB297 HBB298 HBB299 HBB300 HBB301 HBB302 HBB303 HBB304 HBB305 HBB306 HBB307 HBB308 HBB309 HBB310 HBB311 HBB312 HBB313 HBB314 HBB315 HBB316 HBB317 HBB318 HBB319 HBB320 HBB321 HBB322 HBB323 HBB324 HBB325 HBB326 HBB327 HBB328 HBB329 HBB330 HBB331 HBB332 HBB333 HBB334 HBB335 HBB336 HBB337 HBB338 HBB339 HBB340 HBB341 HBB342 HBB343 HBB344 HBB345 HBB346 HBB347 HBB348 HBB349 HBB350 HBB351 HBB352 HBB353 HBB354 HBB355 HBB356 HBB357 HBB358 HBB359 HBB360 HBB361 HBB362 HBB363 HBB364 HBB365 HBB366 HBB367 HBB368 HBB369 HBB370 HBB371 HBB372 HBB373 HBB374 HBB375 HBB376 HBB377 HBB378 HBB379 HBB380 HBB381 HBB382 HBB383 HBB384 HBB385 HBB386 HBB387 HBB388 HBB389 HBB390 HBB391 HBB392 HBB393 HBB394 HBB395 HBB396 HBB397 HBB398 HBB399 HBB400 HBB401 HBB402 HBB403 HBB404 HBB405 HBB406 HBB407 HBB408 HBB409 HBB410 HBB411 HBB412 HBB413 HBB414 HBB415 HBB416 HBB417 HBB418 HBB419 HBB420 HBB421 HBB422 HBB423 HBB424 HBB425 HBB426 HBB427 HBB428 HBB429 HBB430 HBB431 HBB432 HBB433 HBB434 HBB435 HBB436 HBB437 HBB438 HBB439 HBB440 HBB441 HBB442 HBB443 HBB444 HBB445 HBB446 HBB447 HBB448 HBB449 HBB450 HBB451 HBB452 HBB453 HBB454 HBB455 HBB456 HBB457 HBB458 HBB459 HBB460 HBB461 HBB462 HBB463 HBB464 HBB465 HBB466 HBB467 HBB468 HBB469 HBB470 HBB471 HBB472 HBB473 HBB474 HBB475 HBB476 HBB477 HBB478 HBB479 HBB480 HBB481 HBB482 HBB483 HBB484 HBB485 HBB486 HBB487 HBB488 HBB489 HBB490 HBB491 HBB492 HBB493 HBB494 HBB495 HBB496 HBB497 HBB498 HBB499 HBB500 HBB501 HBB502 HBB503 HBB504 HBB505 HBB506 HBB507 HBB508 HBB509 HBB510 HBB511 HBB512 HBB513 HBB514 HBB515 HBB516 HBB517 HBB518 HBB519 HBB520 HBB521 HBB522 HBB523 HBB524 HBB525 HBB526 HBB527 HBB528 HBB529 HBB530 HBB531 HBB532 HBB533 HBB534 HBB535 HBB536 HBB537 HBB538 HBB539 HBB540 HBB541 HBB542 HBB543 HBB544 HBB545 HBB546 HBB547 HBB548 HBB549 HBB550 HBB551 HBB552 HBB553 HBB554 HBB555 HBB556 HBB557 HBB558 HBB559 HBB560 HBB561 HBB562 HBB563 HBB564 HBB565 HBB566 HBB567 HBB568 HBB569 HBB570 HBB571 HBB572 HBB573 HBB574 HBB575 HBB576 HBB577 HBB578 HBB579 HBB580 HBB581 HBB582 HBB583 HBB584 HBB585 HBB586 HBB587 HBB588 HBB589 HBB590 HBB591 HBB592 HBB593 HBB594 HBB595 HBB596 HBB597 HBB598 HBB599 HBB600 HBB601 HBB602 HBB603 HBB604 HBB605 HBB606 HBB607 HBB608 HBB609 HBB610 HBB611 HBB612 HBB613 HBB614 HBB615 HBB616 HBB617 HBB618 HBB619 HBB620 HBB621 HBB622 HBB623 HBB624 HBB625 HBB626 HBB627 HBB628 HBB629 HBB630 HBB631 HBB632 HBB633 HBB634 HBB635 HBB636 HBB637 HBB638 HBB639 HBB640 HBB641 HBB642 HBB643 HBB644 HBB645 HBB646 HBB647 HBB648 HBB649 HBB650 HBB651 HBB652 HBB653 HBB654 HBB655 HBB656 HBB657 HBB658 HBB659 HBB660 HBB661 HBB662 HBB663 HBB664 HBB665 HBB666 HBB667 HBB668 HBB669 HBB670 HBB671 HBB672 HBB673 HBB674 HBB675 HBB676 HBB677 HBB678 HBB679 HBB680 HBB681 HBB682 HBB683 HBB684 HBB685 HBB686 HBB687 HBB688 HBB689 HBB690 HBB691 HBB692 HBB693 HBB694 HBB695 HBB696 HBB697 HBB698 HBB699 HBB700 HBB701 HBB702 HBB703 HBB704 HBB705 HBB706 HBB707 HBB708 HBB709 HBB710 HBB711 HBB712 HBB713 HBB714 HBB715 HBB716 HBB717 HBB718 HBB719 HBB720 HBB721 HBB722 HBB723 HBB724 HBB725 HBB726 HBB727 HBB728 HBB729 HBB730 HBB731 HBB732 HBB733 HBB734 HBB735 HBB736 HBB737 HBB738 HBB739 HBB740 HBB741 HBB742 HBB743 HBB744 HBB745 HBB746 HBB747 HBB748 HBB749 HBB750 HBB751 HBB752 HBB753 HBB754 HBB755 HBB756 HBB757 HBB758 HBB759 HBB760 HBB761 HBB762 HBB763 HBB764 HBB765 HBB766 HBB767 HBB768 HBB769 HBB770 HBB771 HBB772 HBB773 HBB774 HBB775 HBB776 HBB777 HBB778 HBB779 HBB780 HBB781 HBB782 HBB783 HBB784 HBB785 HBB786 HBB787 HBB788 HBB789 HBB790 HBB791 HBB792 HBB793 HBB794 HBB795 HBB796 HBB797 HBB798 HBB799 HBB800 HBB801 HBB802 HBB803 HBB804 HBB805 HBB806 HBB807 HBB808 HBB809 HBB810 HBB811 HBB812 HBB813 HBB814 HBB815 HBB816 HBB817 HBB818 HBB819 HBB820 HBB821 HBB822 HBB823 HBB824 HBB825 HBB826 HBB827 HBB828 HBB829 HBB830 HBB831 HBB832 HBB833 HBB834 HBB835 HBB836 HBB837 HBB838 HBB839 HBB840 HBB841 HBB842 HBB843 HBB844 HBB845 HBB846 HBB847 HBB848 HBB849 HBB850 HBB851 HBB852 HBB853 HBB854 HBB855 HBB856 HBB857 HBB858 HBB859 HBB860 HBB861 HBB862 HBB863 HBB864 HBB865 HBB866 HBB867 HBB868 HBB869 HBB870 HBB871 HBB872 HBB873 HBB874 HBB875 HBB876 HBB877 HBB878 HBB879 HBB880 HBB881 HBB882 HBB883 HBB884 HBB885 HBB886 HBB887 HBB888 HBB889 HBB890 HBB891 HBB892 HBB893 HBB894 HBB895 HBB896 HBB897 HBB898 HBB899 HBB900 HBB901 HBB902 HBB903 HBB904 HBB905 HBB906 HBB907 HBB908 HBB909 HBB910 HBB911 HBB912 HBB913 HBB914 HBB915 HBB916 HBB917 HBB918 HBB919 HBB920 HBB921 HBB922 HBB923 HBB924 HBB925 HBB926 HBB927 HBB928 HBB929 HBB930 HBB931 HBB932 HBB933 HBB934 HBB935 HBB936 HBB937 HBB938 HBB939 HBB940 HBB941 HBB942 HBB943 HBB944 HBB945 HBB946 HBB947 HBB948 HBB949 HBB950 HBB951 HBB952 HBB953 HBB954 HBB955 HBB956 HBB957 HBB958 HBB959 HBB960 HBB961 HBB962 HBB963 HBB964 HBB965 HBB966 HBB967 HBB968 HBB969 HBB970 HBB971 HBB972 HBB973 HBB974 HBB975 HBB976 HBB977 HBB978 HBB979 HBB980 HBB981 HBB982 HBB983 HBB984 HBB985 HBB986 HBB987 HBB988 HBB989 HBB990 HBB991 HBB992 HBB993 HBB994 HBB995 HBB996 HBB997 HBB998 HBB999 HBB1000 HBB1001 HBB1002 HBB1003 HBB1004 HBB1005 HBB1006 HBB1007 HBB1008 HBB1009 HBB1010 HBB1011 HBB1012 HBB1013 HBB1014 HBB1015 HBB1016 HBB1017 HBB1018 HBB1019 HBB1020 HBB1021 HBB1022 HBB1023 HBB1024 HBB1025 HBB1026 HBB1027 HBB1028 HBB1029 HBB1030 HBB1031 HBB1032 HBB1033 HBB1034 HBB1035 HBB1036 HBB1037 HBB1038 HBB1039 HBB1040 HBB1041 HBB1042 HBB1043 HBB1044 HBB1045 HBB1046 HBB1047 HBB1048 HBB1049 HBB1050 HBB1051 HBB1052 HBB1053 HBB1054 HBB1055 HBB1056 HBB1057 HBB1058 HBB1059 HBB1060 HBB1061 HBB1062 HBB1063 HBB1064 HBB1065 HBB1066 HBB1067 HBB1068 HBB1069 HBB1070 HBB1071 HBB1072 HBB1073 HBB1074 HBB1075 HBB1076 HBB1077 HBB1078 HBB1079 HBB1080 HBB1081 HBB1082 HBB1083 HBB1084 HBB1085 HBB1086 HBB1087 HBB1088 HBB1089 HBB1090 HBB1091 HBB1092 HBB1093 HBB1094 HBB1095 HBB1096 HBB1097 HBB1098 HBB1099 HBB1100 HBB1101 HBB1102 HBB1103 HBB1104 HBB1105 HBB1106 HBB1107 HBB1108 HBB1109 HBB1110 HBB1111 HBB1112 HBB1113 HBB1114 HBB1115 HBB1116 HBB1117 HBB1118 HBB1119 HBB1120 HBB1121 HBB1122 HBB1123 HBB1124 HBB1125 HBB1126 HBB1127 HBB1128 HBB1129 HBB1130 HBB1131 HBB1132 HBB1133 HBB1134 HBB1135 HBB1136 HBB1137 HBB1138 HBB1139 HBB1140 HBB1141 HBB1142 HBB1143 HBB1144 HBB1145 HBB1146 HBB1147 HBB1148 HBB1149 HBB1150 HBB1151 HBB1152 HBB1153 HBB1154 HBB1155 HBB1156 HBB1157 HBB1158 HBB1159 HBB1160 HBB1161 HBB1162 HBB1163 HBB1164 HBB1165 HBB1166 HBB1167 HBB1168 HBB1169 HBB1170 HBB1171 HBB1172 HBB1173 HBB1174 HBB1175 HBB1176 HBB1177 HBB1178 HBB1179 HBB1180 HBB1181 HBB1182 HBB1183 HBB1184 HBB1185 HBB1186 HBB1187 HBB1188 HBB1189 HBB1190 HBB1191 HBB1192 HBB1193 HBB1194 HBB1195 HBB1196 HBB1197 HBB1198 HBB1199 HBB1200 HBB1201 HBB1202 HBB1203 HBB1204 HBB1205 HBB1206 HBB1207 HBB1208 HBB1209 HBB1210 HBB1211 HBB1212 HBB1213 HBB1214 HBB1215 HBB1216 HBB1217 HBB1218 HBB1219 HBB1220 HBB1221 HBB1222 HBB1223 HBB1224 HBB1225 HBB1226 HBB1227 HBB1228 HBB1229 HBB1230 HBB1231 HBB1232 HBB1233 HBB1234 HBB1235 HBB1236 HBB1237 HBB1238 HBB1239 HBB1240 HBB1241 HBB1242 HBB1243 HBB1244 HBB1245 HBB1246 HBB1247 HBB1248 HBB1249 HBB1250 HBB1251 HBB1252 HBB1253 HBB1254 HBB1255 HBB1256 HBB1257 HBB1258 HBB1259 HBB1260 HBB1261 HBB1262 HBB1263 HBB1264 HBB1265 HBB1266 HBB1267 HBB1268 HBB1269 HBB1270 HBB1271 HBB1272 HBB1273 HBB1274 HBB1275 HBB1276 HBB1277 HBB1278 HBB1279 HBB1280 HBB1281 HBB1282 HBB1283 HBB1284 HBB1285 HBB1286 HBB1287 HBB1288 HBB1289 HBB1290 HBB1291 HBB1292 HBB1293 HBB1294 HBB1295 HBB1296 HBB1297 HBB1298 HBB1299 HBB1300 HBB1301 HBB1302 HBB1303 HBB1304 HBB1305 HBB1306 HBB1307 HBB1308 HBB1309 HBB1310 HBB1311 HBB1312 HBB1313 HBB1314 HBB1315 HBB1316 HBB1317 HBB1318 HBB1319 HBB1320 HBB1321 HBB1322 HBB1323 HBB1324 HBB1325 HBB1326 HBB1327 HBB1328 HBB1329 HBB1330 HBB1331 HBB1332 HBB1333 HBB1334 HBB1335 HBB1336 HBB1337 HBB1338 HBB1339 HBB1340 HBB1341 HBB1342 HBB1343 HBB1344 HBB1345 HBB1346 HBB1347 HBB1348 HBB1349 HBB1350 HBB1351 HBB1352 HBB1353 HBB1354 HBB1355 HBB1356 HBB1357 HBB1358 HBB1359 HBB1360 HBB1361 HBB1362 HBB1363 HBB1364 HBB1365 HBB1366 HBB1367 HBB1368 HBB1369 HBB1370 HBB1371 HBB1372 HBB1373 HBB1374 HBB1375 HBB1376 HBB1377 HBB1378 HBB1379 HBB1380 HBB1381 HBB1382 HBB1383 HBB1384 HBB1385 HBB1386 HBB1387 HBB1388 HBB1389 HBB1390 HBB1391 HBB1392 HBB1393 HBB1394 HBB1395 HBB1396 HBB1397 HBB1398 HBB1399 HBB1400 HBB1401 HBB1402 HBB1403 HBB1404 HBB1405 HBB1406 HBB1407 HBB1408 HBB1409 HBB1410 HBB1411 HBB1412 HBB1413 HBB1414 HBB1415 HBB1416 HBB1417 HBB1418 HBB1419 HBB1420 HBB1421 HBB1422 HBB1423 HBB1424 HBB1425 HBB1426 HBB1427 HBB1428 HBB1429 HBB1430 HBB1431 HBB1432 HBB1433 HBB1434 HBB1435 HBB1436 HBB1437 HBB1438 HBB1439 HBB1440 HBB1441 HBB1442 HBB1443 HBB1444 HBB1445 HBB1446 HBB1447 HBB1448 HBB1449 HBB1450 HBB1451 HBB1452 HBB1453 HBB1454 HBB1455 HBB1456 HBB1457 HBB1458 HBB1459 HBB1460 HBB1461 HBB1462 HBB1463 HBB1464 HBB1465 HBB1466 HBB1467 HBB1468 HBB1469 HBB1470 HBB1471 HBB1472 HBB1473 HBB1474 HBB1475 HBB1476 HBB1477 HBB1478 HBB1479 HBB1480 HBB1481 HBB1482 HBB1483 HBB1484 HBB1485 HBB1486 HBB1487 HBB1488 HBB1489 HBB1490 HBB1491 HBB1492 HBB1493 HBB1494 HBB1495 HBB1496 HBB1497 HBB1498 HBB1499 HBB1500 HBB1501 HBB1502 HBB1503 HBB1504 HBB1505 HBB1506 HBB1507 HBB1508 HBB1509 HBB1510 HBB1511 HBB1512 HBB1513 HBB1514 HBB1515 HBB1516 HBB1517 HBB1518 HBB1519 HBB1520 HBB1521 HBB1522 HBB1523 HBB1524 HBB1525 HBB1526 HBB1527 HBB1528 HBB1529 HBB1530 HBB1531 HBB1532 HBB1533 HBB1534 HBB1535 HBB1536 HBB1537 HBB1538 HBB1539 HBB1540 HBB1541 HBB1542 HBB1543 HBB1544 HBB1545 HBB1546 HBB1547 HBB1548 HBB1549 HBB1550 HBB1551 HBB1552 HBB1553 HBB1554 HBB1555 HBB1556 HBB1557 HBB1558 HBB1559 HBB1560 HBB1561 HBB1562 HBB1563 HBB1564 HBB1565 HBB1566 HBB1567 HBB1568 HBB1569 HBB1570 HBB1571 HBB1572 HBB1573 HBB1574 HBB1575 HBB1576 HBB1577 HBB1578 HBB1579 HBB1580 HBB1581 HBB1582 HBB1583 HBB1584 HBB1585 HBB1586 HBB1587 HBB1588 HBB1589 HBB1590 HBB1591 HBB1592 HBB1593 HBB1594 HBB1595 HBB1596 HBB1597 HBB1598 HBB1599 HBB1600 HBB1601 HBB1602 HBB1603 HBB1604 HBB1605 HBB1606 HBB1607 HBB1608 HBB1609 HBB1610 HBB1611 HBB1612 HBB1613 HBB1614 HBB1615 HBB1616 HBB1617 HBB1618 HBB1619 HBB1620 HBB1621 HBB1622 HBB1623 HBB1624 HBB1625 HBB1626 HBB1627 HBB1628 HBB1629 HBB1630 HBB1631 HBB1632 HBB1633 HBB1634 HBB1635 HBB1636 HBB1637 HBB1638 HBB1639 HBB1640 HBB1641 HBB1642 HBB1643 HBB1644 HBB1645 HBB1646 HBB1647 HBB1648 HBB1649 HBB1650 HBB1651 HBB1652 HBB1653 HBB1654 HBB1655 HBB1656 HBB1657 HBB1658 HBB1659 HBB1660 HBB1661 HBB1662 HBB1663 HBB1664 HBB1665 HBB1666 HBB1667 HBB1668 HBB1669 HBB1670 HBB1671 HBB1672 HBB1673 HBB1674 HBB1675 HBB1676 HBB1677 HBB1678 HBB1679 HBB1680 HBB1681 HBB1682 HBB1683 HBB1684 HBB1685 HBB1686 HBB1687 HBB1688 HBB1689 HBB1690 HBB1691 HBB1692 HBB1693 HBB1694 HBB1695 HBB1696 HBB1697 HBB1698 HBB1699 HBB1700 HBB1701 HBB1702 HBB1703 HBB1704 HBB1705 HBB1706 HBB1707 HBB1708 HBB1709 HBB1710 HBB1711 HBB1712 HBB1713 HBB1714 HBB1715 HBB1716 HBB1717 HBB1718 HBB1719 HBB1720 HBB1721 HBB1722 HBB1723 HBB1724 HBB1725 HBB1726 HBB1727 HBB1728 HBB1729 HBB1730 HBB1731 HBB1732 HBB1733 HBB1734 HBB1735 HBB1736 HBB1737 HBB1738 HBB1739 HBB1740 HBB1741 HBB1742 HBB1743 HBB1744 HBB1745 HBB1746 HBB1747 HBB1748 HBB1749 HBB1750 HBB1751 HBB1752 HBB1753 HBB1754 HBB1755 HBB1756 HBB1757 HBB1758 HBB1759 HBB1760 HBB1761 HBB1762 HBB1763 HBB1764 HBB1765 HBB1766 HBB1767 HBB1768 HBB1769 HBB1770 HBB1771 HBB1772 HBB1773 HBB1774 HBB1775 HBB1776 HBB1777 HBB1778 HBB1779 HBB1780 HBB1781 HBB1782 HBB1783 HBB1784 HBB1785 HBB1786 HBB1787 HBB1788 HBB1789 HBB1790 HBB1791 HBB1792 HBB1793 HBB1794 HBB179 | | | | | | | | | | | | | | | | | |

Superintendência Estadual de Compras e Licitações
Coordenadoria de Pesquisa e Análise de Preços

| ITEM | DESCRIÇÃO | UNID | QUANT. (A) | QUANT. DEST. EXCLUSIVA MEPEP (B) | QUANT. DEST. AMPLA CONCORRÊNCIA (C) - [A-B] | EMP 1 | EMP 2 | EMP 3 | EMP 4 | EMP 5 | PREÇO MÍNIMO (D) | PREÇO MÉDIO (E) | DESVIO PADRÃO | COEFICIENTE DE VARIAÇÃO | PARÂMETRO UTILIZADO (MÍNIMO/MÉDIO) | SUBTOTAL EXCLUSIVO MEPEP (F) - [B X D] | SUBTOTAL AMPLA CONCORRÊNCIA (G) - [C X E] | SUBTOTAL GERAL [F + G] |
|------|-----------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|-------|------------|----------------------------------|---------------------------------------------|----------|----------|----------|----------|-----------|------------------|-----------------|---------------|-------------------------|------------------------------------|----------------------------------------|-------------------------------------------|------------------------|
| 188 | Pesquisa de Pannel de Autismo (Transtorno do Espectro Autista (TEA).) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ADNP ANKRD11 ARID1B ASH1L AUTS2 CAMK2A CHD2 CHD8 DD3X3 DYRK1A EHMT1 FOXP1 GRIA1 GRIN2B HNRNP2 KMT2A KMT2C KMT5B MBD5 MECP2 MED12 NAA15 NEXMIF NLGN3 NLGN4X PACS1 POG2 PPM1D PTCHD1 PTEN RPL10 SCN2A SETD2 SHANK1 SHANK2 SHANK3 SYN1 SYNGAP1 TBL1XR1 TBR1 TRIO TRIP12 UBE3A | EXAME | 180 | 45 | 135 | 6.200,00 | 5.096,00 | 7.058,00 | 4.320,00 | 10.500,00 | 4.320,00 | 6.634,80 | 2.399,69 | 36,17% | MÍNIMO | R\$ 194.400,00 | R\$ 583.200,00 | R\$ 777.600,00 |
| 189 | Pesquisa de Pannel de Baixa Estatura - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ACAN ADAMTS10 ANKRD11 ATR BRAF CBL CDC8 CDC6 CD11 CENPJ CEP152 CEP63 CHD7 COL10A1 COL2A1 COL9A1 COL9A2 COMP CREBBP CUL7 FBN1 FGF8 FGFR1 FGFR3 GH1 GHR GHRHR GLI2 GLI3 GNAS HESX1 HRAS IGF1 IGF1R IGF2 IGFALS IHH KRAS LHX3 LHX4 MAP2K1 NPCC NPR2 NRAS OBSL1 ORC1 ORC4 ORC6 OTX2 PAPSS2 PCNT PITX2 POU1F1 PRKARIA PROP1 PTH1R PTPN11 RAF1 | EXAME | 180 | 45 | 135 | 4.568,00 | 3.497,00 | 5.284,00 | 3.170,40 | NC | 3.170,40 | 4.129,85 | 973,84 | 23,58% | MÍNIMO | R\$ 142.668,00 | R\$ 428.004,00 | R\$ 570.672,00 |
| 190 | Pesquisa de Pannel de Câncer Colorretal Hereditário - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: APC ATM AXIN2 BARD1 BLM BMPRIA BRCA1 BRCA2 BRIP1 CDH1 CDK4 CDKN2A CHEK2 EGFR EPICAM FANCC PMK MBD4 MEN1 MET MLH1 MSH2 MSH3 MSH6 MUTYH NBN NTHL1 PALB2 PMS2 POLD1 POLE PTEN RABL3 RAD51C RAD51D RECQL RET RNF43 RPS20 SMAD4 STK11 TP53 | EXAME | 180 | 45 | 135 | 3.143,00 | 5.749,90 | 3.162,00 | 2.691,00 | NC | 2.691,00 | 3.686,48 | 1.392,73 | 37,78% | MÍNIMO | R\$ 121.095,00 | R\$ 363.285,00 | R\$ 484.380,00 |
| 191 | Pesquisa de Pannel de Câncer de Mama e Ovario Hereditários - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: APC ATM BAP1 BARD1 BLM BMPRIA BRCA1 BRCA2 BRIP1 CDH1 CDK4 CDKN2A CHEK2 EGFR EPICAM FANCC FANCM MEN1 MET MLH1 MSH2 MSH3 MSH6 MUTYH NBN NTHL1 PALB2 PMS2 POLD1 POLE PTEN RAD51C RAD51D RECQL RET STK11 TP53 | EXAME | 180 | 45 | 135 | 3.143,00 | 2.826,20 | 4.140,00 | 2.691,00 | NC | 2.691,00 | 3.200,05 | 654,64 | 20,46% | MÉDIO | R\$ 144.002,25 | R\$ 432.006,75 | R\$ 576.009,00 |
| 192 | Pesquisa de Pannel de Colestase Crônica - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ABCB11 ABCB4 ATP8B1 CFTR JAG1 KIF12 LSR MYO5B NR1H4 PPM1F SERPINA1 TJP2 USP53 VIPAS39 VP533B WDR830S | EXAME | 180 | 45 | 135 | 4.845,00 | 4.049,50 | 5.604,00 | 3.362,40 | NC | 3.362,40 | 4.465,23 | 971,27 | 21,75% | MÉDIO | R\$ 200.935,35 | R\$ 602.806,05 | R\$ 803.741,40 |
| 193 | Pesquisa de Pannel de Demências e Parkinson - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ABCD1 APP ARSA ATP13A2 ATP1A3 ATP7B CHMP2B CSF1R CYP27A1 DCTN1 DNAJC6 EIF4G1 FBXO7 FUS GALT GBA GCH1 GFAP GLA GRN HEXA HTRA2 ITM2B LMNB1 LRRK2 MAPT NOTCH3 NPC1 NPC2 PANK2 PARK7 PINK1 PLA2G6 PNKD POLG PPT1 PRKN PRKRA PRNP PRRT2 PSAP PSEN1 PSEN2 SGCE SLC2A1 SLC6A3 SNCA SPG11 SPR SQSTM1 TARDBP TH THAP1 TOR1A TREM2 | EXAME | 180 | 45 | 135 | 6.135,00 | 5.148,00 | 7.058,00 | 4.276,80 | NC | 4.276,80 | 5.654,45 | 1.204,89 | 21,31% | MÉDIO | R\$ 254.450,25 | R\$ 763.350,75 | R\$ 1.017.801,00 |
| 194 | Pesquisa de Pannel de Diabetes Monogênico (Maturity-Onset Diabetes of the Young - MODY) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ABCC8 APPL1 CEL EIF2AK3 GATA6 GCK HNF1A HNF1B HNF4A INS KCNJ11 KLF11 NEUROD1 NEUROG3 PDX1 PLAGL1 PTF1A RFX6 SH2B1 SLC19A2 SLC2A2 WFS1 ZFP57 | EXAME | 180 | 45 | 135 | 6.073,00 | 5.096,00 | 7.058,00 | 4.234,80 | NC | 4.234,80 | 5.615,45 | 1.220,15 | 21,73% | MÉDIO | R\$ 252.695,25 | R\$ 758.085,75 | R\$ 1.010.781,00 |
| 195 | Pesquisa de Pannel de Discinesia Ciliar Primária - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: CCDC103 CDC39 CDC40 CDC65 CCNO CFAP298 CFAP300 DNAAF1 DNAAF11 DNAAF2 DNAAF3 DNAAF4 DNAAF5 DNAAF6 DNAH1 DNAH11 DNAH5 DNAI1 DNAI2 DNAJB13 DNAL1 DRC1 GAS8 HYDIN NME8 ODAD1 ODAD2 ODAD3 ODAD4 RSPH1 RSPH3 RSPH4A RSPH9 SPAG1 ZMYND10 | EXAME | 180 | 45 | 135 | 6.073,00 | 5.096,00 | 7.058,00 | 4.234,80 | NC | 4.234,80 | 5.615,45 | 1.220,15 | 21,73% | MÉDIO | R\$ 252.695,25 | R\$ 758.085,75 | R\$ 1.010.781,00 |
| 196 | Pesquisa de Pannel de Dislipidemias - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: APOB LDLR LDLRAP1 PCSK9 | EXAME | 180 | 45 | 135 | 5.720,00 | 4.706,00 | 6.628,00 | 3.976,80 | NC | 3.976,80 | 5.257,70 | 1.159,96 | 22,06% | MÉDIO | R\$ 236.596,50 | R\$ 709.789,50 | R\$ 946.386,00 |

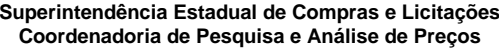
| ITEM | DESCRIÇÃO | UNID | QUANT. (A) | QUANT. DEST. EXCLUSIVA ME/EPF (B) | QUANT. DEST. AMPLA CONCORRÊNCIA (C) - [A-B] | EMP 1 | EMP 2 | EMP 3 | EMP 4 | EMP 5 | PREÇO MÍNIMO (D) | PREÇO MÉDIO (E) | DESVIO PADRÃO | COEFICIENTE DE VARIAÇÃO | PARÂMETRO UTILIZADO (MÍNIMO/MÉDIO) | SUBTOTAL EXCLUSIVO ME/EPF (F) - [B X D] | SUBTOTAL AMPLA CONCORRÊNCIA (G) - [C X E] | SUBTOTAL GERAL [F + G] |
|------|-------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|-------|------------|-----------------------------------|---------------------------------------------|----------|----------|----------|----------|-------|------------------|-----------------|---------------|-------------------------|------------------------------------|-----------------------------------------|-------------------------------------------|------------------------|
| 197 | Pesquisa de Painel de Distonias - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ADCY5 ANO3 ARG1 ARSA ATM ATP1A3 ATP7B CACNA1B COL6A3 CP GCDH GCH1 GNAL HPRT1 KCNMA1 KCTD17 MRE11 PANK2 PCNA PLA2G6 PNKD PRKN PRKRA PRRT2 RELN SGCE SLC2A1 SLC6A3 SPR TAF1 TH THAP1 TIMM8A TOR1A TUBB4A WDR45 | EXAME | 180 | 45 | 135 | 4.485,00 | 4.049,50 | 5.604,00 | 3.362,40 | NC | 3.362,40 | 4.375,23 | 940,54 | 21,50% | MÉDIO | R\$ 196.885,35 | R\$ 590.656,05 | R\$ 787.541,40 |
| 198 | Pesquisa de Painel de Distrofias Musculares, Miopatias e Miastenia - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ACTA1 AGRN ANOS B3GALNT2 B4GAT1 BAG3 BIN1 CAPN3 CAV3 CFL2 CHAT CHKB CHRNA1 CHRN81 CHRND CHRNE CNTN1 COL6A1 COL6A2 COL6A3 COLQ CPT2 CRYAB DAG1 DES DMD DNAJB6 DNM2 DOK7 DPAGT1 DPM1 DPM3 DYSF EMD FHL1 FKRP FKTN FLNC GAA GFPT1 GMPFB GNE HNRNPA1 HNRNPA2B1 IGHMBP2 ITGA7 KBTBD13 LAMA2 LARGE1 LOR2 LMANA MAGEL2 MATR2 MTM1 MUKC MYH7 MYO2 MYO7 NER OPA1 | EXAME | 180 | 45 | 135 | 6.135,00 | 5.330,00 | 7.058,00 | 4.320,00 | NC | 4.320,00 | 5.710,75 | 1.165,37 | 20,41% | MÉDIO | R\$ 256.983,75 | R\$ 770.951,25 | R\$ 1.027.935,00 |
| 199 | Pesquisa de Painel de Distúrbios da Função Renal - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: AGXT AQP2 ATP6V0A4 ATP6V1B1 AVPR2 BSND CLCNKA CLCNKB CLDN16 CLDN19 CNNM2 CTNS GLA GRHPR HOGA1 KCNJ1 SCNN1A SCNN1B SCNN1G SLC12A1 SLC12A3 SLC4A4 TRPM6 | EXAME | 180 | 45 | 135 | 6.073,00 | 5.096,00 | 7.058,00 | 4.234,80 | NC | 4.234,80 | 5.615,45 | 1.220,15 | 21,73% | MÉDIO | R\$ 252.695,25 | R\$ 758.085,75 | R\$ 1.010.781,00 |
| 200 | Pesquisa de Painel de Doença Policística Renal - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: DNAJB11 DZIP1L GANAB NOTCH2 PKD1 PKD2 PKHD1 | EXAME | 180 | 45 | 135 | 6.015,00 | 5.044,00 | 6.988,00 | 4.192,80 | NC | 4.192,80 | 5.559,95 | 1.208,54 | 21,74% | MÉDIO | R\$ 250.197,75 | R\$ 750.593,25 | R\$ 1.000.791,00 |
| 201 | Pesquisa de Painel de Doenças Auto-inflamatórias - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ADAMT17 ARPC1B CARD13 CD55 EGFR FOXP3 IL10RA IL10RB IL1RN IL36RN ITCH LPIN2 MEV MVK NLRCA4 NLRP12 NLRP3 NOD2 PLCG2 PSTPIP1 TNFAIP3 TNFRSF1A | EXAME | 180 | 45 | 135 | 6.301,00 | 5.148,00 | 7.200,00 | NC | NC | 5.148,00 | 6.216,33 | 1.028,62 | 16,55% | MÉDIO | R\$ 279.734,85 | R\$ 839.204,55 | R\$ 1.118.939,40 |
| 202 | Pesquisa de Painel de Doenças da Córnea - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ADAMTS18 AGBL1 ARL2 CPO CHRD11 CHST6 COL8A2 CRIM1 DCN GRIHL2 KERA KRT12 KRT3 LTBP2 NLRP1 OVO12 PIKFYVE PITX2 PLCB3 PRDM5 PXDN SLC16A12 SLC4A11 TACSTD2 TGFBI UBIAD1 ZEB1 ZNF469 | EXAME | 180 | 45 | 135 | NC | 7.293,00 | 8.988,00 | NC | NC | 7.293,00 | 8.140,50 | 1.198,55 | 14,72% | MÉDIO | R\$ 366.322,50 | R\$ 1.098.967,50 | R\$ 1.465.290,00 |
| 203 | Pesquisa de Painel de Doenças Mitocondriais (DNA Nuclear e Mitocondrial) - Painel de Doenças Mitocondriais (DNA Nuclear e Mitocondrial) análise, através da técnica de NGS, genes relacionados à doenças mitocondriais - mínimo de Genes Analisados: AARS2 ACA9 AIFM1 ATP5F1A ATP5F1C ATP5F2 BCIS1 BOLA3 C10orf CARS2 CHCHD10 COA8 COX10 COX14 COX15 COX20 COX6B1 CYC1 DARS2 DDC DGUOK DNA2 EARS2 ECHS1 ELAC2 FARS2 FASTKD2 FBXL4 FDX2 FDXR FOXRED1 GFER GFMI1 GTPBP3 HADHA HADHB IBA57 ISCA1 ISCA2 ISCU LIAS LIPT2 LRPPRC LVRM4 LYRM7 MARS2 MGME1 MICOS13 MPC1 MPV17 MRPL3 MRPL44 MRPS16 MRPS2 MRPS22 MRPS34 MRPS7 MSTO1 MT-ATP6 MT-ATP8 MT-CO1 MT-CO2 MT-CO3 MT-CYB MT-ND1 MT-ND2 MT-ND3 MT-ND4 MT-ND4L MT-ND5 MT-ND6 MT-TA MT-TC MT-TD MT-TE MT-TF MT-TG MT-TH MT-TI MT-TK MT-TL1 MT-TL2 MT-TM MT-TN MT-TP MT-TQ MT-TR MT-TS1 MT-TS2 MT-TV MT-TW MT-TY MTFMT MTO1 MTRFR NARS2 NDUFA1 NDUFA10 NDUFA11 NDUFA12 NDUFA2 NDUFA9 NDUFAF1 NDUFAF2 NDUFAF3 NDUFAF4 NDUFAF5 NDUFAF6 NDUFB3 NDUFB8 NDUFB9 NDUFB10 NDUFB11 NDUFB12 NDUFB13 NDUFB14 NDUFB15 NDUFB16 NDUFB17 NDUFB18 NDUFB19 NDUFB20 NDUFB21 NDUFB22 NDUFB23 NDUFB24 NDUFB25 NDUFB26 NDUFB27 NDUFB28 NDUFB29 NDUFB30 NDUFB31 NDUFB32 NDUFB33 NDUFB34 NDUFB35 NDUFB36 NDUFB37 NDUFB38 NDUFB39 NDUFB40 NDUFB41 NDUFB42 NDUFB43 NDUFB44 NDUFB45 NDUFB46 NDUFB47 NDUFB48 NDUFB49 NDUFB50 NDUFB51 NDUFB52 NDUFB53 NDUFB54 NDUFB55 NDUFB56 NDUFB57 NDUFB58 NDUFB59 NDUFB60 NDUFB61 NDUFB62 NDUFB63 NDUFB64 NDUFB65 NDUFB66 NDUFB67 NDUFB68 NDUFB69 NDUFB70 NDUFB71 NDUFB72 NDUFB73 NDUFB74 NDUFB75 NDUFB76 NDUFB77 NDUFB78 NDUFB79 NDUFB80 NDUFB81 NDUFB82 NDUFB83 NDUFB84 NDUFB85 NDUFB86 NDUFB87 NDUFB88 NDUFB89 NDUFB90 NDUFB91 NDUFB92 NDUFB93 NDUFB94 NDUFB95 NDUFB96 NDUFB97 NDUFB98 NDUFB99 NDUFB100 | EXAME | 180 | 45 | 135 | NC | 5.070,00 | 7.200,00 | 4.320,00 | NC | 4.320,00 | 5.530,00 | 1.494,09 | 27,02% | MÍNIMO | R\$ 194.400,00 | R\$ 583.200,00 | R\$ 777.600,00 |
| 204 | Pesquisa de Painel de Doenças raras - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ABCB11 ABCB4 ABCB8 ABCD1 ABCD4 ABCG8 ACAC9 ACAD9 ACADVL ACAT1 ADA ADAMTS13 AGL ALAD AK2 AKR1D1 ALA2 ALAS2 ALDH7A1 ALDOA ALDOB ALPL AMACR AMT APOA5 APOC2 AQP2 ARG1 ARSA ARSB ASL ASS1 ATP6V0A4 ATP6V1B1 ATP7A ATP7B ATP9B1 AVPR2 BAAT BCKDHA BCKDHB BCKDK BCL10 BLNK BSND BTK BTK CASA CAD CARD11 CASR CD247 CD320 CD3D CD3E CD3G CD40 CD40LG CD79A CD79B CDCA8 CFB CTR C11orf CLCNKA CLCNKB CLDN16 CLDN19 CNNM2 COL1A1 COL1A2 CORO1A CPOX CP51 CPT1A CPT2 CTNS CTP51 CXCR2 CXCR4 CYBB CYBC1 CYP11B1 CYP11B2 CYP17A1 CYP27A1 CYP27B1 CYP2R1 CYP7A1 CYP7B1 DBT DCIRE1C DDC DGAT1 DHFR DLD DMD DNAJC12 DNAJC21 DOCK2 DUOX2 DUOX2A EFL1 ELANE ETTA ETTB ETTD ETHE1 F8 F9 FAH FBP1 FCHO1 FECH FGA FLAD1 FOLR1 FOXE1 FOXN1 FOXP3 G6PC1 G6PC3 G6PD GAA GALT GALE GALK1 GALT1 GALT2 GALT3 GALT4 GALT5 GALT6 GALT7 GALT8 GALT9 GALT10 GALT11 GALT12 GALT13 GALT14 GALT15 GALT16 GALT17 GALT18 GALT19 GALT20 GALT21 GALT22 GALT23 GALT24 GALT25 GALT26 GALT27 GALT28 GALT29 GALT30 GALT31 GALT32 GALT33 GALT34 GALT35 GALT36 GALT37 GALT38 GALT39 GALT40 GALT41 GALT42 GALT43 GALT44 GALT45 GALT46 GALT47 GALT48 GALT49 GALT50 GALT51 GALT52 GALT53 GALT54 GALT55 GALT56 GALT57 GALT58 GALT59 GALT60 GALT61 GALT62 GALT63 GALT64 GALT65 GALT66 GALT67 GALT68 GALT69 GALT70 GALT71 GALT72 GALT73 GALT74 GALT75 GALT76 GALT77 GALT78 GALT79 GALT80 GALT81 GALT82 GALT83 GALT84 GALT85 GALT86 GALT87 GALT88 GALT89 GALT90 GALT91 GALT92 GALT93 GALT94 GALT95 GALT96 GALT97 GALT98 GALT99 GALT100 | EXAME | 180 | 45 | 135 | 6.200,00 | 5.070,00 | 7.200,00 | 4.320,00 | NC | 4.320,00 | 5.697,50 | 1.265,08 | 22,20% | MÉDIO | R\$ 256.387,50 | R\$ 769.162,50 | R\$ 1.025.550,00 |

| ITEM | DESCRIÇÃO | UNID | QUANT. (A) | QUANT. DEST. EXCLUSIVA MEIEPP (B) | QUANT. DEST. AMPLA CONCORRÊNCIA (C) - [A-B] | EMP 1 | EMP 2 | EMP 3 | EMP 4 | EMP 5 | PREÇO MÍNIMO (D) | PREÇO MÉDIO (E) | DESVIO PADRÃO | COEFICIENTE DE VARIAÇÃO | PARÂMETRO UTILIZADO (MÍNIMO/MÉDIO) | SUBTOTAL EXCLUSIVO MEIEPP (F) - [B X D] | SUBTOTAL AMPLA CONCORRÊNCIA (G) - [C X E] | SUBTOTAL GERAL [F + G] |
|------|---------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|-------|------------|-----------------------------------|---------------------------------------------|----------|----------|-----------|----------|-------|------------------|-----------------|---------------|-------------------------|------------------------------------|-----------------------------------------|-------------------------------------------|------------------------|
| 205 | Pesquisa de Paineis de Endocrinopatias Neonatais - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ABCC8 CYP11B1 CYP17A1 DUOX2 GCK GLIS3 GLUD1 HADH INSR IYO KCNJ11 LHX4 NR0B1 PAX8 POU1F1 PROP1 SLC16A1 SLC2A2 SLC5A5 TG THRA THRB THPO TSHB | EXAME | 180 | 45 | 135 | 6.073,00 | 4.966,00 | 7.058,00 | 4.234,80 | NC | 4.234,80 | 5.582,95 | 1.240,17 | 22,21% | MÉDIO | R\$ 251.232,75 | R\$ 753.698,25 | R\$ 1.004.931,00 |
| 206 | Pesquisa de Paineis de Epidermólise Bolhosa - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: CAST CD151 CDSN CHST8 COL17A1 COL7A1 CSTA DSP DST EXPH5 FERMT1 FLG2 ITGA3 ITGA6 ITGB4 KLHL24 KRT14 KRT5 LAMA3 LAMB3 LAMC2 MMP1 PLEC SERPINB8 TGM5 | EXAME | 180 | 45 | 135 | 6.364,00 | 5.066,10 | 7.200,00 | 4.436,40 | NC | 4.436,40 | 5.766,63 | 1.247,89 | 21,64% | MÉDIO | R\$ 259.498,35 | R\$ 778.495,05 | R\$ 1.037.993,40 |
| 207 | Pesquisa de Paineis de Epilepsias - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: AARS1 ACER3 ADAM22 ADGRV1 ADRA2B ADSL AIMP2 ALDH7A1 ALG13 AMT AP3B2 ARHGEF9 ARV1 ARX ASAH1 ATP13A2 ATP1A2 ATP1A3 ATP6V1A ATP7A ATP8A2 BRAF BRAT1 BSCL2 CACNA1A CACNA1D CACNA1E CACNB4 CAMK2A CASK CASR CCDC88A CDK5 CDKL5 CER1 CHD2 CHRNA2 CHRNA4 CHRNB2 CILK1 CLCN2 CLDN5 CLN3 CLN5 CLN6 CLN8 CLTC CNM22 CNPY3 CNTN2 CNTNAP2 CPA6 CPLX1 CSTB CTSD CYFIP2 DCX DDC DEAF1 DENND5A DEPDC5 DHDD5 DIAPH1 DIP2A DLAT DNAJC5 DNM1 DOCK7 EEF1A2 EIF2S3 EMX2 EPM2A EXT2 FOLR1 FOXG1 FRRS1L GABBR2 GABRA1 GABRA2 GABRA3 GABRA5 GABRB1 GABRB2 GABRB3 GABRG2 GAMT GATM GBA GCSH GLDC GNAO1 GOSR2 GPAA1 GRIA4 GRIN1 GRIN2A GRIN2B GRIN2D GRN HACE1 HCN1 HECW2 HEXA HEXB HNRNP1 IER3IP1 IQSEC2 ITPA KANSL1 KATNB1 KCNA1 KCNA2 KCNB1 KCNC1 KCNJ10 KCNMA1 KCNQ2 KCNQ3 KCNT1 KCNT2 KCTD17 KCTD3 KCTD7 LAMB1 LGI1 LIAS | EXAME | 180 | 45 | 135 | 6.073,00 | 5.818,80 | 8.526,00 | 5.115,60 | NC | 5.115,60 | 6.383,35 | 1.484,72 | 23,26% | MÍNIMO | R\$ 230.202,00 | R\$ 690.606,00 | R\$ 920.808,00 |
| 208 | Pesquisa de Paineis de Esclerose Tuberosa - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: TSC1 TSC2 | EXAME | 180 | 45 | 135 | 5.698,00 | 4.511,00 | 6.628,00 | 964,50 | NC | 964,50 | 4.450,38 | 2.480,16 | 55,73% | MÍNIMO | R\$ 43.402,50 | R\$ 130.207,50 | R\$ 173.610,00 |
| 209 | Pesquisa de Paineis de Feocromocitoma e Paraganglioma - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: MAX NF1 RET SDHA SDHAF2 SDHB SDHC SDHD TMEM127 VHL | EXAME | 180 | 45 | 135 | 6.015,00 | 3.497,00 | 6.988,00 | 4.132,80 | NC | 3.497,00 | 5.158,20 | 1.622,07 | 31,45% | MÍNIMO | R\$ 157.365,00 | R\$ 472.095,00 | R\$ 629.460,00 |
| 210 | Pesquisa de Paineis de Hemocromatose - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: CP HAMP HFE HJV SLC40A1 TFR2 | EXAME | 180 | 45 | 135 | 4.793,00 | 5.192,20 | 1.528,00 | 3.080,00 | NC | 1.528,00 | 3.648,30 | 1.684,50 | 46,17% | MÍNIMO | R\$ 68.760,00 | R\$ 206.280,00 | R\$ 275.040,00 |
| 211 | Pesquisa de Paineis de Hemofílias A e B - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: F8 F9 | EXAME | 180 | 45 | 135 | NC | 4.225,00 | 10.730,00 | 2.756,40 | NC | 2.756,40 | 5.903,80 | 4.243,62 | 71,88% | MÍNIMO | R\$ 124.038,00 | R\$ 372.114,00 | R\$ 496.152,00 |
| 212 | Pesquisa de Paineis de Ictiose e Displasia Ectodérmica - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ABCA12 ABHD5 ALDH3A2 ALOX12B ALOXE3 AP1S1 CDH1 CDH3 CDKN1 C6orf6 CSTA CYP4F22 DX3 EDA EDAR EDARADD ELOVL4 ERCC2 FLG GJA1 GJB2 GJB6 GJB12 HMXC13 HR HT122 ITPR2 JUP KIF1 KREMN1 KRT1 KRT10 KRT14 KRT2 KRT74 KRT85 LIPN LOXC1RIN MBTPS2 MSX1 NECTIN1 NECTIN4 NFKBIA NIPAL4 NLRP1 PKP1 PNP1LA1 POMP PRKD1 SLC27A4 SMARCA41 SNAP29 ST14 ST5 TGM1 TP63 TWIST2 WNT10A | EXAME | 180 | 45 | 135 | 6.135,00 | 5.018,00 | 7.128,00 | 4.276,80 | NC | 4.276,80 | 5.639,45 | 1.252,25 | 22,21% | MÉDIO | R\$ 253.775,25 | R\$ 761.325,75 | R\$ 1.015.101,00 |
| 213 | Pesquisa de Paineis de Imunodeficiências (Principais Genes) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flanqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ADA AICDA BLNK BTK CD247 CD3D CD3E CD3G CD40 CD40LG CD79A CD79B CIITA CYBA CYBB DCLE1C ELANE FOXN1 FOXP3 G6PC3 GATA2 GFI1 HAX1 IFNGR1 IFNGR2 IGLL1 IL12RB1 IL2RG IL7R JAK3 LRRC8A MAGT1 MPO MYD88 NCF2 NCF4 NHEJ1 ORAI1 PNP PRF1 PTPRC RAC2 RAG1 RAG2 RFX5 RFXANK RFXAP SH2D1A STAT1 STX11 STXB2 TAP1 TAP2 TAPBP UNC13D UNG WAS WIPF1 XIAP | EXAME | 180 | 45 | 135 | 4.568,00 | 5.070,00 | 7.058,00 | 4.320,00 | NC | 4.320,00 | 5.254,00 | 1.242,47 | 23,65% | MÍNIMO | R\$ 194.400,00 | R\$ 583.200,00 | R\$ 777.600,00 |

Página 21 de 26

Superintendência Estadual de Compras e Licitações
Coordenadoria de Pesquisa e Análise de Preços

| ITEM | DESCRIÇÃO | UNID | QUANT. (A) | QUANT. DEST. EXCLUSIVA MEIEPP (B) | QUANT. DEST. AMPLA CONCORRÊNCIA (C) - [A-B] | EMP 1 | EMP 2 | EMP 3 | EMP 4 | EMP 5 | PREÇO MÍNIMO (D) | PREÇO MÉDIO (E) | DESVIO PADRÃO | COEFICIENTE DE VARIAÇÃO | PARÂMETRO UTILIZADO (MÍNIMO/MÉDIO) | SUBTOTAL EXCLUSIVO MEIEPP (F) - [B X D] | SUBTOTAL AMPLA CONCORRÊNCIA (G) - [C X E] | SUBTOTAL GERAL [F + G] |
|------|-----------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|-------|------------|-----------------------------------|---------------------------------------------|----------|----------|----------|----------|-------|------------------|-----------------|---------------|-------------------------|------------------------------------|-----------------------------------------|-------------------------------------------|------------------------|
| 221 | Pesquisa de Pannel de Pancreatites - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: APOA5 APOC2 CFTR CTSC GPIHBP1 LMF1 LPL PRSS1 SPINK1 | EXAME | 180 | 45 | 135 | 4.568,00 | 3.497,00 | 7.200,00 | 3.170,40 | NC | 3.170,40 | 4.608,85 | 1.827,66 | 39,66% | MÍNIMO | R\$ 142.668,00 | R\$ 428.004,00 | R\$ 570.672,00 |
| 222 | Pesquisa de Pannel de Paraplegias Espásticas e Esclerose Lateral Amiotrófica - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ABCD1 ALS2 ANG AP4B1 AP4E1 AP4M1 AP4S1 AP521 ARG1 ATLL BSCL2 CHMP2B CYP7B1 DYNC1H1 ERBB4 ERLIN2 FA2H FIG4 FUS GARS1 GJC2 HSPB1 HSPB8 HSPD1 IGHMBP2 KIF1A KIF5A L1CAM MATR3 MTRFR NEK1 NIPA1 OPTN PARK7 PFN1 PLP1 PNPLA6 REEP1 RNF170 RTN2 SACS SETX SIGMAR1 SLC33A1 SOD1 SPART SPAST SPG11 SPG21 SPG7 SQSTM1 TARDBP TBK1 TP73 TRPV4 UBQLN2 VAPB VCP WASHC5 ZFYVE26 | EXAME | 180 | 45 | 135 | 6.135,00 | 5.018,00 | NC | 4.276,80 | NC | 4.276,80 | 5.143,27 | 935,41 | 18,19% | MÉDIO | R\$ 231.447,15 | R\$ 694.341,45 | R\$ 925.788,60 |
| 223 | Pesquisa de Pannel de Retinopatias Hereditárias - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ABCA4 ABCB5 ABCC6 ABCD1 ABHD12 ACO2 ADAM9 ADGRV1 AGBL5 AHI1 AHR AIPL1 ALMS1 ALPK1 AMACR ARFGAP2 ARHGFE18 ARL13B ARL2BP ARL6 ARSG ASRGL1 ATF6 B9D1 B9D2 BBIP1 BBS1 BBS10 BBS12 BBS2 BBS4 BBS5 BBS7 BBS9 BEST1 C1QTNF5 CA4 CABP4 CACNA1F CACNA2D4 CASK CC2D2A CDH23 CDH3 CDH11 CEP250 CEP290 CEP41 CEP78 CERKL CFAP410 CFH CHM CISD2 CLCC1 CLN3 CLN5 CLN6 CLN8 CLRN1 CNGA1 CNGA3 CNGB1 CNGB3 CNNM4 COL18A1 COL9A3 CPLANE1 CRB1 CROCC CRX CTNNA1 CTSD CWC27 CYP4V2 DHDD5 DHX38 DNAJC17 DNAJC5 DYNC2H1 EFEMP1 ELOVL4 ESPN EXOSC2 EYS FAM161A FLVCR1 FRMD7 FSCN2 FZD4 GDF6 GJB2 GJB6 GNAT1 GNAT2 GNPTG GPR143 GPR179 GRK1 GRM6 GRN GUCA1A GUCA1B GUCY2D HGSNAT HK1 HMCN1 HMX1 IDH3A IDH3B IFT140 IFT172 IFT27 IFT43 IGFBP7 IMPDH1 IMPG1 IMPG2 INPP5E IQCB1 IRX5 ITM2B KCNJ13 KCNV2 KCTD7 KIAA1549 KIF3B KIF7 KIZ KLHL7 | EXAME | 180 | 45 | 135 | 6.073,00 | 4.966,00 | 7.058,00 | 4.276,80 | NC | 4.276,80 | 5.593,45 | 1.225,04 | 21,90% | MÉDIO | R\$ 251.705,25 | R\$ 755.115,75 | R\$ 1.006.821,00 |
| 224 | Pesquisa de Pannel de Síndrome Hemolítica-Urêmica - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: C3 CD46 CFB CFH CFI THBD | EXAME | 180 | 45 | 135 | 4.795,00 | 3.892,20 | 5.604,00 | 3.328,80 | NC | 3.328,80 | 4.405,00 | 1.001,81 | 22,74% | MÉDIO | R\$ 198.225,00 | R\$ 594.675,00 | R\$ 792.900,00 |
| 225 | Pesquisa de Pannel de Síndrome Nefrótica - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ACTN4 ADGRE1 ARHGAP24 ARHGIDA ARHGFE17 AVIL CD2AP COL4A3 COL4A4 COL4A5 COQ2 COQ6 COQ8B DGKE EMP2 FN1 IFIH1 IL36G INF2 ITGA3 KANK1 KANK2 LAMB2 LMX1B MAGI2 MYH9 MYO1E NPHS1 NPHS2 NUP107 NUP133 NUP160 NUP205 NUP85 NUP93 PAX2 PDSS2 PLCE1 PMM2 PTPRO SCARB2 SGPL1 SLC17A5 SMARCAL1 TBC1D8B TRPC6 WNK4 WT1 XPOS | EXAME | 180 | 45 | 135 | 6.073,00 | 4.966,00 | 7.058,00 | 4.276,80 | NC | 4.276,80 | 5.593,45 | 1.225,04 | 21,90% | MÉDIO | R\$ 251.705,25 | R\$ 755.115,75 | R\$ 1.006.821,00 |
| 226 | Pesquisa de Pannel de Surdez (GJB2/GJB6) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: GJB2 GJB6 | EXAME | 180 | 45 | 135 | 6.200,00 | 2.730,00 | 4.792,00 | 4.276,80 | NC | 2.730,00 | 4.499,70 | 1.432,71 | 31,84% | MÍNIMO | R\$ 122.850,00 | R\$ 368.550,00 | R\$ 491.400,00 |
| 227 | Pesquisa de Pannel de Surdez Hereditária (Expandido) - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ACTB ACTG1 ADGRV1 ATP6V0A4 ATP6V1B1 BC31L BSND CATSPER2 CDC50 CDH23 CEACAM16 CEMIP CLDN14 CLRN1 COCH COL11A2 COL9A2 COL9A3 CRYM DIAPH1 DSSP ECE1 EDNRA EDNRB ERCC2 ERCC3 ESRN ESRRB EYA4 FAS FGF3 FGFR3 GATA3 GIPC3 GJA1 GJB1 GJB2 GJB3 GJB4 GJB6 GPSM2 GRHL2 GRXCR1 GSDME HGF ILDR1 JAG1 KCNJ10 KCNQ1 KCNQ4 LHPF15 LHX3 LOXHD1 MARVELD2 MITF MSRB3 MTAP MYH14 MYH9 MYO15A MYO3A MYO6 MYO7A MYOC NDP NR2F1 OTOA OTOF PAX3 PCDH15 PDZD7 PIVK PMP22 POU3F4 POU4F3 PRPS1 PTPRQ RDX SERPINB6 SIX1 SIX5 SLC17A8 SLC26A4 SLC26A5 SLC4A11 SMPX SNAI2 SOX2 SPINK5 STRC TBL1X TECTA TIMM8A TJP2 TMCI1 TMIE TMPRSS3 TPRN TRIOBP USH1C USH1G USH2A WFS1 WHRN | EXAME | 180 | 45 | 135 | 4.158,00 | 5.070,00 | 4.792,00 | 4.276,80 | NC | 4.158,00 | 4.574,20 | 430,09 | 9,40% | MÉDIO | R\$ 205.839,00 | R\$ 617.517,00 | R\$ 823.356,00 |
| 228 | Pesquisa de Pannel de Trombofilias - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: ADAMTS13 F2 F5 PROC PROS1 SERPINC1 TAP2 TAPBP UNC13D UNG WAS WIPF1 XIAP | EXAME | 180 | 45 | 135 | 6.015,00 | 1.571,70 | 5.084,00 | 4.192,80 | NC | 1.571,70 | 4.215,88 | 1.913,35 | 45,38% | MÍNIMO | R\$ 70.726,50 | R\$ 212.179,50 | R\$ 282.906,00 |
| 229 | Pesquisa de Pannel Distúrbios do Neurodesenvolvimento e do Movimento - sequenciamento completo (éxons e regiões intrônicas flaqueadoras) e avaliação do número de cópias (CNV) - mínimo de Genes Analisados: AARS2 ABAT ACAD9 ACTL6B ADCY5 ALDH5A1 ALDH7A1 ALG13 AMACR AP3B2 ARHGFE9 ARX ATP1A2 ATP1A3 ATP7A ATP7B ATP8A2 BCAP31 CACNA1A CACNA1B COKL5 COQ4 COQ7 COQ9 COX20 COX6B1 CPT1A CTDPI1 DDC DDX3X DEAF1 DGUOK DHDD5 DHX30 DMD DNAJC12 FBXL4 FOLR1 FOXG1 FRR5L1 GABRA1 GABRA2 GABRB3 GABRG2 GATM GATM.GBA.GCDH.GCH1.GNAO1.GNR2.GRIA4.GRIN1.GRIN2B.GRIN2D.HADHA | EXAME | 180 | 45 | 135 | 6.200,00 | 5.070,00 | 7.200,00 | 4.320,00 | NC | 4.320,00 | 5.697,50 | 1.265,08 | 22,20% | MÉDIO | R\$ 256.387,50 | R\$ 769.162,50 | R\$ 1.025.550,00 |

Página 23 de 26

Superintendência Estadual de Compras e Licitações
Coordenadoria de Pesquisa e Análise de Preços

| ITEM | DESCRIÇÃO | UNID | QUANT. (A) | QUANT. DEST. EXCLUSIVA MEPEP (B) | QUANT. DEST. AMPLA CONCORRÊNCIA (C) - [A-B] | EMP 1 | EMP 2 | EMP 3 | EMP 4 | EMP 5 | PREÇO MÍNIMO (D) | PREÇO MÉDIO (E) | DESVIO PADRÃO | COEFICIENTE DE VARIAÇÃO | PARÂMETRO UTILIZADO (MÍNIMO/MÉDIO) | SUBTOTAL EXCLUSIVO MEPEP (F) - [B X D] | SUBTOTAL AMPLA CONCORRÊNCIA (G) - [C X E] | SUBTOTAL GERAL [F + G] |
|------|----------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|-------|------------|----------------------------------|---------------------------------------------|----------|-----------|----------|----------|-----------|------------------|-----------------|---------------|-------------------------|------------------------------------|----------------------------------------|-------------------------------------------|------------------------|
| 242 | PESQUISA DE TOXINAS A E B DE CLOSTRIDIUM NAS FEZES | EXAME | 180 | 180 | NÃO APLICÁVEL | 248,00 | 254,80 | 226,00 | 183,60 | 245,00 | 183,60 | 231,48 | 28,82 | 12,45% | MÉDIO | R\$ 41.666,40 | - | R\$ 41.666,40 |
| 243 | PESQUISA DE ANTICORPOS IgG ANTI- ANTÍGENO HEPÁTICO SOLÚVEL (M2, LKM1, LC1, SLA, Sp100, gp210) | EXAME | 732 | 183 | 549 | 882,00 | 1.098,50 | 942,00 | 365,40 | 1.050,00 | 365,40 | 867,58 | 293,48 | 33,83% | MÍNIMO | R\$ 66.868,20 | R\$ 200.604,60 | R\$ 267.472,80 |
| 244 | PESQUISA DO GENE DA PROTROMBINA MUTANTE (FATOR II 20210) | EXAME | 708 | 177 | 531 | 427,00 | 546,00 | 406,00 | 365,40 | 481,32 | 365,40 | 445,14 | 70,18 | ### | MÉDIO | R\$ 78.789,78 | R\$ 236.369,34 | R\$ 315.159,12 |
| 245 | PESQUISA DE ANTICOAGULANTE LÚPICO | EXAME | 1152 | 1.152 | NÃO APLICÁVEL | 134,00 | 67,60 | 80,00 | 59,40 | 78,50 | 59,40 | 83,90 | 29,24 | 34,85% | MÍNIMO | R\$ 68.428,80 | - | R\$ 68.428,80 |
| 246 | QUANTIFICAÇÃO DO INIBIDOR DO FATOR IX DA COAGULAÇÃO | EXAME | 180 | 180 | NÃO APLICÁVEL | 660,00 | 556,40 | 680,00 | 612,00 | 110,95 | 110,95 | 523,87 | 235,71 | 44,95% | MÍNIMO | R\$ 19.971,00 | - | R\$ 19.971,00 |
| 247 | QUANTIFICAÇÃO DO INIBIDOR DO FATOR VIII DA COAGULAÇÃO | EXAME | 180 | 180 | NÃO APLICÁVEL | 2.393,00 | 1.913,60 | 2.530,00 | 1.772,00 | 171,78 | 171,78 | 1.756,08 | 940,70 | 53,57% | MÍNIMO | R\$ 30.920,40 | - | R\$ 30.920,40 |
| 248 | REAÇÃO DE PANDY | EXAME | 720 | 720 | NÃO APLICÁVEL | 99,00 | 36,40 | 60,00 | 28,00 | 78,60 | 28,00 | 60,40 | 29,36 | 48,60% | MÍNIMO | R\$ 20.160,00 | - | R\$ 20.160,00 |
| 249 | RT PCR PARA LEISHMANIOSE TEGUMENTAR AMERICANA | EXAME | 360 | 90 | 270 | 466,00 | 356,20 | NC | 412,20 | 630,00 | 356,20 | 466,10 | 118,11 | 25,34% | MÍNIMO | R\$ 32.058,00 | R\$ 96.174,00 | R\$ 128.232,00 |
| 250 | RT PCR PARA LEISHMANIOSE VISCERAL | EXAME | 180 | 180 | NÃO APLICÁVEL | NC | 356,20 | NC | 412,20 | 630,00 | 356,20 | 466,13 | 144,65 | 31,03% | MÍNIMO | R\$ 64.116,00 | - | R\$ 64.116,00 |
| 251 | RT-PCR BCR/ABL quantitativo no segmento de LMC; | EXAME | 768 | 192 | 576 | 2.997,00 | 3.679,00 | 5.604,00 | 990,00 | 4.808,13 | 990,00 | 3.615,63 | 1.778,79 | 49,20% | MÍNIMO | R\$ 190.080,00 | R\$ 570.240,00 | R\$ 760.320,00 |
| 252 | SEQUENCIAMENTO COMPLETO DO EXOMA - (Mutações de ponto (substituições); Indels (pequenas deleções e duplicações); CNVs (grandes deleções e duplicações); Análise de alteração do número de cópias (CNVs); Confirmação de variantes; Variantes Mitochondriais; Análise de achados incidentais; Análise de genes clinicamente mais relevantes). Mínimo de Genes analisados: Análise de ≥ 22 mil genes do genoma humano. | EXAME | 180 | 45 | 135 | 7.200,00 | 22.100,00 | 9.784,67 | 5.028,00 | 15.050,00 | 5.028,00 | 11.832,53 | 6.850,71 | 57,90% | MÍNIMO | R\$ 226.260,00 | R\$ 678.780,00 | R\$ 905.040,00 |
| 253 | SEQUENCIAMENTO COMPLETO DO GENE GJB2 - SURDEZ GENETICA | EXAME | 444 | 111 | 333 | 3.987,00 | 3.315,00 | 956,00 | 3.596,40 | 6.300,00 | 956,00 | 3.630,88 | 1.304,40 | 52,45% | MÍNIMO | R\$ 106.116,00 | R\$ 318.348,00 | R\$ 424.464,00 |

Superintendência Estadual de Compras e Licitações
Coordenadoria de Pesquisa e Análise de Preços

| ITEM | DESCRIÇÃO | UNID | QUANT. (A) | QUANT. DEST. EXCLUSIVA MEIEPP (B) | QUANT. DEST. AMPLA CONCORRÊNCIA (C) - [A-B] | EMP 1 | EMP 2 | EMP 3 | EMP 4 | EMP 5 | PREÇO MÍNIMO (D) | PREÇO MÉDIO (E) | DESVIO PADRÃO | COEFICIENTE DE VARIAÇÃO | PARÂMETRO UTILIZADO (MÍNIMO/MÉDIO) | SUBTOTAL EXCLUSIVO MEIEPP (F) - [B X D] | SUBTOTAL AMPLA CONCORRÊNCIA (G) - [C X E] | SUBTOTAL GERAL [F + G] |
|------|---------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|-------|------------|-----------------------------------|---------------------------------------------|-----------|-----------|-----------|-----------|-----------|------------------|-----------------|---------------|-------------------------|------------------------------------|-----------------------------------------|-------------------------------------------|------------------------|
| 254 | SEQUENCIAMENTO COMPLETO DO GENE MBTP52 | EXAME | 444 | 111 | 333 | 7.910,00 | 6.097,00 | 1.500,00 | 5.528,40 | 14.000,00 | 1.500,00 | 7.007,08 | 4.556,83 | 65,03% | MÍNIMO | R\$ 166.500,00 | R\$ 499.500,00 | R\$ 666.000,00 |
| 255 | SEQUENCIAMENTO EXOMA TRIO (CLÍNICO) - sequenciação do caso index (afetado) e dos familiares não afetados (progenitores) - (Mutações de ponto (substituições); Indels (pequenas deleções e duplicações); CNVs (grandes deleções e duplicações); Análise de alteração do número de cópias (CNVs); Confirmação de variantes; Variantes Mitocondriais; Análise de achados incidentais; Análise de genes clinicamente mais relevantes). Mínimo de Genes analisados: Análise de ≥ 6.000 genes do genoma humano. (5969 genes nucleares + 37 genes mitocondriais). | EXAME | 180 | 45 | 135 | 18.110,00 | 15.095,60 | 21.224,00 | NC | NC | 15.095,60 | 18.143,20 | 3.064,33 | 16,89% | MÉDIO | R\$ 816.444,00 | R\$ 2.449.332,00 | R\$ 3.265.776,00 |
| 256 | SEQUENCIAMENTO EXOMA TRIO COMPLETO - sequenciação do caso index (afetado) e dos familiares não afetados (progenitores) - (Mutações de ponto (substituições); Indels (pequenas deleções e duplicações); CNVs (grandes deleções e duplicações); Análise de alteração do número de cópias (CNVs); Confirmação de variantes; Variantes Mitocondriais; Análise de achados incidentais; Análise de genes clinicamente mais relevantes). Mínimo de Genes analisados: Análise de ≥ 22 mil genes do genoma humano. | EXAME | 180 | 45 | 135 | 18.110,00 | 15.095,60 | 21.224,00 | 12.734,40 | NC | 12.734,40 | 16.791,00 | 3.684,27 | 21,94% | MÉDIO | R\$ 755.595,00 | R\$ 2.266.785,00 | R\$ 3.022.380,00 |
| 257 | Mendelioma (Exoma Clínico) - (Mutações de ponto (substituições); Indels (pequenas deleções e duplicações); CNVs (grandes deleções e duplicações); Análise de alteração do número de cópias (CNVs); Confirmação de variantes; Variantes Mitocondriais; Análise de achados incidentais; Análise de genes clinicamente mais relevantes). Mínimo de Genes analisados: Análise de aproximadamente ≥ 6 000 genes do genoma humano. (5969 genes nucleares + 37 genes mitocondriais) | EXAME | 180 | 45 | 135 | NC | 15.095,60 | 10.580,00 | NC | NC | 10.580,00 | 12.837,80 | 3.193,01 | 24,87% | MÍNIMO | R\$ 476.100,00 | R\$ 1.428.300,00 | R\$ 1.904.400,00 |
| 258 | Talassemia Alfa: MLPA (deleções e/ou duplicações) dos genes HBA1 e HBA2 | EXAME | 180 | 45 | 135 | 1.836,00 | 1.560,00 | 7.200,00 | 1.345,50 | 2.800,00 | 1.345,50 | 2.948,30 | 2.440,83 | 82,79% | MÍNIMO | R\$ 60.547,50 | R\$ 181.642,50 | R\$ 242.190,00 |
| 259 | Talassemia Beta: Sequenciamento do gene HBB | EXAME | 180 | 45 | 135 | 4.208,00 | 3.502,20 | 5.604,00 | 2.910,00 | 6.650,00 | 2.910,00 | 4.574,84 | 1.534,79 | 33,55% | MÍNIMO | R\$ 130.950,00 | R\$ 392.850,00 | R\$ 523.800,00 |
| 260 | TESTE DE FALCIZAÇÃO HEMOGLOBINA S - TESTE DE SOLUBILIDADE | EXAME | 864 | 864 | NÃO APLICÁVEL | 95,00 | 31,20 | 500,00 | 30,00 | 99,60 | 30,00 | 151,16 | 197,85 | 130,89% | MÍNIMO | R\$ 25.920,00 | - | R\$ 25.920,00 |
| 261 | TESTE IMUNOLÓGICO PARA GIARDIA LAMBLIA | EXAME | 300 | 300 | NÃO APLICÁVEL | 167,00 | 126,10 | 500,00 | 108,00 | 157,50 | 108,00 | 211,72 | 162,89 | 76,94% | MÍNIMO | R\$ 32.400,00 | - | R\$ 32.400,00 |
| 262 | TESTE RÁPIDO STREPTOCOCCUS GRUPO A | EXAME | 1380 | 345 | 1.035 | 219,00 | 135,20 | 600,00 | 153,00 | 245,00 | 135,20 | 270,44 | 189,73 | 70,15% | MÍNIMO | R\$ 46.644,00 | R\$ 139.932,00 | R\$ 186.576,00 |
| 263 | TIPAGEM DE LINFÓCITOS "B" | EXAME | 180 | 180 | NÃO APLICÁVEL | 205,00 | 109,20 | 950,00 | 203,40 | 175,00 | 109,20 | 328,52 | 349,58 | 106,41% | MÍNIMO | R\$ 19.656,00 | - | R\$ 19.656,00 |
| 264 | TIPAGEM DE LINFÓCITOS "T" | EXAME | 180 | 180 | NÃO APLICÁVEL | 205,00 | 124,80 | 650,00 | 203,40 | 175,00 | 124,80 | 271,64 | 213,98 | 78,77% | MÍNIMO | R\$ 22.464,00 | - | R\$ 22.464,00 |
| 265 | TRIAGEM AMPLIADA PARA ERROS INATOS DO METABOLISMO - EIM - SANGUE | EXAME | 444 | 111 | 333 | 6.200,00 | 722,80 | 10.500,00 | 889,20 | 1.050,00 | 722,80 | 3.872,40 | 4.362,57 | 112,66% | MÍNIMO | R\$ 80.230,80 | R\$ 240.692,40 | R\$ 320.923,20 |

| ITEM | DESCRIÇÃO | UNID | QUANT.(A) | QUANT. DEST. EXCLUSIVA ME/EPP (B) | QUANT. DEST. AMPLA CONCORRÊNCIA (C) - [A-B] | EMP 1 | EMP 2 | EMP 3 | EMP 4 | EMP 5 | PREÇO MÍNIMO (D) | PREÇO MÉDIO (E) | DESVIO PADRÃO | COEFICIENTE DE VARIAÇÃO | PARÂMETRO UTILIZADO (MÍNIMO/MÉDIO) | SUBTOTAL EXCLUSIVO ME/EPP (F) - [B X D] | SUBTOTAL AMPLA CONCORRÊNCIA (G) - [C X E] | SUBTOTAL GERAL [F + G] |
|-------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|-----------------------------------------------------------------|-------|-----------|-----------------------------------|-----------------------------------------------|--------|--------|-----------|--------|----------|------------------|--------------------------------|---------------|-------------------------|------------------------------------|-----------------------------------------|-------------------------------------------|------------------------|
| 266 | TRIAGEM AMPLIADA PARA ERROS INATOS DO METABOLISMO - EIM - URINA | EXAME | 444 | 111 | 333 | 461,00 | 722,80 | 10.500,00 | 889,20 | 1.050,00 | 461,00 | 2.724,60 | 4.352,04 | 159,73% | MÍNIMO | R\$ 51.171,00 | R\$ 153.513,00 | R\$ 204.684,00 |
| <div>LEGENDA: NC = Não encontrado * = Valor excluído por elevar a taxa de desvio padrão acima de 20% conforme estipulado na Portaria nº 238/2019/SUPEL-CI</div> <div>NOTA EXPLICATIVA: IDENTIFICAÇÃO DAS COTAÇÕES</div> <div>EMP1 WWR DIAGNÓSTICO CLINICO LABORATORIAL - CNPJ: 25.247.173/0001-30 EMP2 GRUPO D'SAÚDE EMP3 LABORATÓRIO BIOCHECKUP - CNPJ: 04.917.001/0001-56 EMP4 SAMAR LABORATÓRIOS E DIAGNOSTICOS - CNPJ: 00.894.710/0012-65 EMP5 LABORATÓRIO DE ANÁLISES CLINICAS SÃO LUIZ LTDA - CNPJ: 15.863.103/0001-52</div> <div>1) NC 2) As descrições foram reduzidas neste quadro comparativo, porém se encontra completas no termo de referência ().</div> | | | | | | | | | | | | VALOR TOTAL EXCLUSIVO ME/EPP | | R\$ | 32.276.584,95 | | | |
| | | | | | | | | | | | | VALOR TOTAL AMPLA CONCORRÊNCIA | | R\$ | 89.195.408,73 | | | |
| | | | | | | | | | | | | VALOR TOTAL | | R\$ | 121.471.993,68 | | | |

MODELO DE ATESTADO DE CAPACIDADE TÉCNICA

(Em papel timbrado da empresa ou órgão emitente)

Atestamos, para os devidos fins, que a empresa [nome da empresa prestadora de serviços, em negrito], inscrita no CNPJ sob o nº _____, estabelecida na Rua _____, nº __, bairro _____, na cidade de _____, Estado de _____, prestou serviços de Natureza Laboratorial: (especificar as SUB ÁREAS de atuação detalhando o(s) tipo(s) de Serviço(s)) totalizando o valor aproximado de: (descrever o valor total dos serviços) à [nome da empresa/órgão contratante, em negrito], CNPJ nº _____, estabelecida na Rua _____, nº __, bairro _____, na cidade de _____, Estado de _____, no período de dd/mm/aaaa a dd/mm/aaaa.

Registramos que a empresa prestou serviços [descrição dos serviços prestados, especificando o prazo de execução, o valor do contrato e o número da Nota Fiscal].

Informamos ainda que as prestações dos serviços acima referidos apresentaram bom desempenho operacional, tendo a empresa cumprido fielmente com suas obrigações, nada constando que a desabone técnica e comercialmente, até a presente data.

Por ser verdade, firmamos a presente.

Cidade/Estado, _____ de _____ de _____.

Assinatura do Representante Legal da Empresa/órgão,

Nome Completo e CPF do Representante Legal da Empresa/órgão

Cargo/

MODELO MINUTA DO TERMO DE CREDENCIAMENTO

I – PARTES

A Secretaria de Estado da Saúde – SESA, inscrita no CNPJ/MF nº 04.287.520/0001-88, com sede na Avenida Farquar, 2.986 – Complexo do Palácio Rio Madeiras (Prédio Rio Machado), Bairro Pedrinhas - Porto Velho/RO, neste ato representada pelo(a) Secretário(a) de Estado da Saúde, XXX, portador do CPF/MF nº XXX, na forma prescrita no art. 41, IV. da Lei Complementar nº 965 de 20 de dezembro de 2017, daqui por diante denominada CREDENCIANTE e de outro,, pessoa jurídica, inscrita no CNPJ/MF sob nº., brasileiro (a) residente na cidade de, Estado do, à Rua/Av.... .., nº., CEP....., Fone e-mail....., doravante denominada CREDENCIADA.

II – DA FUNDAMENTAÇÃO LEGAL

Este Termo de Credenciamento é celebrado em conformidade com o edital de CREDENCIAMENTO/CHAMAMENTO PÚBLICO Nº. ____/202__, instaurado pela CREDENCIANTE, homologado em ____/____/____ e será regido em conformidade com a Lei Nacional nº. 14.133/2021, além das disposições previstas no Edital e seus anexos, integrantes entre si, para todos os efeitos legais.

CLÁUSULA 1.^a – DO OBJETO

- 1.1. Contratação de Credenciados que atuem na prestação de serviços para realização de exames e procedimentos na área de diagnose por imagem nos subgrupos de diagnósticos por tomografia computadorizada com seus respectivos laudos, de forma complementar, para atender as necessidades dos usuários da Região de Saúde Madeira Mamoré.
- 1.2. Este instrumento contratual guarda inteira conformidade com os termos do respectivo Edital de Credenciamento e seus Anexos, como se aqui estivessem integralmente transcritos, vinculando-se em todos os seus termos.
- 1.3. Havendo conflito entre este Termo de Credenciamento e o Edital, prevalecerá o último.

CLÁUSULA 2.^a – DO PREÇO

- 2.1. O valor unitário do plantão, conforme tabela informada no item **.2. do Termo de Referência de Credenciamento/Chamamento Público nº. ____/202__, é de mensal R\$, totalizando a quantia anual de R\$

CLÁUSULA 3.^a – CONDIÇÕES DE EXECUÇÃO

- 3.1. A execução será realizado nos termos do item 4. do termo de referência.

CLÁUSULA 4.^a – DO PRAZO DE VIGÊNCIA

- 4.1 O contrato terá um prazo de vigência de 12 (doze) meses a partir da data da última assinatura contratual.
- 4.1 Os contratos originados deste CREDENCIAMENTO terão vigência de 12 meses, podendo ser prorrogados por sucessivos e iguais períodos, respeitada a vigência máxima de 05 (cinco) anos, nos termos do art. 89; 95; 95; 105, 106; 107 e seus incisos da Lei Federal 14.133/21, de acordo com a necessidade e justificativa da CONTRATANTE, e acordo entre as partes.

CLÁUSULA 5.^a - DO PAGAMENTO

- 5.1. O pagamento será realizado nos termos do item ** do termo de referência.

CLÁUSULA 6.^a – REAJUSTE DO CONTRATO

- 6.1 O reajuste será realizado nos termos do item ** do Termo de Referência.

CLÁUSULA 7.^a - DAS OBRIGAÇÕES DA CREDENCIANTE

- 7.1. As obrigações da Credenciante serão as dispostas no item ** do Termo de Referência, sem prejuízo de outras que se fizerem necessárias no decorrer da execução dos serviços.

CLÁUSULA 8.^a - DAS OBRIGAÇÕES DA CREDENCIADA

8.1. As obrigações da Credenciada serão as dispostas no item ** do termo de referência, sem prejuízo de outras que se fizerem necessárias no decorrer da execução dos serviços.

CLÁUSULA 9.^a – DA CESSÃO, DA SUBCONTRATAÇÃO E TRANSFERÊNCIA DO CONTRATO

9.1. A cessão, da subcontratação e transferência do contrato, nos termos dispostos no item *** do Termo de Referência.

CLÁUSULA 10.^a – DAS SANÇÕES

10.1. A não prestação, ou prestação falha dos serviços objeto deste Credenciamento, sujeitará o credenciado às sanções previstas no item *** do Termo de Referência, sem prejuízo de outras medidas judiciais e administrativas cabíveis.

CLÁUSULA 11 –DOS CASOS DE DESCREDENCIAMENTO

11.1. O descredenciamento poderá ser realizado nas hipóteses previstas no item **** do Termo de Referência.

CLÁUSULA 12 – DA LEGISLAÇÃO APLICÁVEL

12.1 Este instrumento contratual rege-se pelas disposições expressas na Lei Federal nº. 14.133/2021, e, ainda, pelos preceitos de direito público, aplicando-se supletivamente, os princípios da teoria geral dos Termo de Credenciamento e as disposições de direito privado.

CLÁUSULA 13 – DAS CONDIÇÕES DE HABILITAÇÃO E QUALIFICAÇÃO

13.1 A CREDENCIADA deverá manter durante a execução do Termo de Credenciamento, em compatibilidade com as obrigações assumidas, as condições de habilitação e qualificação exigidas no credenciamento.

CLÁUSULA 14 – DA PUBLICAÇÃO

14.1 A Credenciante publicará o presente instrumento, por extrato, no Diário Oficial do Estado, até o 5º (quinto) dia útil do mês seguinte ao de sua assinatura.

CLÁUSULA 15 – DOS CASOS OMISSOS

15.1 Este instrumento é firmado em caráter de não exclusividade, sendo que os casos omissos serão resolvidos pela Credenciante, no âmbito das respectivas competências, a qual decidirá com base na legislação vigente.

CLÁUSULA 16 – DA ELEIÇÃO DE FORO

16.1 Fica eleito o foro da Comarca de Porto Velho, Estado de Rondônia, como o competente para dirimir todas as questões decorrentes da execução desse instrumento, renunciando as partes a qualquer outro por mais privilegiado que seja.

E, por se acharem de acordo, os representantes legais das partes assinam o presente, em três vias de igual teor e forma, na presença das testemunhas abaixo.

Porto Velho/RO, de de 20.....

CREDENCIANTE

CREDENCIADA

Testemunha
RG:
CPF:

Testemunha
RG:
CPF:

MODELO DE REQUERIMENTO DE CREDENCIAMENTO

CHAMAMENTO PÚBLICO Nº. ____/2022

Contratação de Credenciados que atuem na prestação de serviços para realização de exames e procedimentos na área de diagnóstico de Exames na Área de Patologia Clínica, de forma complementar aos procedimentos já existentes, com seus respectivos laudos, objetivando atender à Secretária de Estado da Saúde de Rondônia, de forma contínua, por um período de 12 (doze) meses.

O interessado abaixo qualificado requer sua inscrição no presente Credenciamento.

Nome/Razão Social:.....

CNPJ:.....

Endereço Comercial:.....

CEP:..... Cidade:..... Estado:.....

Telefone: () E-mail:

Profissional Responsável Técnico:

Conselho Regional de Classe do Profissional:.....

Identidade (RG) do Profissional:.....

CPF do Profissional:.....

Vínculo do profissional com a Empresa:.....

Por ser verdade, firmamos a presente.

Cidade/Estado, ____ de ____ de ____.

Assinatura do Representante Legal da Empresa/órgão,

Nome Completo e CPF do Representante Legal da Empresa/órgão _____

Cargo/_____